CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
LmeyeA	**ATG**	False	False	43	1.134688	6	38	False	2	2	0.000
SpombA	**ATG**	False	False	40	1.478178	6	23	False	4	4	0.241
SpastA	**ATG**	False	False	49	1.313933	6	35	False	2	3	0.004
AacerA	**ATG**	False	False	31	1.476005	2	18	False	1	1	0.112
CmetaD	**ATG**	False	False	58	1.144103	10	57	False	1	1	0.000
CgigaA	**ATG**	False	False	55	1.109101	9	48	False	1	1	0.000
CsantA	**ATG**	False	False	58	1.117211	11	37	False	2	3	0.004
CtropB	**ATG**	False	False	63	1.176187	10	57	False	3	3	0.000
CtropA	**ATG**	False	False	63	1.176187	10	57	False	3	3	0.000
WpijpA	**ATG**	False	False	45	1.379553	6	38	False	2	3	0.003
BarxA	**ATG**	False	False	13	1.499301	1	10	False	1	1	0.109
CoxycA	**ATG**	False	False	18	1.245703	1	16	False	1	2	0.251
CsubhA	**ATG**	False	False	68	1.342205	11	53	False	2	4	0.004
CsubhB	**ATG**	False	False	68	1.342205	11	53	False	2	4	0.004
OanguA	**ATG**	False	False	54	1.130799	11	45	False	3	3	0.003
SarboA	**ATG**	False	False	42	1.275641	6	30	False	2	3	0.005
CcastA	**ATG**	False	False	41	0.891054	6	30	False	1	1	0.000
KtherA	**ATG**	False	False	43	1.138486	6	38	False	2	2	0.000
CnorvA	**ATG**	False	False	59	1.234369	10	52	False	1	1	0.000
CviswA	**ATG**	False	False	65	1.154745	10	55	False	2	2	0.000
MstarA	**ATG**	False	False	56	1.116029	10	39	False	2	2	0.000
NbaciA	**ATG**	False	False	53	1.076351	6	34	False	1	2	0.000
CalbiD	**ATG**	False	False	56	1.134169	9	51	False	2	2	0.000
CbohiA	**ATG**	False	False	65	1.208687	11	56	False	2	2	0.000
LstarA	**ATG**	False	False	63	1.228850	9	40	False	5	6	0.134
MfariA	**ATG**	False	False	64	1.169053	10	56	False	3	3	0.001
CalaiA	**ATG**	False	False	59	1.261957	9	50	False	2	2	0.000
LanspB	**ATG**	False	False	43	1.134688	6	38	False	2	2	0.000
CphanA	**ATG**	False	False	60	1.328966	10	42	False	4	5	0.271
LanspA	**ATG**	False	False	43	1.129998	6	37	False	1	1	0.000
CsojaA	**ATG**	False	False	43	1.031833	7	41	False	1	1	0.000
CglabA	**ATG**	False	False	50	1.375431	6	37	False	4	4	0.073
ScryoA	**ATG**	False	False	40	1.262046	6	24	False	3	3	0.005
CneerA	**ATG**	False	False	63	1.142547	10	57	False	2	2	0.000
CsakeA	**ATG**	False	False	59	1.182685	10	54	False	2	2	0.000
HuvarA	**ATG**	False	False	54	0.847269	6	27	False	4	5	0.162
CjiufA	**ATG**	False	False	60	1.173457	10	56	False	1	1	0.000
CzempA	**ATG**	False	False	37	1.365182	7	19	False	2	4	0.208

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CmetaB	**ATG**	False	False	58	1.144103	10	57	False	1	1	0.000
CmetaC	**ATG**	False	False	58	1.144103	10	57	False	1	1	0.000
CmetaA	**ATG**	False	False	58	1.144103	10	57	False	1	1	0.000
CmetaF	**ATG**	False	False	58	1.144103	10	57	False	1	1	0.000
CfrijA	**ATG**	False	False	64	1.145851	10	57	False	2	2	0.000
CgallA	**ATG**	False	False	61	1.370196	11	42	False	5	6	0.127
CmetaE	**ATG**	False	False	58	1.144103	10	57	False	1	1	0.000
PpastA	**ATG**	False	False	58	1.220758	11	48	False	5	5	0.205
SjapoA	**ATG**	False	False	35	0.930182	5	18	False	2	2	0.001
CalbiE	**ATG**	False	False	36	1.104205	5	33	False	1	1	0.000
CtetrA	**ATG**	False	False	63	1.102802	10	57	False	1	1	0.000
CalbiC	**ATG**	False	False	62	1.132601	10	57	False	2	2	0.000
CalbiB	**ATG**	False	False	62	1.132601	10	57	False	2	2	0.000
CalbiA	**ATG**	False	False	56	1.134169	9	51	False	2	2	0.000
