CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
SpombA	ATA	False	False	29	1.161798	6	17	True	1	1	0.300
	ATT	False	False	84	1.182648	7	54	False	3	4	0.000
SpastA	ATA	True	True	3	3.415584	3	0	True	2	2	0.601
ομασιλ	ATT	False	False	114	1.147507	7	96	False	1	1	0.260
CmetaD	ATT	False	False	131	1.068290	13	122	False	1	1	0.000
CgigaA	ATC	False	False	154	1.067597	12	147	False	1	1	0.000
CsantA	ATA	False	False	223	1.031080	13	145	True	1	3	0.307
Osuma	ATT	False	False	38	0.981757	11	26	False	1	1	0.000
CtropB	ATT	False	False	67	1.041126	12	61	False	1	1	0.000
CtropA	ATT	False	False	70	1.041512	13	64	False	1	1	0.000
CoxycA	ATC	False	False	6	1.191489	1	4	False	1	1	0.296
CsubhA	ATC	False	False	169	1.094681	13	149	False	1	1	0.000
CsubhB	ATC	False	False	169	1.094681	13	149	False	1	1	0.000
OanguA	ATT	False	False	170	1.108647	13	126	False	2	2	0.000
SarboA	ATA	True	True	11	3.238179	5	3	True	5	7	0.939
Carbort	ATT	False	False	117	1.144796	7	99	False	1	1	0.251
CblacA	ATA	False	False	20	1.021412	1	16	True	1	1	0.297
CnorvA	ATA	False	False	186	1.049912	13	148	True	1	2	0.298
CviswA	ATA	False	False	141	1.071071	13	131	True	1	1	0.298
	ATT	False	False	82	1.099258	13	73	False	1	1	0.000
MstarA	ATA	False	False	162	1.142388	11	121	True	1	2	0.470
motary	ATT	False	False	78	1.168997	12	61	False	2	2	0.000
NbaciA	ATA	True	True	5	3.615970	3	1	True	3	4	0.944
1130011	ATT	False	False	123	1.117918	7	103	False	1	1	0.257
CtetrA	ATA	False	False	106	1.068927	13	94	True	1	1	0.298
CbohiA	ATT	False	False	97	1.047453	13	89	False	1	1	0.000
LstarA	ATA	False	False	63	1.155789	9	47	True	2	2	0.492
	ATT	False	False	97	1.049847	9	73	False	1	1	0.000
MfariA	ATA	False	False	138	1.064402	13	120	True	1	1	0.298
CcastA	ATA	True	True	18	2.576408	5	1	True	4	8	0.996
CphanA	ATA	False	False	112	1.186743	12	84	True	2	4	0.321
op.ia.i.	ATT	False	False	78	1.149805	12	60	False	2	2	0.000
CsojaA	ATT	False	False	58	1.050980	8	54	False	1	1	0.000
ScryoA	ATC	False	False	25	1.190947	5	13	False	1	1	0.000
20.,07.	ATT	False	False	111	1.044408	7	71	False	3	3	0.000
CneerA	ATC	False	False	46	1.054831	10	39	False	1	1	0.000
HuvarA	ATA	False	False	1	3.530000	1	0	True	1	1	0.309
· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	ATC	False	False	31	1.054663	6	22	False	1	1	0.006

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CjiufA	ATT	False	False	126	1.060857	13	118	False	1	1	0.000
KlactA	ATA	False	False	1	4.818182	1	0	True	1	1	0.321
0	ATA	False	False	91	1.016085	7	57	True	1	1	0.335
CzempA	ATT	False	False	74	1.183461	6	41	False	1	1	0.000
CmetaB	ATT	False	False	131	1.068290	13	122	False	1	1	0.000
CmetaC	ATT	False	False	131	1.068290	13	122	False	1	1	0.000
CmetaA	ATT	False	False	131	1.068290	13	122	False	1	1	0.000
CmetaF	ATT	False	False	131	1.068290	13	122	False	1	1	0.000
CfrijA	ATA	False	False	138	1.070302	13	118	True	1	1	0.298
	ATA	False	False	88	1.174545	13	65	True	3	3	0.322
CgallA	ATC	False	False	45	1.133791	9	34	False	1	1	0.000
	ATT	False	False	79	1.188362	11	66	False	2	2	0.000
CmetaE	ATT	False	False	131	1.068290	13	122	False	1	1	0.000
PpastA	ATA	False	False	140	1.077453	13	112	True	1	1	0.298
i pastA	ATT	False	False	64	1.093750	12	54	False	1	1	0.000
SjapoA	ATC	False	False	30	1.316549	7	16	False	2	2	0.000
Эјарол	ATT	False	False	104	1.073254	7	63	False	2	3	0.000
CalbiE	ATC	False	False	33	1.150400	4	30	False	1	1	0.000
CalbiD	ATC	False	False	60	1.093993	9	56	False	1	1	0.000
CalbiC	ATC	False	False	62	1.138026	11	59	False	1	1	0.000
CalbiB	ATC	False	False	62	1.138026	11	59	False	1	1	0.000
CalbiA	ATC	False	False	60	1.130629	10	57	False	1	1	0.000
MmagnB	ATC	False	False	174	1.142291	13	140	False	1	1	0.000
Millagile	ATT	False	False	41	1.162762	10	30	False	1	2	0.000
MmagnA	ATC	False	False	172	1.148284	13	137	False	1	1	0.000
WilliagilA	ATT	False	False	44	1.135644	10	33	False	1	2	0.000
