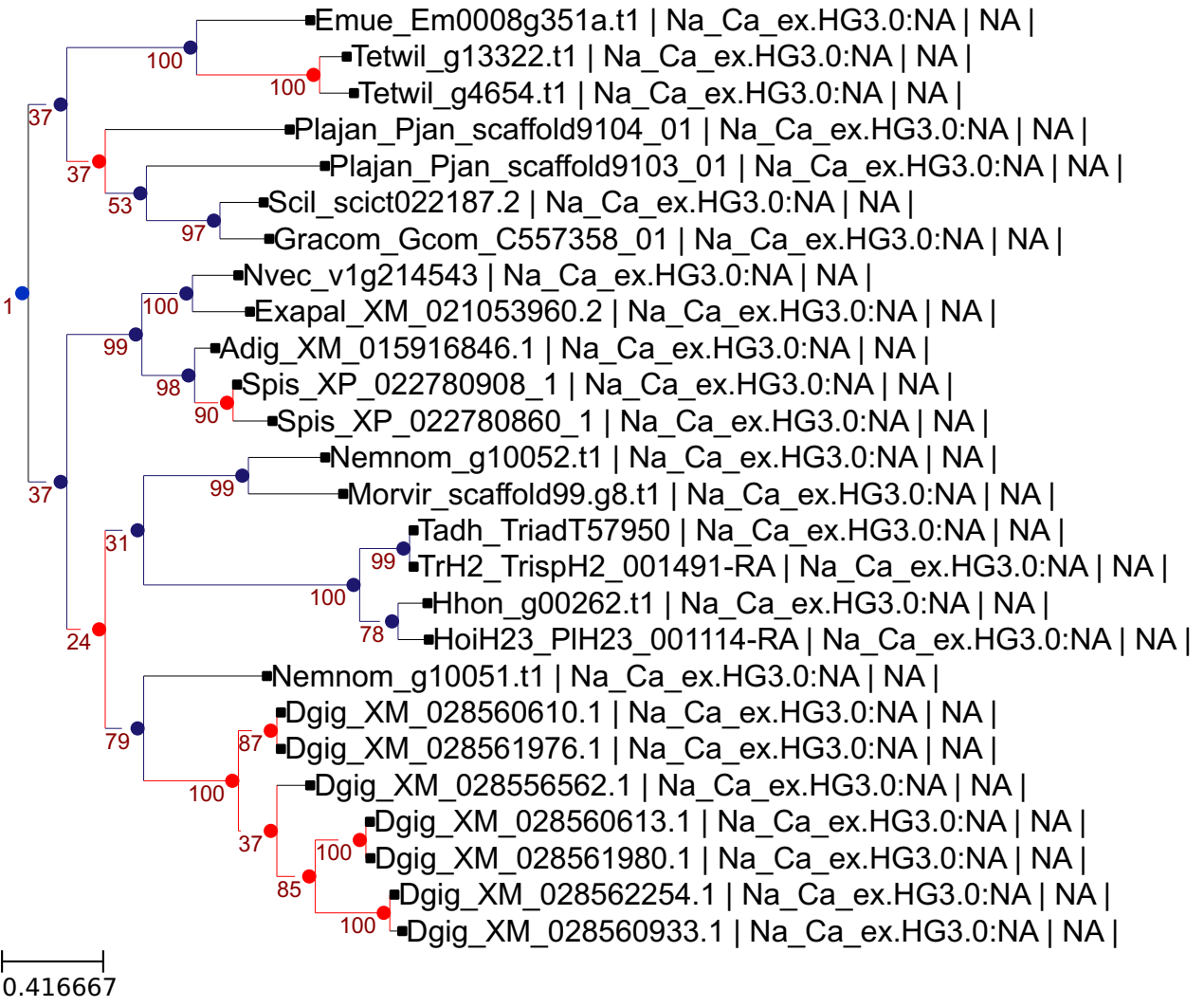
Emue_Em0008g351a.t1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Tetwil_g13322.t1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Tetwil_g4654.t1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Plajan_Pjan_scaffold9104_01 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Plajan_Pjan_scaffold9103_01 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Scil_scict022187.2 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Gracom_Gcom_C557358_01 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Nvec_v1g214543 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Exapal_XM_021053960.2 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Adig_XM_015916846.1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Spis_XP_022780908_1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Spis_XP_022780860_1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Nemnom_g10052.t1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Morvir_scaffold99.g8.t1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Tadh_TriadT57950 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
TrH2_TrispH2_001491-RA | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Hhon_g00262.t1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
HoiH23_PlH23_001114-RA | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Nemnom_g10051.t1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Dgig_XM_028560610.1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Dgig_XM_028561976.1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Dgig_XM_028556562.1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Dgig_XM_028560613.1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Dgig_XM_028561980.1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Dgig_XM_028562254.1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
Dgig_XM_028560933.1 | Na_Ca_ex.HG3.0:NA | NA |
100
100
37
37
53
97
1
100
99
98
90
37
99
31
99
100
78
24
79
87
100
37
100
85
100
0.416667