

# Tema 1 — Introducción al Tratamiento de Datos (ejemplos con R base)

Tratamiento de Datos · Grado en Ciencia de Datos (UV)

Marcelino Martínez

2026-02-04

## 1. Introducción al Tratamiento de Datos

Este documento acompaña al **Tema 1** (PDF de teoría) con ejemplos **exclusivamente en R base** (sin tidyverse, sin paquetes externos) para ilustrar:

- Por qué analizamos datos.
- Visión global de un problema de tratamiento de datos.
- Primeros pasos con un dataset.
- Caracterización: estadísticos, valores perdidos/anómalos, transformaciones.
- Idea de **codebook (metadata)**.
- Las **4R** del Análisis Exploratorio (Tukey): *Residuos, Reexpresión, Resistencia, Revelación*.

Nota: La visualización “avanzada” se verá más adelante; aquí usamos `plot()`, `hist()`, `boxplot()` y `pairs()`.

### 1.1 ¿Por qué analizar datos?

Un análisis de datos sirve para **comprender, predecir y tomar decisiones** con evidencia.

```
# Ejemplo mínimo: una serie de medidas (p. ej., tiempos de reacción en ms)
x <- c(210, 205, 198, 220, 215, 400) # ojo: 400 podría ser un valor atípico
mean(x)      # promedio
```

```
[1] 241.3333
median(x)    # mediana (más resistente a outliers)
```

```
[1] 212.5
```

Interpretación rápida: - La **media** se “tira” hacia 400. - La **mediana** es más estable si hay valores extremos.

### 1.2 Visión global de un problema de Tratamiento de Datos

En un problema real, típicamente iteramos por etapas:

1. **Definir el problema** (preguntas, contexto).
2. **Recopilar/obtener datos** (fuentes, formato, volumen).
3. **Limpieza y preprocesamiento** (missing, errores, duplicados).
4. **EDA** (estadística descriptiva + visualización + patrones).
5. **Modelado** (si procede) y **comunicación** (tablas/gráficos/informe).

### 1.2.1 Simulación de un “raw dataset” y su paso a “technically correct”

```
raw <- data.frame(  
  id = c("001", "002", "003", "003"),           # duplicado  
  edad = c("19", "20", "-5", "21"),            # edad negativa (inconsistente)  
  sexo = c("M", "F", "X", "F"),                # categoría inesperada (X)  
  peso = c("72.4", "NA", "68.1", "70.2"),      # "NA" como texto  
  stringsAsFactors = FALSE  
)  
raw  
  
  id edad sexo peso  
1 001   19     M 72.4  
2 002   20     F   NA  
3 003   -5     X 68.1  
4 003   21     F 70.2  
  
str(raw)  
  
'data.frame': 4 obs. of 4 variables:  
$ id : chr "001" "002" "003" "003"  
$ edad: chr "19" "20" "-5" "21"  
$ sexo: chr "M" "F" "X" "F"  
$ peso: chr "72.4" "NA" "68.1" "70.2"
```

Technically correct: tipos correctos (numéricos donde toca), NA reales, etc.

```
tc <- raw  
tc$edad <- as.integer(tc$edad)  
tc$peso <- as.numeric(tc$peso) # convierte "NA" a NA real  
tc
```

```
  id edad sexo peso  
1 001   19     M 72.4  
2 002   20     F   NA  
3 003   -5     X 68.1  
4 003   21     F 70.2  
  
str(tc)  
  
'data.frame': 4 obs. of 4 variables:  
$ id : chr "001" "002" "003" "003"  
$ edad: int 19 20 -5 21  
$ sexo: chr "M" "F" "X" "F"  
$ peso: num 72.4 NA 68.1 70.2
```

### 1.2.2 “Consistent data”: reglas básicas de consistencia

Definimos reglas mínimas (ejemplo didáctico): - edad debe ser  $\geq 0$  - sexo debe ser {M,F} - id no debe repetirse

```
# Detección de problemas  
which(tc$edad < 0)
```

```
[1] 3  
setdiff(unique(tc$sexo), c("M", "F"))  
  
[1] "X"
```

```
duplicated(tc$id)
[1] FALSE FALSE FALSE TRUE
# Filtrado "rápido" (ejemplo): eliminamos registros inconsistentes o duplicados
consistent <- tc[tc$edad >= 0 & tc$sexo %in% c("M","F") & !duplicated(tc$id), ]
consistent

  id edad sexo peso
1 001   19    M 72.4
2 002   20    F   NA
```

## 2. Primeros pasos cuando analizas un conjunto de datos

El Tema 1 propone comprobar rápidamente:

1. N° de registros (filas), 2. N° de variables (columnas), 3. Tipos,
2. valores perdidos, 5. variables esperadas, 6. valores consistentes,
3. relaciones razonables.

Usaremos airquality (incluido con R) porque tiene **valores perdidos**.

```
data(airquality) # dataset base
dim(airquality) # (filas, columnas)

[1] 153   6
names(airquality)

[1] "Ozone"    "Solar.R"   "Wind"      "Temp"      "Month"     "Day"

str(airquality)

'data.frame': 153 obs. of 6 variables:
 $ Ozone : int 41 36 12 18 NA 28 23 19 8 NA ...
 $ Solar.R: int 190 118 149 313 NA NA 299 99 19 194 ...
 $ Wind   : num 7.4 8 12.6 11.5 14.3 14.9 8.6 13.8 20.1 8.6 ...
 $ Temp   : int 67 72 74 62 56 66 65 59 61 69 ...
 $ Month  : int 5 5 5 5 5 5 5 5 5 ...
 $ Day    : int 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 ...
```

