CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
LmeyeA	ATT	False	False	127	2.728625	7	113	False	2	2	0.000
	ATA	False	False	29	2.415162	6	17	False	3	4	0.111
SpombA	ATC	False	False	32	2.108035	6	15	False	5	6	0.000
	ATT	False	False	84	2.283790	7	54	False	3	5	0.000
SpastA	ATC	False	False	26	2.810421	7	22	False	2	2	0.000
SpasiA	ATT	False	False	114	2.667143	7	96	False	3	3	0.000
AacerA	ATT	False	False	61	2.798434	2	51	False	2	4	0.045
CmetaD	ATT	False	False	131	2.832329	13	122	False	2	3	0.057
CgigaA	ATC	False	False	154	2.803456	12	147	False	1	1	0.000
	ATA	False	False	223	2.316681	13	145	False	7	19	0.187
CsantA	ATC	False	False	5	2.437113	4	3	False	1	1	0.002
	ATT	False	False	38	2.297963	11	26	False	2	2	0.000
CtropB	ATC	False	False	139	2.858618	13	135	False	1	1	0.000
Oliopa	ATT	False	False	67	2.767475	12	61	False	2	2	0.000
CtropA	ATC	False	False	137	2.850098	12	133	False	1	1	0.000
ou op/	ATT	False	False	70	2.797203	13	64	False	2	2	0.000
WpijpA	ATT	False	False	99	2.787967	7	87	False	3	5	0.000
BarxA	ATA	False	False	29	2.646265	1	21	False	1	3	0.169
	ATT	False	False	11	2.925558	1	7	False	1	3	0.060
	ATA	False	False	22	2.877120	1	18	False	1	1	0.253
CoxycA	ATC	False	False	6	2.448328	1	4	False	1	1	0.125
	ATT	False	False	17	2.592830	1	8	False	1	4	0.139
CsubhA	ATA	False	False	30	2.491803	11	25	False	1	1	0.308
	ATC	False	False	169	2.744195	13	149	False	2	4	0.000
CsubhB	ATA	False	False	30	2.491803	11	25	False	1	1	0.308
	ATC	False	False	169	2.744195	13	149	False	2	4	0.000
	ATA	False	False	38	2.290038	10	22	False	4	4	0.183
OanguA	ATC	False	False	32	2.712175	10	26	False	1	2	0.000
	ATT	False	False	170	2.624558	13	126	False	7	13	0.000
SarboA	ATT	False	False	117	2.689559	7	99	False	2	3	0.000
CcastA	ATT	False	False	135	2.644506	7	114	False	2	3	0.000
KtherA	ATC	False	False	10	2.785366	6	9	False	1	1	0.000
	ATT	False	False	128	2.725584	7	113	False	2	2	0.000
CblacA	ATA	False	False	20	2.612756	1	16	False	1	1	0.341
	ATT	False	False	14	2.757792	1	11	False	1	1	0.103
CnorvA	ATA	False	False	186	2.640583	13	148	False	8	11	0.211
	ATT	False	False	66	2.714820	13	52	False	4	6	0.000
CviswA	ATA	False	True	141	2.786634	13	131	False	1	1	0.507

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
	ATC	False	False	22	2.720307	10	20	False	1	1	0.066
	ATT	False	False	82	2.770353	13	73	False	1	2	0.061
MstarA	ATA	False	False	162	2.557336	11	121	False	7	10	0.211
IVISIAI A	ATT	False	False	78	2.685160	12	61	False	4	4	0.000
NbaciA	ATC	False	False	21	2.551487	5	16	False	1	1	0.000
NDACIA	ATT	False	False	123	2.704230	7	103	False	3	5	0.000
CalbiD	ATC	False	False	60	2.781095	9	56	False	1	1	0.000
CbohiA	ATA	False	False	129	2.660845	13	116	False	2	2	0.449
Obolint	ATT	False	False	97	2.807943	13	89	False	1	1	0.000
LstarA	ATA	False	False	63	2.598421	9	47	False	3	5	0.224
LStarA	ATT	False	False	97	2.511889	9	73	False	3	6	0.000
	ATA	False	True	138	2.688186	13	120	False	1	3	0.501
