```
Lampan Lpan 14956 01 | Pkinase.HG33.8:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA |
                                                                                            Scil scict004728.1 | Pkinase.HG33.0:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA |
                                    Horcal_Hcv1.av93.c8.g92.i1 | Pkinase.HG33.0:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA
                                   ■Vmul Simscaffold14132 01 | Pkinase.HG33.0:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA |
                                   Coemet Cmet scaffold7250 01 | Pkinase.HG33.0:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA |
                                    -Lampan Lpan C418637 01 | Pkinase.HG33.0:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA |
                                    Beraby Baby sb330433 | Pkinase.HG33.0:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA
                                   Beraby_Baby_sb330434 | Pkinase.HG33.0:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA
                                         Horcal_Hcv1.av93.c8.g705.i1 | Pkinase.HG33.1:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA
                                                Vmul Simscaffold16240 01 | Pkinase.HG33.1:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA |
                                                    Coemet Cmet C585657 01 | Pkinase.HG33.1:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA |
                                             Beraby Baby sb355166 | Pkinase.HG33.1:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA |
                                           •Mlei_ML0702.g67.i1 | Pkinase.HG33.1:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA |
                                            Lampan Lpan 14545 01 | Pkinase.HG33.1:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA
                                         100 Lampan Lpan 14546 01 | Pkinase.HG33.1:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA
                                                                                              ■Cint ENSCINT00000030516 | Pkinase.HG33.2:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA
                                                                           Lampan Lpan 10114 01 | Pkinase.HG33.2:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA |
                                                                               Beraby_Baby_sb331638 | Pkinase.HG33.2:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA |
                                                                                ■Mlei ML1893.g9.i1 | Pkinase.HG33.2:like:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2/MAP2K3/MAP2K4/MAP2K5/MAP2K6/MAP2K7 | NA |
                                                       Cint ENSCINT00000035617 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                      Cgig XM 034467081.1 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                    Ctel gnl WGS AMQN CAPTEDRAFT mRNA173814 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                     ■Tetwil_g19839.t2 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                                Aque Aqu2.1.44349 001 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                          Gracom Gcom C555292 01 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                            ■Scil scict005681.2 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                     HoiH23 PIH23 003031-RA | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                       Hhon_g04103.t1 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                          _Tadh_wf_g3254.t1 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                        <sup>100</sup> TrH2 TrispH2 007285-RA | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                         Skow XM 006812473.1 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                       Spur XM 030976519.1 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                      Bralan_BLAG02000751_2 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                       •Drer_ENSDART00000052404 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                        ■Hsap ENST00000178640 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5
                                                        Mmus ENSMUST00000034920 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                           Hvul g31617 1 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                             Nemnom_g12318.t1 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                                  Morvir_scaffold22.g84.t4 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                     •Dgig XM 028553381.1 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                         ■Nvec v1g106419 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                         Exapal XM 021055691.2 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                               Spis_XP_022807882_1 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                                          Adig XM 015897044.1 | Pkinase.HG33.3:MAP2K5 | MAP2K5 |
                                               Gracom Gcom scaffold5532 01 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                            Scil scict014866.1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                   Emue Em0009g969a.t1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                   Aque_Aqu2.1.37811_001 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                   Ocar_g9163 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                   Nemnom g14514.t1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2
                                                   Morvir scaffold22.g52.t1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                    Hvul g33280 1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                          Coemet_Cmet_scaffold17927_01 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2
                                                      Too Vmul Simscaffold402 01 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                         Lampan Lpan C412819 01 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                             Bolinf Binf sb1212515 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                                   Horcal Hcv1.av93.c5.g1295.i1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                                  Horcal_Hcv1.av93.c5.g1295.i2 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                                   Beraby_Baby_sb320563 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                                     Bolinf Binf sb1248228 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                                       Mlei ML0299.g4.i1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                                     100 Vmul_sbMO433708 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2
                                                      ■Dmel_FBtr0071313 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2
                                                Tcas_TC004803_001 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2
                                                       •Cgig XM 011445058.3 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                         ■Ctel gnl WGS AMQN CAPTEDRAFT mRNA21500 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2
                                                      100 Ctel gnl WGS AMQN CAPTEDRAFT mRNA86310 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                         ■Bralan BLAG02001271 1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                         -■Skow_XM_006815136.1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                              Dgig XM 028555997.1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2
                                                                 -Adig XM 015899203.1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                                └-Spis XP 022803383 1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                                ■Exapal_XM_028662568.1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                                  ─-Nvec_v1g91949 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                                  Exapal XM 021052194.1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                                 Spur XM 776412.5 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                                      Cint ENSCINT00000008465 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2
                                                                     .■Tadh_TriadT54589 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                                  TrH2 TrispH2 001322-RA | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                                    ■HoiH23 PIH23 000533-RA | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 |
                                                                       ■Hhon g01237.t1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2
                                                                     <sup>100</sup> Hhon g05889.t1 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2
                                                               Drer_ENSDART00000025107 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | MAP2K1 |
                                                                 Hsap_ENST00000307102 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | MAP2K1 |
                                                               <sup>100</sup> Mmus ENSMUST00000005066 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | MAP2K1 |
                                                                  Drer ENSDART00000099839 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K2 |
                                                                  <sup>1</sup>-Drer ENSDART00000010048 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K2 |
                                                                  I ■ Mmus_ENSMUST00000143517 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K2 |
                                                                     _■Hsap_ENST00000262948 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K2 |
                                                                  100 - Hsap ENST00000467614 | Pkinase.HG33.4:AC011005.1/MAP2K1/MAP2K2 | AC011005.1/MAP2K2 |
                                                  Lampan Lpan 14008 01 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                    Vmul sbMO470762 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                    Coemet_Cmet_scaffold14470_01 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                      Coemet Cmet scaffold14467 01 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7
                                       100