### 2.1 Valores perdidos (missing values)

```
colSums(is.na(airquality)) # n° de NA por variable

Ozone Solar.R   Wind    Temp   Month    Day
37       7       0       0       0       0

sum(!complete.cases(airquality)) # n° de filas con al menos un NA

[1] 42
# Ejemplo de estrategias "base":
aq_complete <- na.omit(airquality)           # eliminar filas con NA
aq_impute  <- airquality
aq_impute$Ozone[is.na(aq_impute$Ozone)] <- median(aq_impute$Ozone, na.rm = TRUE) # imputación simple
```

### 3. Caracterización de los datos

#### 3.1 Estadísticos descriptivos (media, mediana, varianza, desviación típica)

```
summary(airquality) # resumen rápido
```

Ozone	Solar.R	Wind	Temp	Month	Day
Min. : 1.00	Min. : 7.0	Min. : 1.700	Min. :56.00	Min. :5.000	Min. : 1.0
1st Qu.: 18.00	1st Qu.:115.8	1st Qu.: 7.400	1st Qu.:72.00	1st Qu.:6.000	1st Qu.: 8.0
Median : 31.50	Median :205.0	Median : 9.700	Median :79.00	Median :7.000	Median :16.0
Mean : 42.13	Mean :185.9	Mean : 9.958	Mean :77.88	Mean :6.993	Mean :15.8
3rd Qu.: 63.25	3rd Qu.:258.8	3rd Qu.:11.500	3rd Qu.:85.00	3rd Qu.:8.000	3rd Qu.:23.0
Max. :168.00	Max. :334.0	Max. :20.700	Max. :97.00	Max. :9.000	Max. :31.0
NA's :37	NA's :7				

```
mean(airquality$Temp, na.rm = TRUE)
```

```
[1] 77.88235
```

```
var(airquality$Temp, na.rm = TRUE)
```

```
[1] 89.59133
```

```
sd(airquality$Temp, na.rm = TRUE)
```

```
[1] 9.46527
```

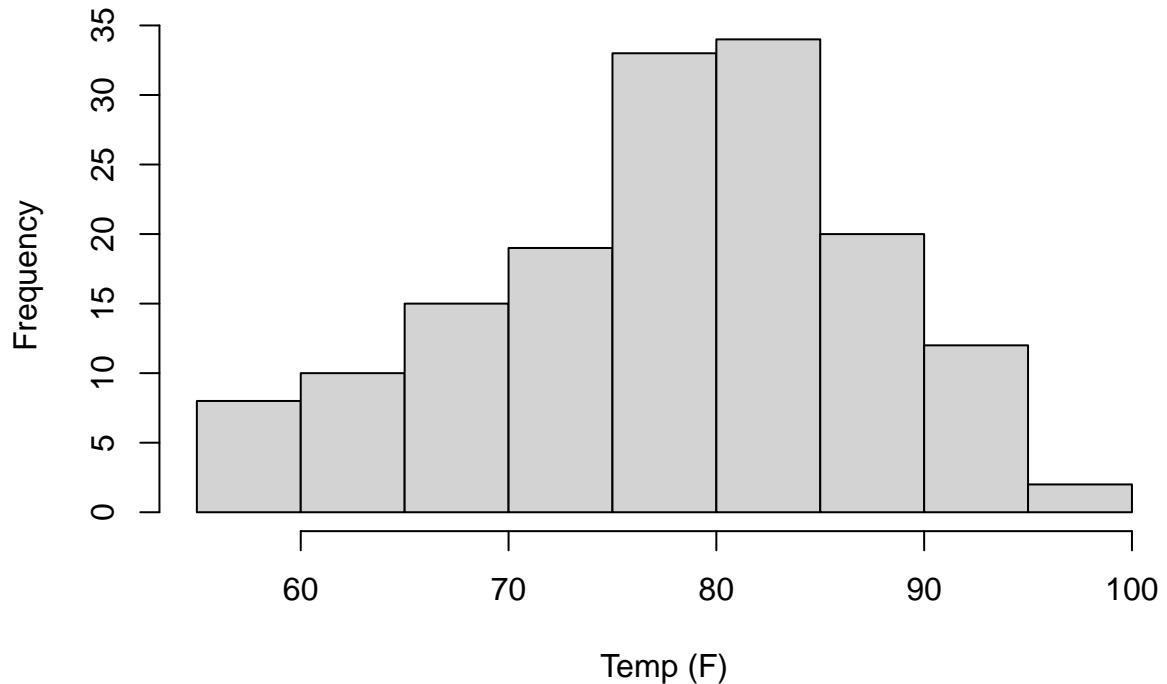
```
# "5-number summary" (min, Q1, mediana, Q3, max)
fivenum(airquality$Temp)
```

```
[1] 56 72 79 85 97
```

