CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot.	Telford	Tot. Genes	Use.	Trans. Val	Rea. Genes	Rea.
Metaseiulus_occidentalis	GGA	False	False	46	0.052394	7	44	False	1	1
Schistosoma	GGA	False	False	16	0.249196	5	9	False	2	2
	GGG	False	False	24	-0.013859	8	18	False	1	1
	GGT	False	False	63	0.240620	10	49	False	3	6
Anhunallistas seed s	GGA	False	False	88	0.047829	12	83	False	1	2
Aphrocallistes_vastus	GGC	False	False	6	0.255411	4	5	False	1	1
Paracentrotus	GGG	False	False	20	0.044304	7	19	False	1	1
Fasciola	GGG	False	False	39	0.148124	9	32	False	2	3
	GGT	False	False	61	0.018589	11	46	False	3	3
₩ 5.11.20. · · · ·	GGG	False	False	35	0.211424	10	24	False	2	2
Trichobilharzia_regenti	GGT	False	False	74	0.181913	10	54	False	4	8
	GGA	False	False	9	0.277620	7	8	False	1	1
Versteria_mustelae	GGG	False	False	15	0.152513	7	12	False	1	1
	GGT	False	False	77	0.116644	11	61	False	3	4
Euseius_nicholsi	GGA	False	False	34	0.099468	8	32	False	1	1
Patiria	GGT	False	False	17	0.225416	7	15	False	1	1
	GGA	False	False	31	0.010726	8	29	False	1	1
Daphnia	GGC	False	False	21	0.085502	10	18	False	1	1
	GGG	False	False	69	0.115199	12	65	False	2	2
	GGA	False	False	14	0.129151	7	11	False	1	1
	GGC	False	False	11	-0.120092	4	7	False	1	1
Haplorchis_taichui	GGG	False	False	57	-0.098782	10	39	False	1	1
	GGT	False	False	34	0.255513	8	27	False	2	3
Lumbricus	GGG	False	False	44	0.047120	10	43	False	1	1
Halocynthia	GGA	False	False	16	0.087662	8	13	False	1	1
	GGT	False	False	42	0.059400	10	33	False	3	3
Acropora	GGG	False	False	68	-0.069785	12	60	False	1	1
	GGT	False	False	29	0.054174	7	26	False	1	1
	GGA	False	False	13	0.206759	6	10	False	1	1
Echinococcus_equinus	GGC	False	False	4	-0.078431	3	1	False	1	1
	GGG	False	False	24	0.259698	9	18	False	2	3
	GGT	False	False	63	0.011387	10	52	False	2	2
	GGA	False	False	21	0.267813	7	15	False	2	3
Taenia_crassiceps	GGG	False	False	16	0.028846	9	12	False	1	1
	GGT	False	False	58	0.114565	10	51	False	2	2
Axinella	GGA	False	False	23	0.115991	9	22	False	1	1
	GGC	False	False	10	0.179293	7	9	False	1	1
Terebratulina	GGA	False	False	68	0.067557	12	66	False	1	1

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count
	GGG	False	False	32	0.076555	8	31	False	1	1
Suberites_domuncula	GGG	False	False	54	0.146249	11	49	False	2	3
	GGT	False	False	41	0.013733	11	38	False	1	1
Bfloridae	GGG	False	False	31	0.008150	9	28	False	1	1
Katharina	GGA	False	False	43	0.260896	11	40	False	3	3
ratiaiiia	GGT	False	False	22	0.239814	6	20	False	2	2
	GGC	False	False	10	0.466321	4	7	False	2	2
Geodia	GGG	False	False	37	-0.004161	9	33	False	1	1
	GGT	False	False	32	0.180800	10	28	False	2	2
Metridium	GGT	False	False	38	0.078125	10	36	False	1	2
Balanoglossus	GGA	False	False	46	0.078222	11	45	False	1	1
	GGC	False	False	35	0.112974	10	32	False	1	2
Limulus	GGG	False	False	27	0.129367	8	26	False	1	1
	GGA	False	False	24	0.149573	10	23	False	1	1
Tetrancistrum_nebulosi	GGC	False	False	6	0.377119	4	5	False	1	1
	GGG	False	False	33	-0.050466	10	25	False	1	1
Trichinella Amphimedon_queenslandica	GGT	False	False	39	0.126582	9	28	False	1	3
	GGA	False	False	58	0.073942	9	50	False	2	3
	GGT	False	False	26	0.093476	7	22	False	1	2
	GGA	False	False	27	0.029356	10	24	False	1	1
	GGT	False	False	16	0.346216	7	14	False	2	2
Drosophila	GGA	False	False	90	0.058116	11	89	False	1	1
Daardanammus hamkai	GGT	False	False	32	0.147318	8	30	False	2	2
Pseudogarypus_banksi	GGA	False	False	51	0.171646	10	45	False	3	3
Benedenia_hoshinai	GGA GGT	False False	False False	25	0.168041 0.066331	10	21 43	False False	1	2
	GGC	False	False	56 29	0.082819	10	28	False		1
Myxine	GGA	False	False	14	0.508227	7	11	False	2	2
Ciona	GGT	False	False	11	0.025404	8	9	False	1	1
Epigonichthys	GGA	False	False	21	0.186813	7	20	False	1	1
	GGG	False	False	54	0.036208	11	53	False	1	1
Strigamia_maritima	GGA	False	False	46	0.033937	9	44	False	1	1
	GGT	False	False	15	0.328814	7	13	False	2	2
Caenorhabditis	GGG	False	False	19	0.105548	6	17	False	1	1
	GGT	False	False	59	0.112473	12	52	False	2	2
Homo	GGC	False	False	59	0.042303	11	57	False	2	2
	GGA	False	False	14	0.255985	7	10	False	2	2
Ascidiella_aspersa	GGC	False	False	10	0.448980	6	8	False	2	2
	GGG	False	False	44	-0.001164	9	37	False	1	1
Blanceolatum	GGT	False	False	23	0.077426	7	20	False	1	1
Saccoglossus	GGA	False	False	57	0.115523	11	55	False	2	2

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea.
	GC	False	False	20	0.038023	9	17	False	1	1
G	GGT	False	False	25	0.124614	10	24	False	1	1