MfariA	ATC	False	False	33	2.725503	12	29	False	1	1	0.062
	ATT	False	False	66	2.737587	13	59	False	1	1	0.058
MfariB	ATA	False	False	133	2.659307	13	117	False	1	1	0.465
Manb	ATT	False	False	89	2.842811	12	82	False	2	3	0.000
	ATA	False	False	137	2.705997	11	120	False	3	4	0.258
CalaiA	ATC	False	False	6	3.054146	4	5	False	1	1	0.000
	ATT	False	False	84	2.697583	11	69	False	2	3	0.000
LanspB	ATT	False	False	129	2.724040	7	113	False	2	3	0.000
CphanA	ATA	False	False	112	2.648839	12	84	False	6	9	0.209
- p	ATT	False	False	78	2.483278	12	60	False	2	2	0.000
LanspA	ATC	False	False	20	2.770651	7	17	False	2	2	0.000
LanspA	ATT	False	False	113	2.763287	7	101	False	2	3	0.000
CsojaA	ATA	False	False	83	2.769871	8	76	False	1	2	0.452
CglabA	ATT	False	False	127	2.702147	7	108	False	4	4	0.000
ScryoA	ATC	False	False	25	2.517687	5	13	False	3	6	0.001
-	ATT	False	False	111	2.271295	7	71	False	5	9	0.000
	ATA	False	False	100	2.791402	13	93	False	2	2	0.256
CneerA	ATC	False	False	46	2.789520	10	39	False	2	3	0.000
	ATT	False	False	97	2.700853	13	86	False	3	3	0.000
CsakeA	ATA	False	False	156	2.712939	12	140	False	3	3	0.363
	ATT	False	False	59	2.843273	11	54	False	1	2	0.000
HuvarA	ATC	False	False	31	2.299259	6	22	False	2	2	0.000
	ATT	False	False	95	2.176085	6	60	False	2	5	0.000
CjiufA	ATC	False	False	59	2.827749	12	55	False	1	1	0.058
	ATT	False	False	126	2.821050	13	118	False	1	3	0.057
KlactA	ATC	False	False	9	2.994670	4	7	False	2	2	0.002
	ATT	False	False	124	2.754507	7	112	False	2	2	0.000
CzempA	ATA	False	False	91	2.422857	7	57	False	5	12	0.080
•	ATT	False	False	74	2.318164	6	41	False	4	8	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CmetaB	ATT	False	False	131	2.832329	13	122	False	2	3	0.057
CmetaC	ATT	False	False	131	2.832329	13	122	False	2	3	0.057
CmetaA	ATT	False	False	131	2.832329	13	122	False	2	3	0.057
CmetaF	ATT	False	False	131	2.832329	13	122	False	2	3	0.057
	ATA	False	False	138	2.742767	13	118	False	5	7	0.215
CfrijA	ATC	False	False	23	2.581857	7	20	False	1	1	0.000
	ATT	False	False	89	2.843816	11	81	False	3	5	0.000
	ATA	False	False	88	2.549166	13	65	False	5	5	0.219
CgallA	ATC	False	False	45	2.546312	9	34	False	1	2	0.000
	ATT	False	False	79	2.678276	11	66	False	3	3	0.000
CmetaE	ATT	False	False	131	2.832329	13	122	False	2	3	0.057
	ATA	False	False	140	2.566891	13	112	False	3	5	0.242
PpastA	ATC	False	False	12	2.887728	4	11	False	1	1	0.000
	ATT	False	False	64	2.701936	12	54	False	3	3	0.000
	ATA	False	False	25	2.375283	5	16	False	1	2	0.237
SjapoA	ATC	False	False	30	2.255292	7	16	False	2	2	0.000
	ATT	False	False	104	2.238100	7	63	False	5	9	0.000
CalbiE	ATC	False	False	33	2.815354	4	30	False	1	1	0.000
	ATA	False	False	106	2.718117	13	94	False	4	4	0.364
CtetrA	ATC	False	False	60	2.853610	13	57	False	1	1	0.058
	ATT	False	False	71	2.801385	12	66	False	1	1	0.058
CalbiC	ATC	False	False	62	2.816598	11	59	False	1	1	0.000