#### 3.2 Análisis visual (R base)

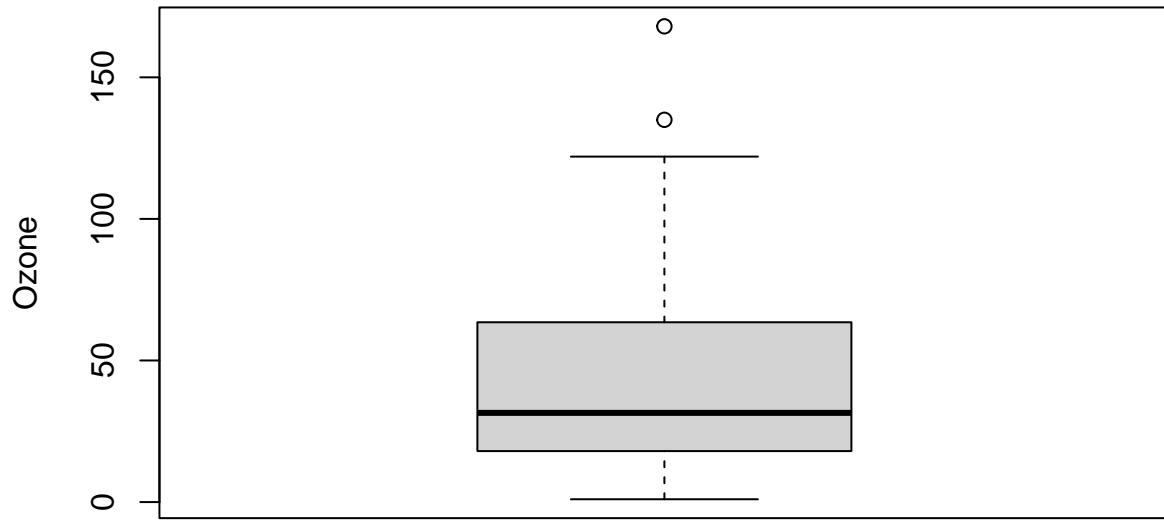
```
hist(airquality$Temp, main="Histograma de Temp", xlab="Temp (F)")
```

## Histograma de Temp



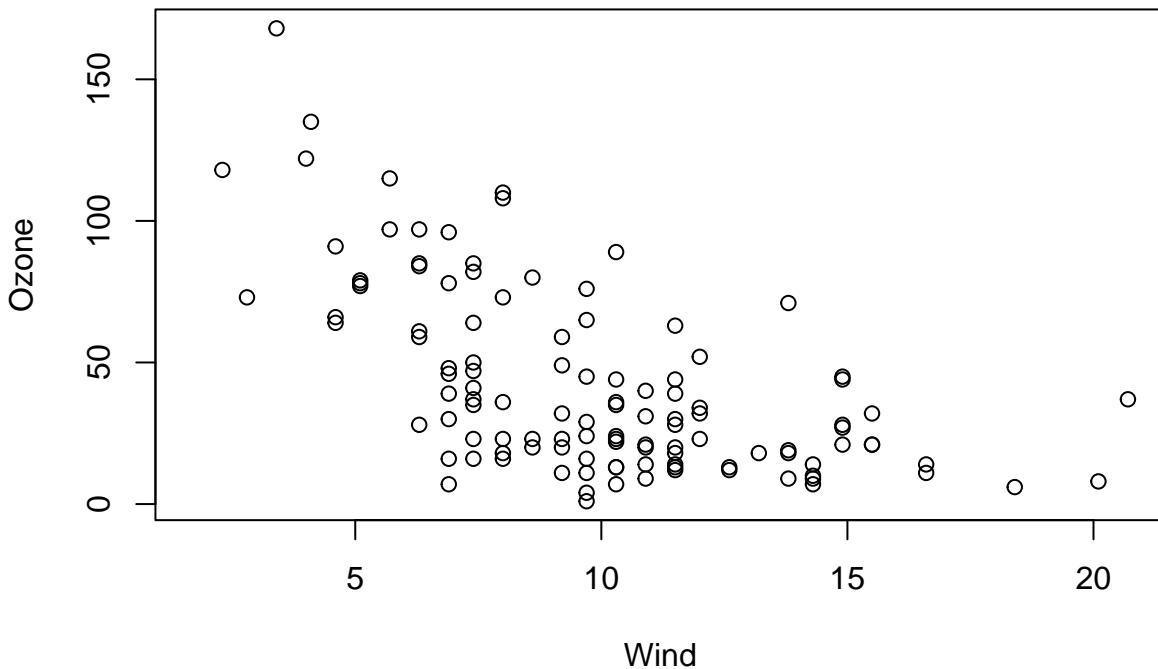
```
boxplot(airquality$Ozone, main="Boxplot de Ozone (con NA)", ylab="Ozone")
```

## Boxplot de Ozone (con NA)



```
# Relaciones bivariantes
plot(airquality$Wind, airquality$Ozone,
      xlab="Wind", ylab="Ozone", main="Ozone vs Wind")
```

## Ozone vs Wind



### 3.3 Datos inusuales / anómalos / perdidos

Una detección simple de outliers usa el IQR (rango intercuartílico).

```
oz <- airquality$Ozone
q <- quantile(oz, probs=c(0.25, 0.75), na.rm=TRUE)
iqr <- q[2] - q[1]
lim_inf <- q[1] - 1.5*iqr
lim_sup <- q[2] + 1.5*iqr

which(oz < lim_inf | oz > lim_sup) # índices candidatos a outlier (con NA no pasa nada)

[1] 62 117
c(lim_inf=lim_inf, lim_sup=lim_sup)

lim_inf.25% lim_sup.75%
-49.875      131.125
```

## 4. Codebook (metadata): idea y ejemplo mínimo

Un **codebook** describe el dataset y cada variable (definición, unidades, rango, códigos de missing...).

Ejemplo didáctico (mini-codebook en R):

```
codebook <- data.frame(
  variable = c("Ozone", "Solar.R", "Wind", "Temp", "Month", "Day"),
  tipo      = c("num", "num", "num", "num", "int", "int"),
```

```

    unidad  = c("ppb", "Ly", "mph", "F", "mes", "día"),
    rango   = c("0..~200", "0..~350", "0..~25", "50..100", "5..9", "1..31"),
    missing  = c("NA", "NA", "NA", "NA", "NA", "NA"),
    stringsAsFactors = FALSE
)
kable(codebook)

```

variable	tipo	unidad	rango	missing
Ozone	num	ppb	0..~200	NA
Solar.R	num	Ly	0..~350	NA
Wind	num	mph	0..~25	NA
Temp	num	F	50..100	NA
Month	int	mes	5..9	NA
Day	int	día	1..31	NA

## 5. Las 4R del Análisis Exploratorio (Tukey) con ejemplos en R base

### 5.1 Residuos: lo que el modelo no explica

Ajustamos un modelo lineal simple y analizamos residuos.

