CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CnorvA	ATA	False	False	186	-0.751949	13	148	False	3	5	0.236
CfrijA	ATA	False	False	138	-0.812094	13	118	False	1	1	0.199
CgallA	ATA	False	False	88	-0.762260	13	65	False	2	2	0.201
CviswA	ATT	False	False	82	-0.834571	13	73	False	1	1	0.000
CdefoA	ATA	False	False	89	-0.750127	12	65	False	2	2	0.202
PpastA	ATA	False	False	140	-0.844865	13	112	False	1	1	0.199
SjapoA	ATC	False	False	30	-0.725465	7	16	False	1	1	0.000
	ATT	False	False	104	-0.726616	7	63	False	3	3	0.000
	ATA	False	False	29	-0.750903	6	17	False	1	1	0.243
SpombA	ATC	False	False	32	-0.512188	6	15	False	1	1	0.000
	ATT	False	False	84	-0.839041	7	54	False	1	1	0.000
CvartA	ATA	False	False	40	-0.708387	9	31	False	1	1	0.152
	ATT	False	False	187	-0.849304	13	155	False	1	2	0.000
CdubIA	ATA	False	False	96	-0.830158	12	89	False	1	1	0.199
CalbiE	ATA	False	False	59	-0.811506	6	55	False	1	1	0.250
CtetrA	ATA	False	False	106	-0.816599	13	94	False	1	1	0.199
CalbiC	ATA	False	False	109	-0.838628	12	103	False	1	1	0.199
CalbiB	ATA	False	False	109	-0.838628	12	103	False	1	1	0.199
CalbiA	ATA	False	False	99	-0.839149	11	93	False	1	1	0.199
CzempA	ATA	False	False	91	-0.728783	7	57	False	1	1	0.251
	ATT	False	False	74	-0.677155	6	41	False	2	2	0.000
CalbiD	ATA	False	False	100	-0.839996	11	94	False	1	1	0.199
CgigaA	ATT	False	False	22	-0.710123	9	21	False	1	1	0.000
CcoryA	ATT	False	False	75	-0.838227	13	64	False	1	1	0.000
CbohiA	ATA	False	False	129	-0.840800	13	116	False	1	1	0.199
WmucoA	ATA	False	False	42	-0.612805	6	27	False	2	2	0.191
	ATT	False	False	172	-0.837766	13	140	False	1	3	0.000
	ATA	False	False	223	-0.804971	13	145	False	2	3	0.060
CsantA	ATC	False	False	5	0.162887	4	3	False	1	1	0.002
	ATT	False	False	38	-0.646093	11	26	False	2	2	0.000
CsaraA	ATC	False	False	30	-0.767029	9	28	False	1	1	0.000
CtropB	ATT	False	False	67	-0.835809	12	61	False	1	1	0.000
CsuavA	ATT	False	False	188	-0.831489	13	148	False	1	3	0.000
CtropA	ATT	False	False	70	-0.829192	13	64	False	1	1	0.000
PkluyA	ATA	False	False	206	-0.855171	13	154	False	2	2	0.199
ScryoA	ATT	False	False	111	-0.821243	7	71	False	2	3	0.000
CalaiA	ATA	False	False	137	-0.837353	11	120	False	1	1	0.199
PcanaA	ATA	False	False	144	-0.799742	12	110	False	2	3	0.216

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
	ATT	False	False	93	-0.802589	10	75	False	1	2	0.000
BarxA	ATA	False	False	29	-0.741055	1	21	False	1	1	0.222
CphanA	ATT	False	False	78	-0.804348	12	60	False	2	2	0.000
CsalmA	ATT	False	False	170	-0.789030	12	113	False	4	4	0.000
YlipoA	ATA	False	False	92	-0.779953	12	71	False	2	2	0.202
YlipoB	ATA	False	False	91	-0.778546	12	70	False	2	2	0.202
CjadiA	ATC	False	False	19	-0.593766	8	16	False	1	1	0.000
	ATT	False	False	206	-0.855736	13	170	False	1	2	0.000
AgossB	ATA	False	False	46	-0.715342	6	5	False	2	2	0.111
CsubhA	ATA	False	False	30	-0.667937	11	25	False	1	1	0.177
BcustA	ATA	False	False	156	-0.840570	13	113	False	1	1	0.199
CsubhB	ATA	False	False	30	-0.667937	11	25	False	1	1	0.177
OanguA	ATT	False	False	170	-0.798264	13	126	False	3	3	0.000
LelonA	ATT	False	False	95	-0.854302	12	83	False	1	1	0.000
CneerA	ATC	False	False	46	-0.747071	10	39	False	1	1	0.000
AgossA	ATA	False	False	43	-0.700022	6	5	False	2	2	0.117
CsakeA	ATA	False	False	156	-0.872278	12	140	False	1	1	0.199
MfariB	ATA	False	False	133	-0.858786	13	117	False	1	1	0.199
CjiufA	ATA	False	False	48	-0.811725	11	44	False	1	1	0.153
	ATT	False	False	126	-0.865874	13	118	False	1	1	0.000
CalimA	ATT	False	False	87	-0.779970	12	70	False	2	2	0.000
BcaliA	ATA	False	False	133	-0.793362	12	110	False	2	3	0.216
	ATT	False	False	110	-0.828881	12	87	False	1	1	0.000
CmaltA	ATA	False	False	138	-0.858260	13	124	False	1	1	0.199
SoctoA	ATT	False	False	116	-0.795592	6	70	False	2	3	0.000