MmagnB	**ATG**	False	False	57	1.244096	11	39	False	3	4	0.053
MmagnA	**ATG**	False	False	57	1.244096	11	39	False	3	4	0.053
CparaA	**ATG**	False	False	42	1.178849	9	41	False	1	1	0.000
CcoryA	**ATG**	False	False	66	1.141718	12	57	False	2	2	0.000
CparaC	**ATG**	False	False	59	1.179904	10	57	False	2	2	0.000
CparaB	**ATG**	False	False	59	1.179904	10	57	False	2	2	0.000
CparaE	**ATG**	False	False	59	1.179904	10	57	False	2	2	0.000
CparaD	**ATG**	False	False	59	1.179904	10	57	False	2	2	0.000
CparaF	**ATG**	False	False	59	1.179904	10	57	False	2	2	0.000
MtetrA	**ATG**	False	False	58	1.270845	10	38	False	2	3	0.004
CsaraA	**ATG**	False	False	63	1.143907	10	55	False	2	2	0.000
CsuavA	**ATG**	False	False	62	1.111719	10	51	False	1	1	0.000
PkluyA	**ATG**	False	False	60	1.260488	11	45	False	5	5	0.273
PcanaA	**ATG**	False	False	61	1.240328	10	52	False	2	2	0.000
YlipoB	**ATG**	False	False	59	1.360325	11	42	False	5	5	0.272
YlipoA	**ATG**	False	False	59	1.360325	11	42	False	5	5	0.272
CjadiA	**ATG**	False	False	63	1.211773	10	52	False	2	2	0.000
AgossB	**ATG**	False	False	19	1.277921	5	15	False	1	1	0.000
NdelpA	**ATG**	False	False	50	1.325287	6	37	False	3	3	0.004
LelonA	**ATG**	False	False	62	1.152687	10	56	False	2	2	0.000
LkluyF	**ATG**	False	False	45	1.165279	6	39	False	2	2	0.000
CalimA	**ATG**	False	False	61	1.346722	10	42	False	4	5	0.271
CchauA	**ATG**	False	False	64	1.177213	12	56	False	1	1	0.000
BcaliA	**ATG**	False	False	60	1.245045	10	52	False	1	1	0.000
SoctoA	**ATG**	False	False	38	1.332086	6	24	False	3	3	0.004
CbuenA	**ATG**	False	False	62	1.114305	10	56	False	1	1	0.000
CdefoA	**ATG**	False	False	61	1.370196	11	42	False	5	6	0.127

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
LdasiA	ATG	False	False	42	1.118427	6	38	False	2	2	0.000
CpseuA	ATG	False	False	18	1.226491	1	16	False	1	1	0.107
LkluyE	ATG	False	False	45	1.165279	6	39	False	2	2	0.000
LkluyD	ATG	False	False	44	1.146288	6	38	False	2	2	0.000
LkluyC	ATG	False	False	45	1.165279	6	39	False	2	2	0.000
CvartA	ATG	False	False	63	1.240669	11	51	False	2	2	0.000
LkluyA	ATG	False	False	45	1.165279	6	39	False	2	2	0.000
CdublA	ATG	False	False	56	1.134169	9	51	False	2	2	0.000
CorthB	ATG	False	False	59	1.179904	10	57	False	2	2	0.000
CorthC	ATG	False	False	59	1.179904	10	57	False	2	2	0.000
CorthA	ATG	False	False	59	1.179904	10	57	False	2	2	0.000
ClusiA	ATG	False	False	62	1.143128	10	56	False	1	1	0.000
MguilA	ATG	False	False	63	1.228524	10	55	False	1	1	0.000
WmucoA	ATG	False	False	58	1.239834	9	51	False	1	1	0.000
ScereC	ATG	False	False	47	1.332311	6	34	False	2	4	0.170
ScereA	ATG	False	False	47	1.332311	6	34	False	2	4	0.170
ScereD	ATG	False	False	47	1.332311	6	34	False	2	4	0.170
ScereE	ATG	False	False	47	1.317337	6	35	False	2	4	0.170
DhansA	ATG	False	False	62	1.156669	10	55	False	2	2	0.000
CsalmA	ATG	False	False	55	1.588529	9	30	False	6	7	0.112
LnothA	ATG	False	False	42	1.118427	6	38	False	2	2	0.000
BcustA	ATG	False	False	62	1.379892	11	43	False	4	5	0.272
CtheaA	ATG	False	False	59	1.179904	10	57	False	2	2	0.000
AgossA	ATG	False	False	22	1.330377	5	17	False	1	1	0.000
MingeA	ATG	False	False	55	1.190806	10	39	False	2	2	0.000
ScastA	ATG	False	False	37	1.321113	6	28	False	2	2	0.000
CmaltA	ATG	False	False	58	1.119693	11	53	False	1	1	0.000