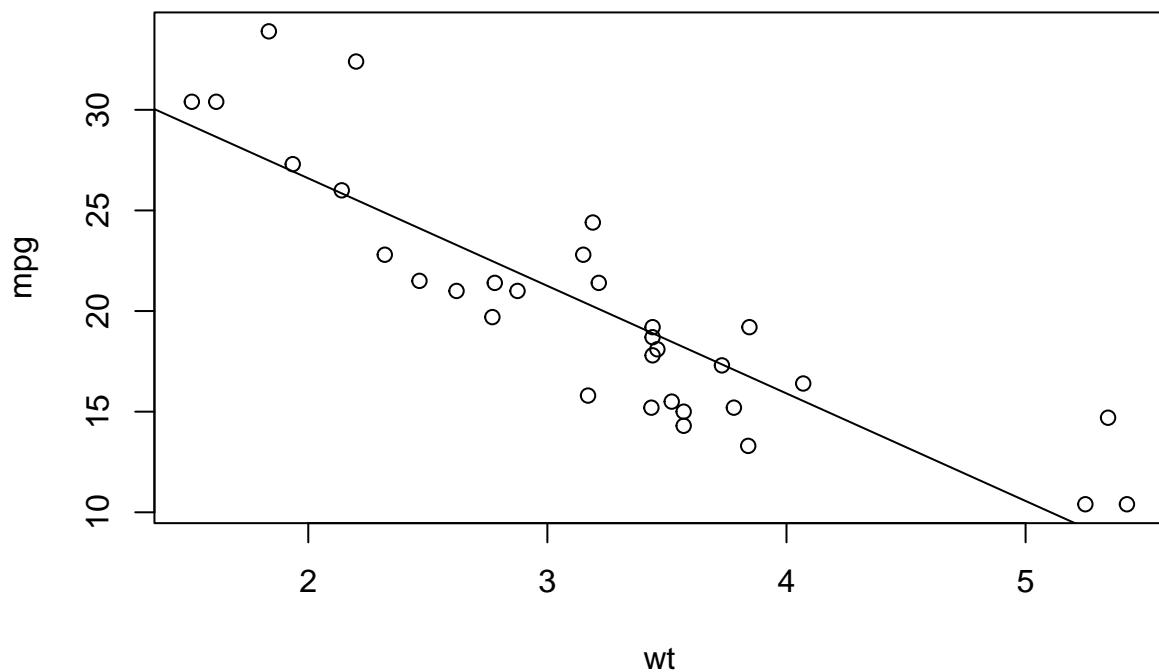
```

data(mtcars) # dataset base
fit <- lm(mpg ~ wt, data = mtcars)

# Señal observada vs estimada
plot(mtcars$wt, mtcars$mpg, xlab="wt", ylab="mpg", main="mpg ~ wt (observado y estimado)")
abline(fit)

```

## mpg ~ wt (observado y estimado)



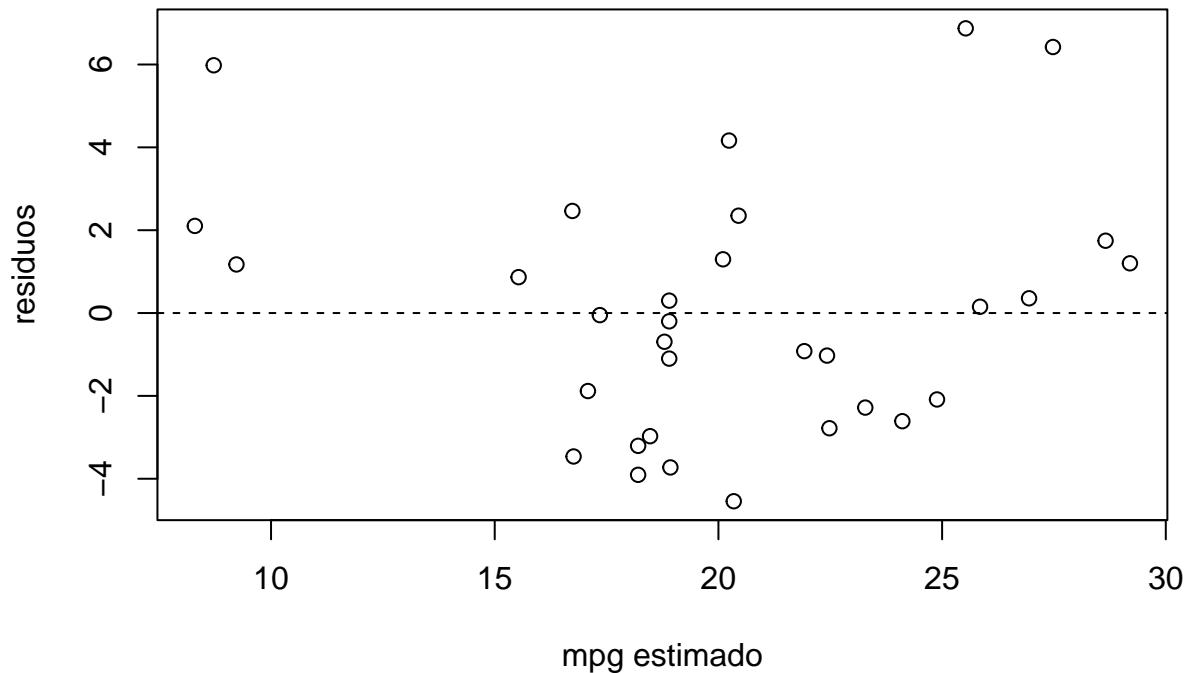
```
# Residuos
res <- residuals(fit)
summary(res)
```

Min.	1st Qu.	Median	Mean	3rd Qu.	Max.
-4.5432	-2.3647	-0.1252	0.0000	1.4096	6.8727

Visualizamos residuos (deberían oscilar alrededor de 0 sin patrón claro si el modelo es razonable).

