

Implementação IBL 1 e IBL 2

Thiago Senhorinha Rose (12100774)

Pré-requisitos

Esse trabalho foi desenvolvido utilizando a linguagem de programação R e utiliza as bibliotecas `readxl` para leitura de arquivos xlsx, `hashmap` para utilizar hashmap e `deldir` para triangulação Delaunay. Instale os pacotes no R com o seguinte comando:

```
install.packages(c("readxl", "hashmap", "deldir"), dependencies=TRUE)
```

Como executar?

1. Primeiramente é preciso entrar no modo de execução de scripts R na pasta raiz do projeto (`/ibl`)
2. Execute o arquivo do algoritmo escolhido (`ibl 1` ou `ibl 2`) com o comando abaixo:

```
source('ibl_1.R') # Para executar o algoritmo IBL 1  
source('ibl_2.R') # Para executar o algoritmo IBL 2
```

Obs: Por padrão o dataset escolhido foi o da Iris porém é possível trocar de dataset alterando a linha 3 do arquivo escolhido (`ibl_1.R` ou `ibl_2.R`). Exemplo de troca:

```
source('dependencies.R')  
  
dataset = CancerDataset$new() # <- Utilizando outro dataset  
. # linha 4  
. # linha 5  
. # ...
```