



Procès-verbal

Projet de Semestre 5

VisuDNA-II

Date: 29.11.2017
Heure: 09h00 - 09h30
Lieu: Salle D20.03, HES-SO, Fribourg

Participants: Beat Wolf (BW), Jonathan Stoppani (JS), Wagen Jean-Frédéric (WJ), Sébastien Bouquet (SB)

Agenda:

1. Approbation du PV de la dernière séance
 2. Compilation de Tulip
 3. Premier plugin python
 4. Planification des prochaines tâches et de la prochaine réunion
 5. AOB (Any Other Business)
-

Discussions:

Approbation du document d'organisation

Le document a été approuvé.

Compilation des sources

Rapport sur ce qui a pris le plus de temps durant cette semaine, c'est à dire la compilation des sources du programme sur Windows et Linux. Il était nécessaire de recompiler les sources pour créer une instance du programme en mode debug qui permet de tester le fonctionnement des plugins. La compilation sous Windows n'a pas réussi par contre la version Linux a été réalisée sans trop de difficultés.

Par la suite, l'ajout d'un plugin en C++ a été testée mais le plugin n'a pas pu être compilé car un fichier de configuration de Cmake n'était pas présent dans les sources du programme.

Plugin python

En plus des plugins C++, le programme permet de charger des plugins Python qui se sont avéré beaucoup plus simple à mettre en place puisqu'il n'y a pas besoin de les compiler. La seule option qui pourrait manquer pour la suite du projet est la possibilité de modifier l'interface graphique du logiciel ce qui avait été envisagé pour l'implémentation de l'ajout manuel d'annotations dans le graphe.

Le plugin Python présenté ne fait pas d'opération intéressante, il m'a permis de récupérer les vues affichées sur le programme et de récupérer le nom des éléments. Il semble qu'un plugin de ce type serait suffisant pour gérer l'ajout automatique des données patients, par exemple.

Une option de création de « méta nœud » qui permettent la fusion de deux nœuds sans perte d'informations pourrait être une option intéressante pour ce projet.

Planning

Aucune modification n'a été apportée au planning qui prévoyait deux semaines d'implémentation pour ce premier test. Pour la semaine prochaine, nous avons par contre décider d'essayer de terminer un plugin Python permettant l'ajout automatique d'annotations (uniquement pour les données patient) et d'arrêter d'essayer de modifier l'interface du programme car l'ajout automatique reste la partie la plus importante pour le programme final.

L'ajout des données peut soit ajouté de nouveaux nœuds reliés à ceux déjà présents dans l'interactome ou les fusionner avec ceux-ci.

Prochaine réunion

La prochaine réunion aura lieu le mercredi 06 décembre 2017 à 09h00.

Décisions

1. Le PV de la dernière séance est accepté
2. Pour le moment, abandon des tests de plugins C++.
3. Création du plugin Python permettant l'ajout des données patient sur le fichiers d'exemple en notre possession.
4. Réfléchir au possibilités de filtre du graphe augmenté.

Tâches à réaliser (ToDo):

	<i>Qui</i>	<i>Délai</i>
Rédaction du PV	SB	30.11.2017
Création d'un plugin Python d'ajout des données patient	SB	06.12.2017

Points ouverts:

1. Outil de visualisation des graphes (3 à départager)
2. Format de fichier à utiliser (préférence pour GraphML)
3. UC : généralisation des ajouts d'annotations manuel et automatique pourrait être supprimée.
4. Affichage des données patients comme d'autre nœuds du graphe.

Date et lieu de la prochaine réunion: *mercredi 06 décembre à 09h00, salle D20.03*