CalbiB	ATC	False	False	62	2.816598	11	59	False	1	1	0.000
CalbiA	ATC	False	False	60	2.822194	10	57	False	1	1	0.000
MmagnB	ATC	False	False	174	2.622603	13	140	False	4	5	0.000
_	ATT	False	False	41	2.622935	10	30	False	2	4	0.000
MmagnA	ATC	False	False	172	2.611197	13	137	False	4	5	0.000
	ATT	False	False	44	2.694044	10	33	False	2	5	0.000
CparaA	ATT	False	False	126	2.858969	12	124	False	1	1	0.057
	ATA	False	False	91	2.653284	11	84	False	1	1	0.328
CcoryA	ATC	False	False	35	2.894588	10	33	False	1	1	0.000
	ATT	False	False	75	2.739836	13	64	False	2	3	0.000
CparaC	ATT	False	False	152	2.841656	13	145	False	1	1	0.057
CparaB	ATT	False	False	152	2.841656	13	145	False	1	1	0.057
CparaE	ATT	False	False	152	2.841656	13	145	False	1	1	0.057
CparaD	ATT	False	False	152	2.841656	13	145	False	1	1	0.057
CparaF	ATC	False	False	152	2.841656	13	145	False	1	1	0.057
MtetrA	ATC	False	False	167	2.650321	13	135	False	4	5	0.000
	ATT	False	False	33	2.585373	8	26	False	1	2	0.000
CsaraA	ATA	False	True	145	2.771883	13	133	False	3	4	0.504
	ATT	False	False	69	2.702685	11	60	False	1	1	0.058

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CoveriA	ATA	False	False	32	2.456729	9	26	False	1	1	0.289
CsuavA	ATT	False	False	188	2.575574	13	148	False	4	6	0.000
PkluyA	ATA	False	False	206	2.560997	13	154	False	6	12	0.213
PcanaA	ATA	False	False	144	2.527388	12	110	False	5	6	0.242
rcanaA	ATT	False	False	93	2.687338	10	75	False	3	3	0.000
	ATA	False	False	91	2.541415	12	70	False	3	3	0.227
YlipoB	ATC	False	False	46	2.571921	9	31	False	3	5	0.000
	ATT	False	False	78	2.615965	12	65	False	2	2	0.000
	ATA	False	False	92	2.545833	12	71	False	3	3	0.260
YlipoA	ATC	False	False	47	2.572974	9	32	False	3	5	0.000
	ATT	False	False	76	2.611208	12	63	False	2	2	0.000
CjadiA	ATC	False	False	19	2.663377	8	16	False	1	1	0.062
O jana	ATT	False	False	206	2.667128	13	170	False	5	6	0.057
AgossB	ATA	False	False	46	1.147464	6	5	False	1	1	0.264
	ATT	False	False	147	2.696916	7	120	False	4	10	0.058
NdelpA	ATA	False	False	2	3.184834	2	1	False	1	1	0.243
1140.671	ATT	False	False	132	2.666231	7	110	False	4	4	0.000
	ATA	False	False	80	2.838687	11	76	False	1	1	0.313
LelonA	ATC	False	False	59	2.793986	10	55	False	1	1	0.000
	ATT	False	False	95	2.764484	12	83	False	3	5	0.000
LkluyF	ATT	False	False	127	2.725450	7	113	False	2	2	0.000
	ATA	False	False	75	2.551208	12	56	False	3	3	0.234
CalimA	ATC	False	False	54	2.585845	11	42	False	2	2	0.000
	ATT	False	False	87	2.634615	12	70	False	5	5	0.000
CchauA	ATA	False	False	92	2.639775	13	81	False	2	2	0.465
	ATT	False	False	75	2.828580	11	69	False	2	2	0.000
	ATA	False	False	133	2.715197	12	110	False	6	8	0.202
BcaliA	ATC	False	False	8	2.942169	3	6	False	2	2	0.001
	ATT	False	False	110	2.546535	12	87	False	3	3	0.000
SoctoA	ATC	False	False	23	2.548947	6	11	False	4	6	0.001
Lklaud	ATT	False	False	116	2.197862	6	70	False	5	11	0.000
LkluyB	ATT	False	False	33	2.700386	12	26	False	1	1	0.070
