```
•Plajan Pjan scaffold23535 01 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
                            •Aque_Aqu2.1.37966_001 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
                          Tetwil g11364.t1 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
              100
                               •Emue_Em0018g1014a.t1 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
                             •Gracom Gcom C558314 01 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
    38
                              ·Scil scict024463.5 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
100
                              •Vmul_SimC400692 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
      36
                         100
                               •Coemet_Cmet_scaffold20144_01 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
                      100
                               Lampan Lpan 14449 01 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
                        96
                                 Horcal Hcv1.av93.c12.g498.i1 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
                              <sup>100</sup> Horcal_Hcv1.av93.c12.g498.i2 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
  43
                         •Hvul_g33780_1 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
                      •Nemnom_g18182.t1 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
           100
                99
                     •Morvir scaffold205.g26.t1 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
       98
                  Dgig XM 028554324.1 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
                   •Spis_XP_022791065_1 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
              96
                         •Adig XM 015913679.1 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
           100
                   •Exapal_XM_021042063.2 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
    59
               100
                   -Nvec v1g86734 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
                  ·Cint_ENSCINT00000025950 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
              rCtel_gnl_WGS_AMQN_CAPTEDRAFT_mRNA219620 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
            100
                    •Ctel_gnl_WGS_AMQN_CAPTEDRAFT_mRNA143217 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
       98
                  Cgig_XM_011443469.3 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1/MTSS2 |
         81
                       Spur XM 030975898.1 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | NA |
                       •Tcas_TC008993_001 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | NA |
           53
                 100
                          •Dmel_FBtr0302578 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | NA |
                     •Skow_XM_006816563.1 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | NA |
             59
                        •Spur_XM_030976088.1 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | NA |
                 83
                   92
                            •Bralan_BLAG07000447_1 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | NA |
                          •Drer ENSDART00000134146 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1 |
                        Hsap_ENST00000325064 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1 |
                     100 Mmus ENSMUST00000080371 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS1 |
                           •Bralan BLAG07000449 1 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS2 |
                         •Drer ENSDART00000045232 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | NA |
                         *Drer_ENSDART00000124075 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS2 |
                           -Hsap ENST00000338779 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS2 |
                         991 Mmus ENSMUST00000052457 | IMD.HG1.0:MTSS1/MTSS2 | MTSS2 |
                       -Tetwil_g26931.t2 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
             100
                               •Emue_Em0020g827a.t1 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
   98
                          +Scil_scict005110.2 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
                      •Plajan_Pjan_scaffold23608_01 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
        99
                100
                            Ocar g6666 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
                      Hvul g22102 1 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
                       Morvir scaffold352.g14.t1 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
           100
100
                          Nemnom_g10168.t1 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
                             <sub>|</sub> "Hhon_g01451.t1 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
                               -HoiH23_PIH23_002935-RA | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2
                                 TrH2_TrispH2_005996-RA | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
                               Tadh TriadT53684 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
  31
      93
                          Dgig_XM_028539291.1 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
                            *Spis XP 022805043 1 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
          95
                   97
                           •Adig XM 015910393.1 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
                100
                                    •Nvec_v1g210210 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
                             -Exapal XM 028660126.1 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
                     100
    72
                          100<sup>1</sup>-Exapal XM 021048623.2 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
                             ·Cgig_XM_034457571.1 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
                                Dmel_FBtr0076216 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2
            99
                              -Tcas_TC002906_001 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
                         •Skow_XM_006821253.1 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
       96
                         *Spur_XM_030984774.1 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
               100
                       <sup>100]</sup>-Spur XM 030999086.1 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
                          alan_BLAG09001010_1 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 |
         69
                           •Drer_ENSDART00000011166 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | NA |
                          Drer_ENSDART00000190446 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | NA |
                            •Drer_ENSDART00000159493 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2 |
           67
                     97
                             •Drer_ENSDART00000169889 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2 |
                            Mmus_ENSMUST00000026436 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2 |
                          <sup>100</sup> Hsap_ENST00000575245 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2 |
                 100
                                 -Hsap ENST00000005260 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2L1 |
                              100 - Mmus ENSMUST00000055190 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2L1 |
                                   •Drer ENSDART00000042006 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2L1 |
                                 -Drer_ENSDART00000101957 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2L1 |
                     100
                                             Hsap_ENST00000381669 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2L2 |
                                          100 Mmus ENSMUST00000165408 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2L2 |
                                  100
                                                 •Drer_ENSDART00000143811 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2L2 |
                                                •Drer ENSDART00000156814 | IMD.HG1.1:BAIAP2/BAIAP2L1/BAIAP2L2 | BAIAP2L2 |
```