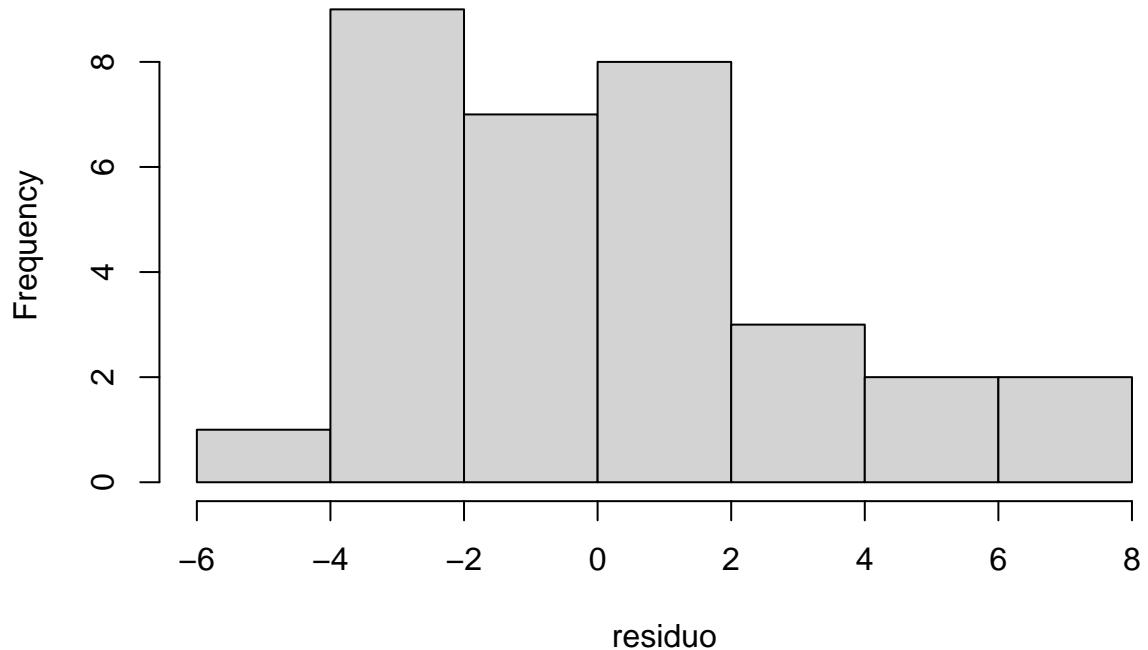
```
plot(fitted(fit), res, xlab="mpg estimado", ylab="residuos", main="Residuos vs estimado")
abline(h=0, lty=2)
```

## Residuos vs estimado



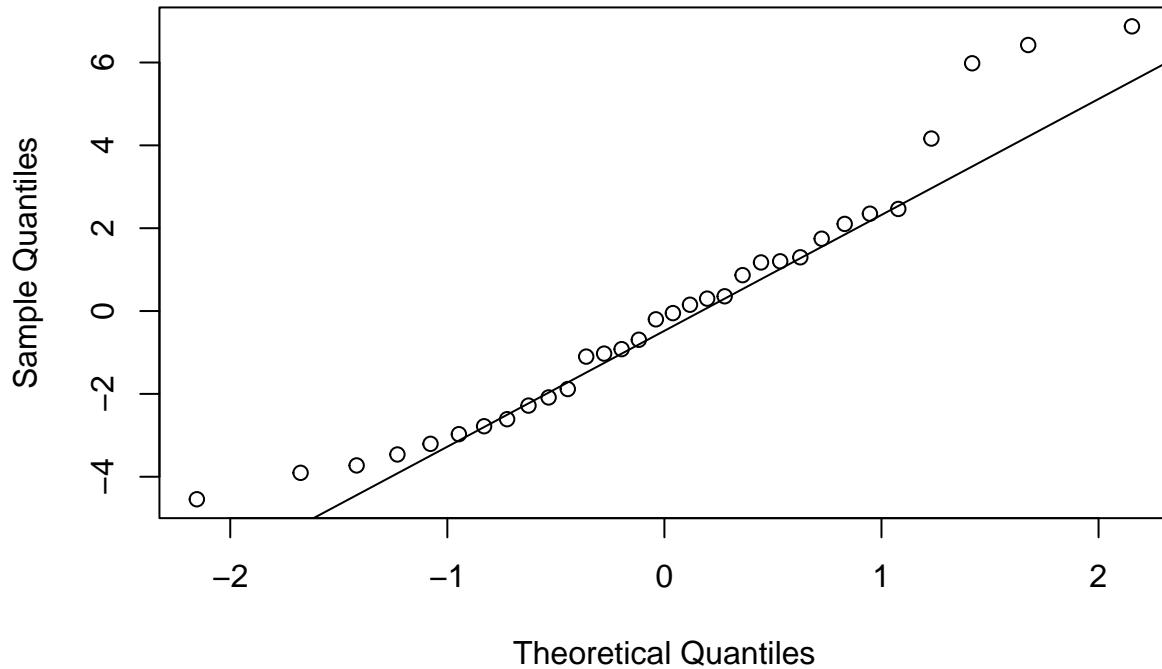
```
hist(res, main="Histograma de residuos", xlab="residuo")
```