CcoryA	ATT	False	False	75	1.078346	13	64	False	1	1	0.000
CparaC	ATT	False	False	152	1.087821	13	145	False	1	1	0.000
CparaB	ATT	False	False	152	1.087821	13	145	False	1	1	0.000
CparaE	ATT	False	False	152	1.087821	13	145	False	1	1	0.000
CparaD	ATT	False	False	152	1.087821	13	145	False	1	1	0.000
CparaF	ATT	False	False	152	1.087821	13	145	False	1	1	0.000
MtetrA	ATC	False	False	167	1.218294	13	135	False	2	5	0.000
CsaraA	ATC	False	False	30	1.059420	9	28	False	1	1	0.000
CsuavA	ATC	False	False	28	1.207278	9	25	False	1	1	0.000
	ATT	False	False	188	1.072984	13	148	False	1	1	0.000
PkluyA	ATA	False	False	206	1.174121	13	154	True	3	4	0.491
PcanaA	ATA	False	False	144	1.102465	12	110	True	1	1	0.298
	ATT	False	False	93	1.085650	10	75	False	1	1	0.000
	ATA	False	False	91	1.117763	12	70	True	2	2	0.161
YlipoB	ATC	False	False	46	1.209302	9	31	False	2	2	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot.	Telford	Tot. Genes	Use.	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
	ATT	False	False	78	1.191804	12	65	False	2	2	0.000
YlipoA	ATA	False	False	92	1.116754	12	71	True	2	2	0.161
	ATC	False	False	47	1.215316	9	32	False	2	2	0.000
	ATT	False	False	76	1.189460	12	63	False	2	2	0.000
CjadiA	ATT	False	False	206	1.112004	13	170	False	2	2	0.000
AgossB	ATA	True	True	46	2.683919	6	5	True	5	21	0.993
	ATT	False	False	147	1.073594	7	120	False	1	1	0.391
NdelpA	ATT	False	False	132	1.125553	7	110	False	1	1	0.000
LelonA	ATC	False	False	59	1.117698	10	55	False	1	1	0.000
	ATA	False	False	75	1.199175	12	56	True	2	2	0.318
CalimA	ATC	False	False	54	1.167010	11	42	False	2	2	0.000
	ATT	False	False	87	1.153846	12	70	False	2	2	0.000
BcaliA	ATA	False	False	133	1.067860	12	110	True	1	1	0.298
BeanA	ATT	False	False	110	1.022911	12	87	False	1	1	0.000
SoctoA	ATC	False	False	23	1.259397	6	11	False	1	1	0.000
Socion	ATT	False	False	116	0.995857	6	70	False	2	3	0.000
CbuenA	ATT	False	False	103	1.045793	12	98	False	1	1	0.000
	ATA	False	False	89	1.140244	12	65	True	2	2	0.317
CdefoA	ATC	False	False	41	1.231571	8	31	False	2	2	0.000
	ATT	False	False	83	1.165055	12	70	False	2	2	0.000
CpseuA	ATT	False	False	23	1.115552	1	17	False	1	1	0.091
CchauA	ATT	False	False	75	1.054234	11	69	False	1	1	0.000
CvartA	ATT	False	False	187	1.056597	13	155	False	1	1	0.000
CdublA	ATA	False	False	96	1.049373	12	89	True	1	1	0.298
CorthB	ATT	False	False	145	1.073552	13	137	False	1	1	0.000
CorthC	ATT	False	False	147	1.072528	13	139	False	1	1	0.000
CorthA	ATT	False	False	145	1.072309	13	137	False	1	1	0.000
ClusiA	ATA	False	False	197	1.091054	13	179	True	1	1	0.298
MguilA	ATA	False	False	174	1.091644	13	159	True	2	2	0.298
WmucoA	ATA	False	False	42	1.066396	6	27	True	1	1	0.252
	ATT	False	False	172	1.071660	13	140	False	1	1	0.000
ScereC	ATA	True	True	6	2.777419	5	2	True	3	3	0.639
	ATT	False	False	123	1.142779	7	103	False	1	1	0.367
ScereA	ATA	True	True	6	2.777419	5	2	True	3	3	0.636
	ATT	False	False	121	1.136001	7	102	False	1	1	0.367
ScereD	ATA	True	True	6	2.777419	5	2	True	3	3	0.636
	ATT	False	False	117	1.140077	7	98	False	1	1	0.367
ScereE	ATA	False	False	6	2.427406	4	2	True	2	2	0.327
	ATT	False	False	120	1.136726	7	101	False	1	1	0.004
DhansA	ATA	False	False	157	1.059349	13	140	True	1	1	0.298
CsalmA	ATA	False	False	63	1.200613	9	41	True	1	1	0.306

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
	ATT	False	False	170	1.068789	12	113	False	3	5	0.000
BcustA	ATA	False	False	156	1.083656	13	113	True	1	1	0.298
CtheaA	ATC	False	False	33	1.121580	10	31	False	1	1	0.000
AgossA	ATA	True	True	43	2.625850	6	5	True	5	19	0.996
	ATT	False	False	148	1.073101	7	121	False	1	1	0.227
MingeA	ATA	False	False	147	1.124751	12	109	True	1	2	0.454
	ATT	False	False	93	1.129791	12	75	False	1	1	0.000
ScastA	ATA	True	True	24	2.377298	5	3	True	4	10	0.996
CmaltA	ATA	False	False	138	1.059335	13	124	True	1	1	0.298