HoiH23_PIH23_004028-RA | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
TrH2_TrispH2_010131-RA | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Tadh_TriadT51772 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
HoiH23_PIH23_000318-RA | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Hhon_g10109.t1 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
TrH2_TrispH2_001823-RA | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Tadh_TriadT56465 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Coemet_Cmet_scaffold17280_01 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Horcal_Hcv1.av93.c10.g174.i1 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Horcal_Hcv1.av93.c10.g174.i2 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Bolinf_Binf_sb1274017 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Mlei_ML1156.g1.i1 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Plajan_Pjan_scaffold22509_01 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Scil_scict001685.1 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Gracom_Gcom_C539558_01 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Aque_Aqu2.1.34481_001 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Aque_Aqu2.1.32857_001 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Emue_Em0028g41a.t1 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Tetwil_g20959.t1 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Morvir_scaffold235.g16.t1 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Nemnom_g2964.t1 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Hvul_g30_1 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Dgig_XM_028553204.1 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Spis_XP_022788271_1 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Exapal_XM_021037409.2 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Nvec_v1g81874 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Cgig_XM_034467760.1 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Ctel_gnl_WGS_AMQN_CAPTEDRAFT_mRNA197561 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Tcas_TC002609_001 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Dmel_FBtr0086504 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Skow_XM_006815565.1 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Spur_XM_011672941.2 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Bralan_BLAG04000003_1 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Cint_ENSCINT00000019505 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 |
Mmus_ENSMUST00000085835 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1 |
Hsap_ENST00000591517 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K1 |
Drer_ENSDART00000009367 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K2 |
Drer_ENSDART00000100351 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K2 |
Mmus_ENSMUST00000025897 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K2 |
Hsap_ENST00000294066 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K2 |
Drer_ENSDART00000029824 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K5 |
Hsap_ENST00000013125 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K5 |
Mmus_ENSMUST00000049239 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K5 |
Hsap_ENST00000263881 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K3 |
Mmus_ENSMUST00000112389 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K3 |
Drer_ENSDART00000101667 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K3 |
Drer_ENSDART00000157092 | Citron.HG2.0:MAP4K1/MAP4K2/MAP4K3/MAP4K5 | MAP4K3 |
0.416667