## Histograma de residuos



```
qqnorm(res); qqline(res)
```

## Normal Q-Q Plot



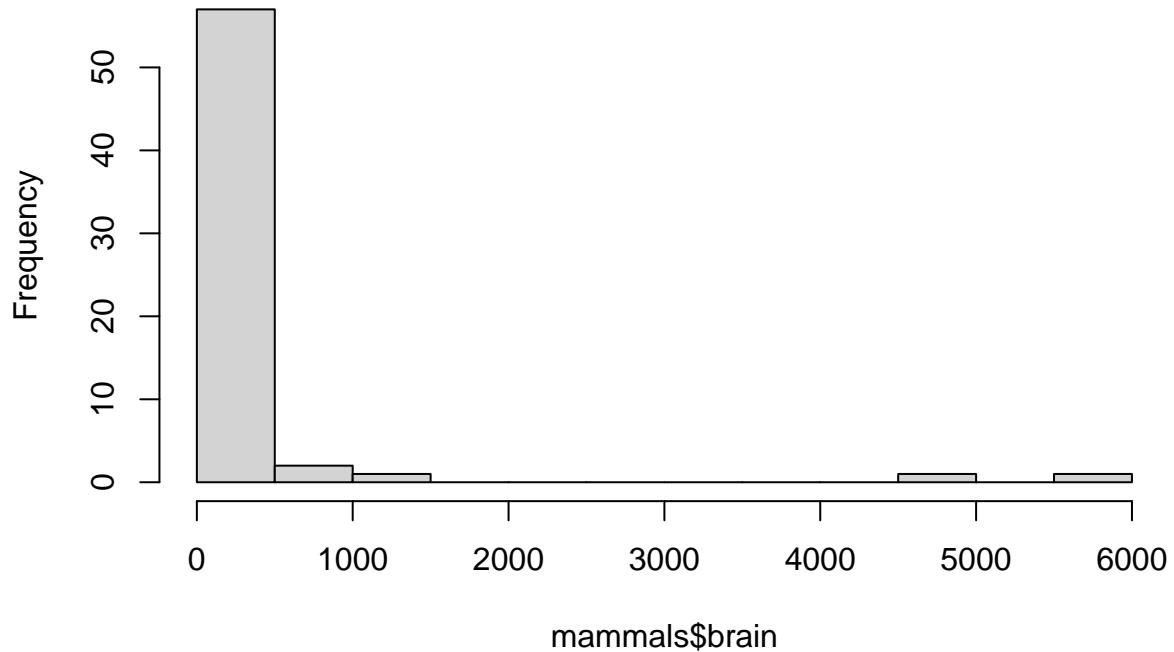
### 5.2 Reexpresión: transformaciones para revelar estructura

Cuando una variable es muy sesgada, una transformación (p. ej.  $\log$ ) puede ayudar.

```
# Ejemplo: relación no lineal simple
y <- mtcars$mpg
x <- mtcars$wt
library(MASS)

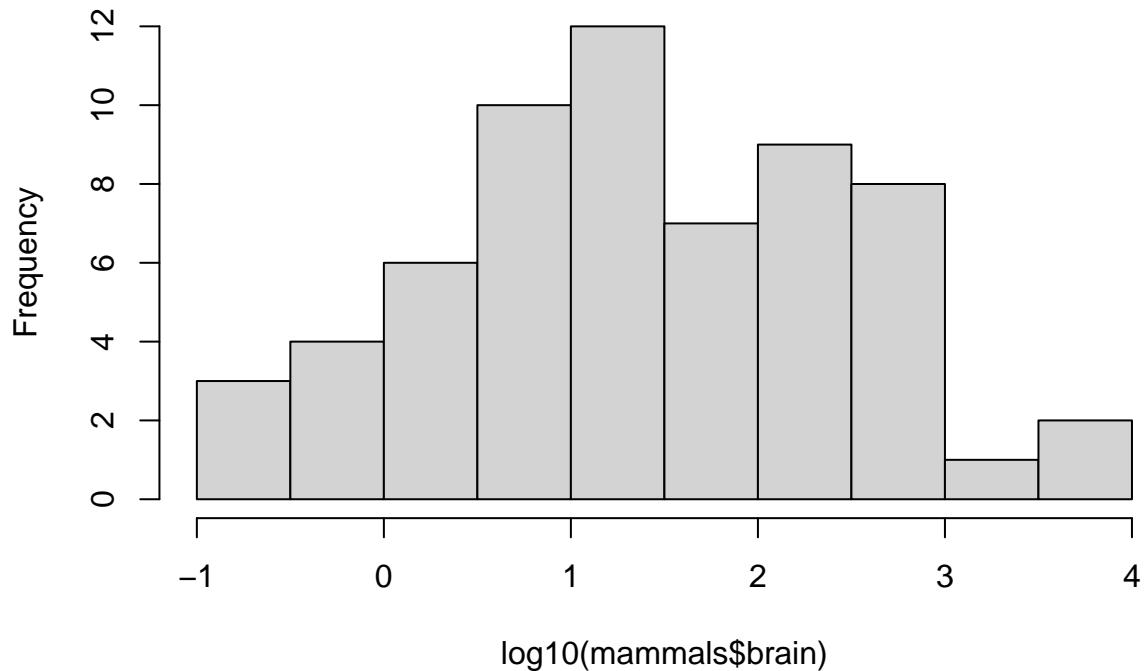
# Transformación log (solo como ejemplo: no siempre procede)
hist(mammals$brain, breaks = 10, main="Histograma `brain` (original)")
```

