# Ajout des données patient

## 1 : Sommaire d’identification :

**Résumé** : Transforme un graphe d’interactome en graphe augmenté à l’aide d’un fichier externe

**Acteurs** : utilisateur, BD

**Auteur** : Sébastien Bouquet

**Date de création** : 12.11.2017 **Modifications** :

**Version** : 1.0 **Responsable** :

## 2 : Description des enchaînements :

**Pré conditions** : visualisation d’un graphe

Scénario nominal

1. L’utilisateur sélectionne un fichier contenant les données d’un patient (fichier texte)
2. L’utilisateur peut définir certaines options graphique comme la couleur des nouveaux nœuds, leur taille, idem pour les liens.
3. Le système *parse* le fichier spécifié et ajoute les informations au graphe actuellement affiché. Afficher une barre de chargement si le temps de travail dépasse 1 seconde.
4. Les nouvelles données sont visibles dans le graphe et des liens sont créés entre les nœuds patients et les gènes vers lesquels ils possèdent des mutations.

Enchaînements alternatifs

A1 : *Certaines lignes du fichier ne peuvent pas être intégrées*

* Démarre au point 3 du scénario nominal

1. Une ou plusieurs lignes du fichier annexe ne peuvent pas être intégrées au graphe (eg. elles font référence à un gène non présent dans le graphe).
2. Le système omet cette ligne, enregistre qu’elle n’a pas pu être traitée et contenu de parser le fichier.
3. Le système informe l’utilisateur que certaines informations du fichier sélectionné n’ont pas pu être intégrées au graphe.
4. Reprend au point X du scénario nominal

Enchaînements d’exception

E1 : *Le fichier sélectionné n’a pas pu être intégré.*

* Démarre au point 3 du scénario nominal

1. Le fichier fourni ne peut pas être traité (mauvais format ou fichier illisible)
2. Le système affiche un message d’erreur
3. Retour à la visualisation
4. Le cas est terminé