CbuenA	ATA	False False	False	71 49	2.744834	12	65 46	False	1	1	0.452
Couena	ATC		False		2.837177	11		False	1	1	
	ATT	False	False	103	2.823739	12	98	False			0.000
CdefoA	ATA ATC	False False	False False	89 41	2.562627 2.471439	12 8	65 31	False False	6 1	6 1	0.217
CuelUA	ATT	False	False	83	2.471439	12	70	False	3	3	0.000
	ATC	False	False	12	2.761364	6	10	False	1	1	0.000
LdasiA	ATT	False	False	125	2.724262	7	111	False	2	2	0.000
	ATA	False	False	9	2.850051	1	7	False	1	1	0.236
CpseuA	AIA	เ นเงธ	raise	5	2.030031	±	,	า นเรษ	±	_	0.200

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
	ATT	False	False	23	2.823110	1	17	False	1	3	0.106
LkluyE	ATT	False	False	125	2.713232	7	110	False	2	2	0.000
LkluyD	ATT	False	False	122	2.734389	7	109	False	2	2	0.000
LkluyC	ATT	False	False	127	2.725450	7	113	False	2	2	0.000
Co so wt A	ATA	False	False	40	2.496774	9	31	False	1	1	0.290
CvartA	ATT	False	False	187	2.652076	13	155	False	4	6	0.000
LkluyA	ATT	False	False	127	2.725450	7	113	False	2	2	0.000
CdubIA	ATC	False	False	38	2.794126	8	34	False	1	1	0.000
CorthB	ATT	False	False	145	2.813037	13	137	False	2	2	0.057
CorthC	ATT	False	False	147	2.818031	13	139	False	2	2	0.057
CorthA	ATT	False	False	145	2.816106	13	137	False	2	2	0.057
ClusiA	ATA	False	False	197	2.757373	13	179	False	3	3	0.396
OluSIA	ATT	False	False	32	2.780513	10	28	False	1	2	0.066
MguilA	ATA	False	False	174	2.763305	13	159	False	3	4	0.366
mgan, t	ATT	False	False	55	2.789423	12	50	False	2	2	0.062
	ATA	False	False	42	2.319783	6	27	False	3	3	0.228
WmucoA	ATC	False	False	33	2.806376	7	27	False	3	3	0.000
	ATT	False	False	172	2.568454	13	140	False	2	3	0.000
ScereC	ATT	False	False	123	2.694055	7	103	False	3	4	0.000
ScereA	ATT	False	False	121	2.701036	7	102	False	3	4	0.000
ScereD	ATT	False	False	117	2.691798	7	98	False	3	4	0.000
ScereE	ATT	False	False	120	2.696394	7	101	False	3	4	0.000
DhansA	ATA	False	False	157	2.704823	13	140	False	3	4	0.392
	ATT	False	False	62	2.761861	12	56	False	1	1	0.058
	ATA	False	False	63	2.443351	9	41	False	5	8	0.219
CsalmA	ATC	False	False	10	1.830290	7	6	False	1	1	0.000
	ATT	False	False	170	2.296893	12	113	False	4	9	0.000
LnothA	ATT	False	False	128	2.743009	7	112	False	2	4	0.000
BcustA	ATA	False	False	156	2.508435	13	113	False	5	11	0.210
	ATT	False	False	56	2.701455	12	48	False	1	1	0.000
CtheaA	ATT	False	False	125	2.851406	13	120	False	2	2	0.057
AgossA	ATA	False	False	43	1.140663	6	5	False	1	1	0.268
	ATT	False	False	148	2.700377	7	121	False	4	10	0.063
MingeA	ATA	False	False	147	2.553080	12	109	False	6	9	0.213
	ATT	False	False	93	2.700509	12	75	False	4	6	0.000
ScastA	ATA	False	False	24	1.190647	5	3	False	1	1	0.224
	ATT	False	False	129	2.761550	7	108	False	4	7	0.000
CmaltA	ATA	False	False	138	2.684127	13	124	False	2	2	0.411
	ATT	False	False	85	2.821375	12	77	False	2	3	0.057
KmarxA	ATT	False	False	31	2.739143	1	25	False	1	1	0.069