Histograma 'brain' (original)



```
hist(log10(mammals$brain),breaks = 10,main="Histograma `log(brain)` (transformado)")
```

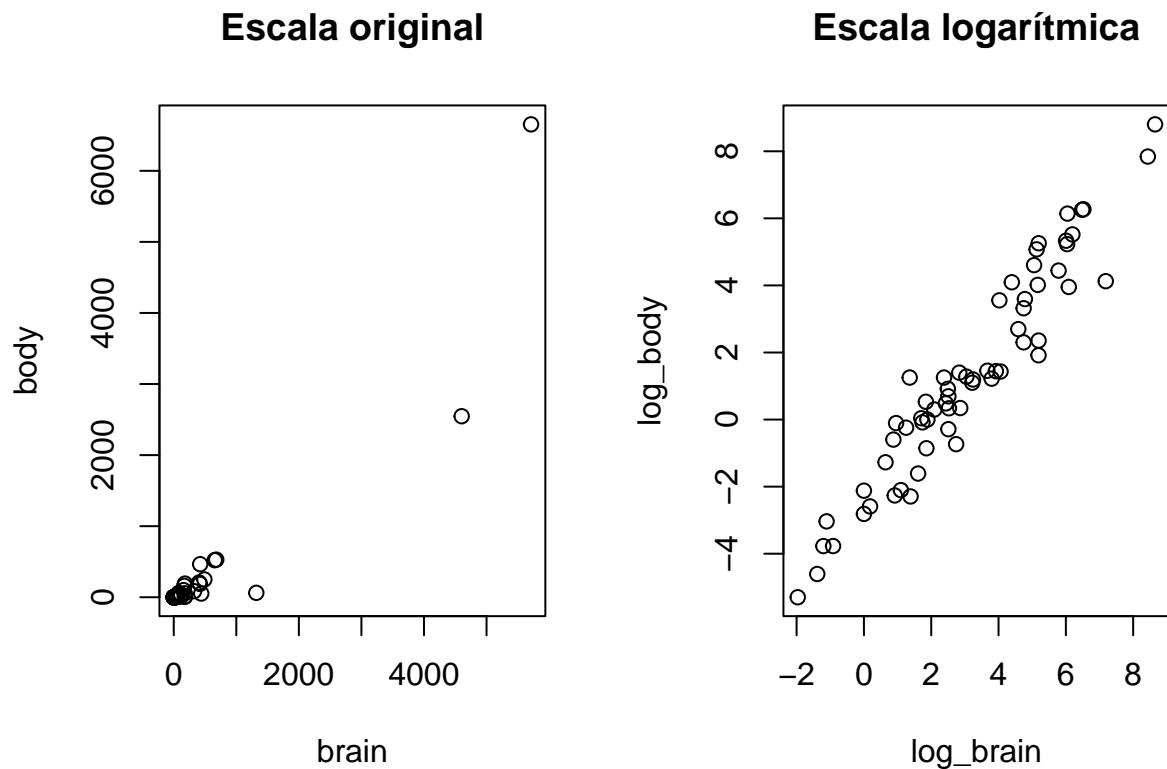
## Histograma 'log(brain)' (transformado)



```
library(MASS)
data(mammals)

# Transformación logarítmica
mammals$log_body <- log(mammals$body)
mammals$log_brain <- log(mammals$brain)

# Visualización
par(mfrow=c(1,2))
plot(body ~ brain, data=mammals, main="Escala original")
plot(log_body ~ log_brain, data=mammals, main="Escala logarítmica")
```



### 5.3 Resistencia: medidas poco sensibles a outliers

Comparación de media vs mediana; ejemplo con un outlier artificial.

```
z <- c(10, 11, 9, 10, 10, 200)    # 200 es outlier
mean(z)
```

```
[1] 41.66667
```

```
median(z)
```

```
[1] 10
```

```
# Media recortada (trim) en R base
mean(z, trim = 0.2)
```

```
[1] 10.25
```

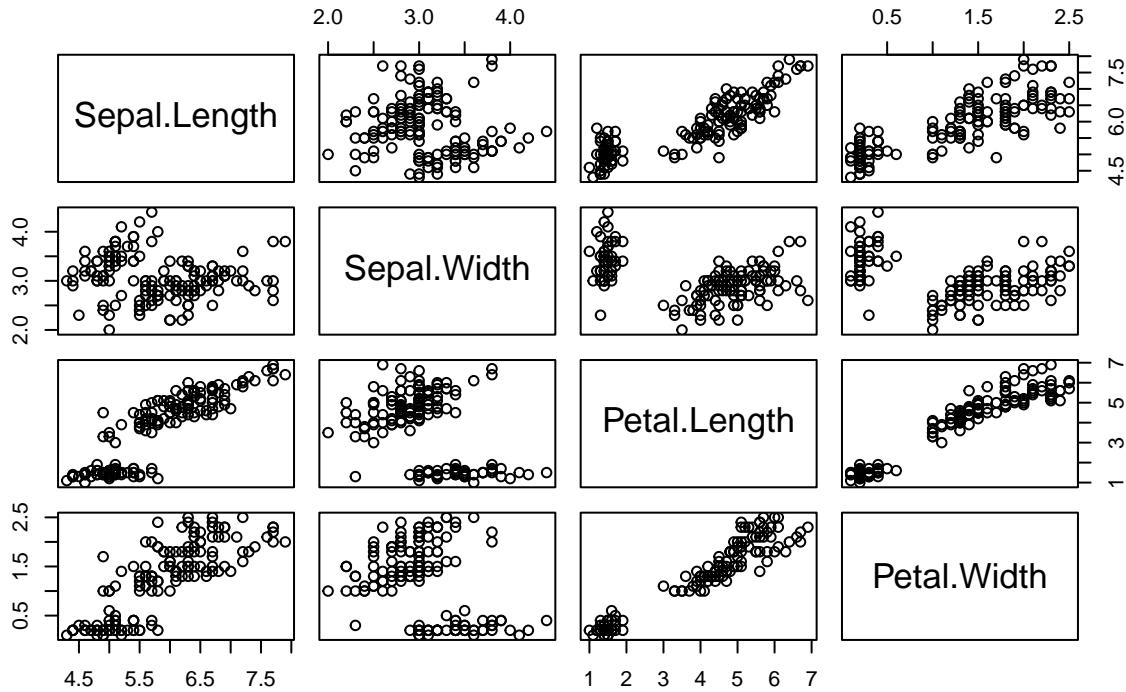
### 5.4 Revelación: visualizar para “ver” patrones

