CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
LmeyeA	GGT	False	False	75	-1.871867	7	72	False	1	1	0.00
LanspB	GGT	False	False	70	-1.880965	7	68	False	1	1	0.00
KtherA	GGT	False	False	68	-1.874315	6	66	False	1	1	0.00
LanspA	GGT	False	False	75	-1.881581	7	73	False	1	1	0.00
LdasiA	GGT	False	False	71	-1.887542	7	69	False	1	1	0.00
LnothA	GGT	False	False	72	-1.882867	7	70	False	1	1	0.00
LkluyF	GGT	False	False	78	-1.872374	7	76	False	1	1	0.00
LkluyE	GGT	False	False	78	-1.873016	7	76	False	1	1	0.00
LkluyD	GGT	False	False	78	-1.872379	7	76	False	1	1	0.00
LkluyC	GGT	False	False	78	-1.872374	7	76	False	1	1	0.00
LkluyB	GGT	False	False	30	-1.744616	1	29	False	1	1	0.06
LkluyA	GGT	False	False	78	-1.872374	7	76	False	1	1	0.00