                                                       Coemet Cmet scaffold14468 01 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                       Horcal Hcv1.av93.c13.g102.i1 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                   Beraby Baby sb326199 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                    Mlei_ML0776.g6.i1 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                   100 Vmul sbMO387872 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7
                                                     Aque Aqu2.1.32731 001 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                    Tetwil g5746.t1 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                               Ocar_g2325 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                 Plajan_Pjan_C559919_01 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                  Gracom Gcom scaffold16824 01 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                    Scil scict026240.1 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                        Scil scict007809.1 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                          Gracom_Gcom_scaffold16970_01 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                TrH2 TrispH2 003961-RA | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                            Tadh TriadT21281 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                Ч-HoiH23 PIH23 004161-RA | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                   Hvul g24693 1 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                  Morvir_scaffold231.g19.t1 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                   Dgig XM 028539026.1 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                   ■Spis XP 022786407 1 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                      Adig XM 015897653.1 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                   Exapal XM 021050977.2 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                  ■Nvec v1g229025 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                  Cint ENSCINT00000005970 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                 Bralan BLAG08001084 1 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                  •Drer ENSDART00000180413 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                   Hsap_ENST00000397983 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                      •Mmus ENSMUST00000003027 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7
                                                   100 Mmus ENSMUST00000145165 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7
                                                    Skow XM 002741736.2 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7
                                                      . Spur XM 030997581.1 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                      Spur_XM_030984542.1 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                     Cgig XM 011444696.3 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                      Ctel gnl WGS AMQN CAPTEDRAFT mRNA151233 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                            Tcas TC000385 001 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                             •Dmel FBtr0073747 | Pkinase.HG33.5:MAP2K7 | MAP2K7 |
                                                 Gracom Gcom scaffold16834 01 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                 Scil scict000579.1 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                      100
                                                           Gracom Gcom scaffold18425 01 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                            Scil scict007017.2 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                              Ocar g6664 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                              Plajan_Pjan_scaffold2671_01 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6
                                           100 Plajan Pjan scaffold2672_01 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6
                                                 ■Emue Em0020g172a.t1 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                              100 Emue_Em0020g170a.t1 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                    Tetwil g13414.t1 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                               Aque_Aqu2.1.34882_001 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                     --Aque Aqu2.1.38503 001 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                               •TrH2 TrispH2 004233-RA | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                            100 Tadh TriadT21026 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                               -- Hhon g03485.t1 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                              <sup>1</sup>■HoiH23_PIH23_002858-RA | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                    Hvul g12722 1 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                    Nemnom g9251.t1 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                 Morvir scaffold1.g162.t1 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6
                                                 •Dgig XM 028550757.1 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                 Spis XP 022784128 1 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6
                                                   Exapal XM 021055464.2 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                   ■Nvec v1g237148 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                 Nvec v1g144733 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                  Cint ENSCINT00000005492 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                    Tcas_TC005618_001 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                     •Dmel FBtr0073720 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                    Ctel gnl WGS AMQN CAPTEDRAFT mRNA164038 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                    -Cgig XM 011425182.3 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                   Bralan BLAG09000215 1 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                             Spur_XM_030984901.1 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                       Skow XM 006819903.1 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                       <sup>1</sup> ■Skow XM 006814622.1 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3/MAP2K6 |
                                                     Hsap ENST00000342679 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3 |
                                                  100 → Mmus ENSMUST00000019076 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K3 |
                                                    Drer_ENSDART00000175409 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K6 |
                                                       100 Hsap ENST00000590474 | Pkinase.HG33.6:MAP2K3/MAP2K6 | MAP2K6 |
                                                    Gracom Gcom C555222 01 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                  Ocar g6665 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                          Aque_Aqu2.1.38504_001 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                           ■Emue Em0020g81a.t1 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                          Tetwil g19329.t1 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                       100 Tetwil g19323.t2 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                    Horcal Hcv1.av93.c7.g971.i3 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                     Horcal_Hcv1.av93.c7.g971.i1 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                    <sup>98</sup> ■Horcal_Hcv1.av93.c7.g971.i2 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                Coemet Cmet scaffold15479 01 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                   ■Vmul Simscaffold11446 01 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                    Lampan Lpan 15947 01 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                       Mlei_ML0179.g47.i1 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                         Bolinf Binf sb1226772 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                       100 Bolinf Binf sb1226773 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                Morvir scaffold418.g3.t1 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                 ■Nemnom g10229.t1 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                      100
                                                    ■Hvul_g30599_1 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4
                                                   TrH2_TrispH2_003417-RA | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                               Tadh TriadT21381 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                  ■HoiH23 PIH23 000170-RA | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                100 Hhon g05508.t1 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                             Dgig_XM_028539426.1 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                               Spis_XP_022780271_1 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                 Exapal XM 021044216.2 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                 Nvec v1g83596 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                               <sup>100</sup> ■Nvec NVE11180 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                               Cgig_XM_011454078.3 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                  Ctel_gnl_WGS_AMQN_CAPTEDRAFT_mRNA141832 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                   ■Tcas TC005515 001 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                     ■Dmel FBtr0081892 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4
                                                ■Bralan BLAG09000997 2 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                    100 Spur XM 789397.5 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                    Cint ENSCINT00000015099 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                   Skow NM 001171248.1 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4
                                                   Drer ENSDART00000130761 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | NA |
                                                    □ Drer ENSDART00000113335 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                       Mmus ENSMUST00000046963 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
                                                     100 Hsap ENST00000415385 | Pkinase.HG33.7:MAP2K4 | MAP2K4 |
0.416667
```