Ejemplo: matriz de dispersión `pairs()` y boxplots por grupos (iris está en R base).

```
data(iris)
```

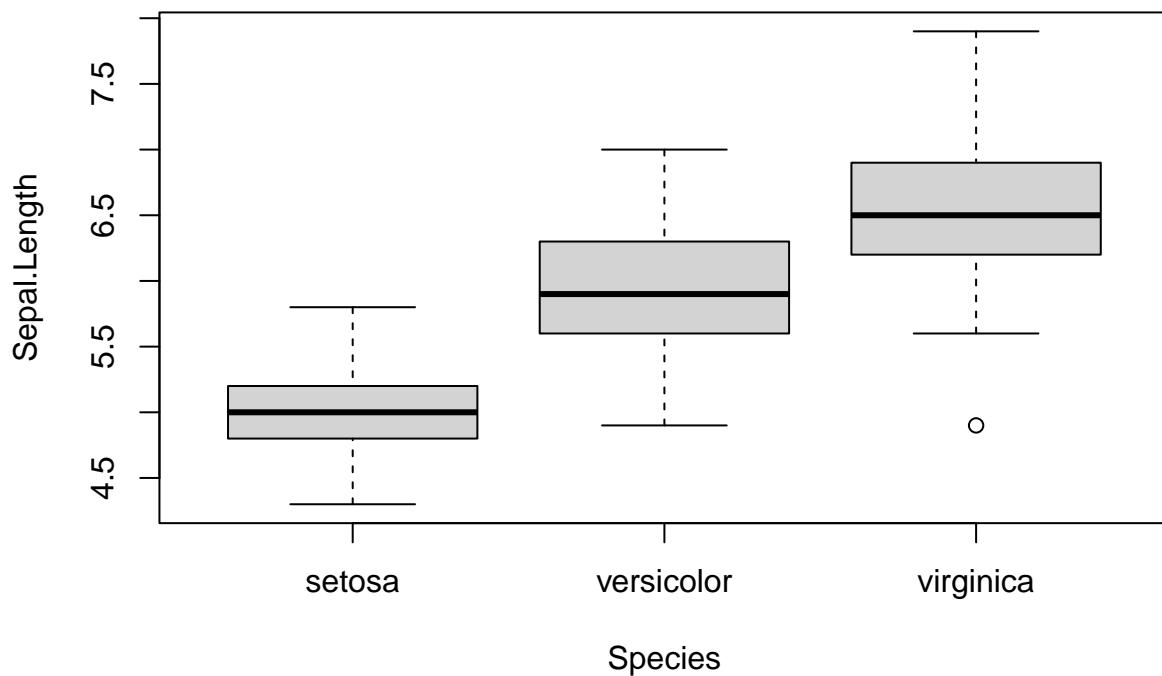
```
pairs(iris[1:4], main="Iris: matriz de dispersión (R base)")
```

## Iris: matriz de dispersión (R base)



```
boxplot(Sepal.Length ~ Species, data=iris, main="Sepal.Length por especie", ylab="Sepal.Length")
```

## Sepal.Length por especie



## 6. Fuentes de datos y cómo importarlas (sin paquetes)

Ejemplo de importación “clásica” con `read.csv()`: - Desde fichero local: `read.csv("mis_datos.csv")` - Desde URL (si la red lo permite): `read.csv("https://.../archivo.csv")`

Aquí creamos un CSV temporal para simular el flujo completo:

```
tmp <- tempfile(fileext = ".csv")
write.csv(head(airquality, 10), tmp, row.names = FALSE)

d <- read.csv(tmp)
head(d)
```

```
Ozone Solar.R Wind Temp Month Day
1    41     190  7.4   67      5   1
2    36     118  8.0   72      5   2
3    12     149 12.6   74      5   3
4    18     313 11.5   62      5   4
5    NA      NA 14.3   56      5   5
6    28      NA 14.9   66      5   6
```

```
str(d)

'data.frame': 10 obs. of 6 variables:
 $ Ozone : int  41 36 12 18 NA 28 23 19 8 NA
 $ Solar.R: int  190 118 149 313 NA NA 299 99 19 194
 $ Wind   : num  7.4 8 12.6 11.5 14.3 14.9 8.6 13.8 20.1 8.6
```

```
$ Temp   : int  67 72 74 62 56 66 65 59 61 69  
$ Month  : int  5 5 5 5 5 5 5 5 5 5  
$ Day    : int  1 2 3 4 5 6 7 8 9 10
```

## Bibliografía (del Tema 1)

- Pearson, R. K. *Exploratory Data Analysis Using R*. Chapman & Hall/CRC (2018).