



Poszukiwanie nowych mutacji powodujących cukrzyce monogenowe poprzez analizę całych genomów

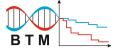
Informacje wstępne i kryteria naboru pacjentów

Paweł Sztromwasser

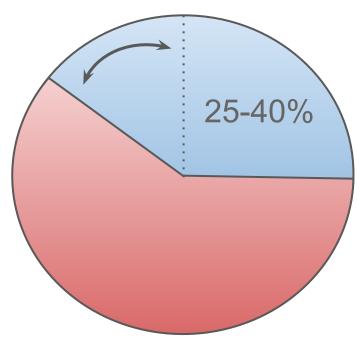
Zakład Biostatystyki i Medycyny Translacyjnej Uniwersytet Medyczny w Łodzi









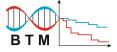


NGS (panele genów)

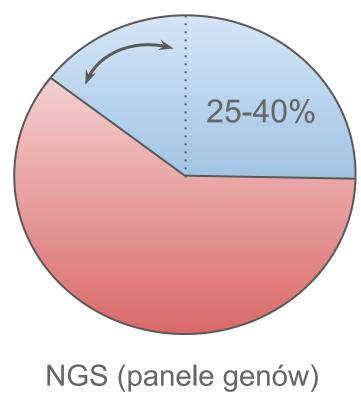
Fendler, W., et al. Diabetologia (2012)

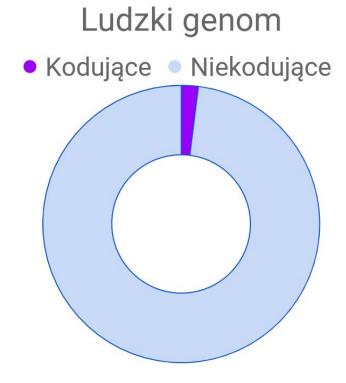
Ellard, S., et al. Diabetologia (2013)

Alkorta-Aranburu, G., et al. Molecular Genetics and Metabolism (2014)





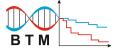




Fendler, W., et al. Diabetologia (2012)

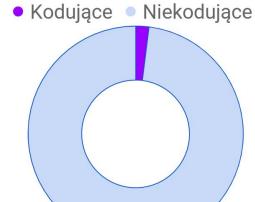
Ellard, S., et al. Diabetologia (2013)

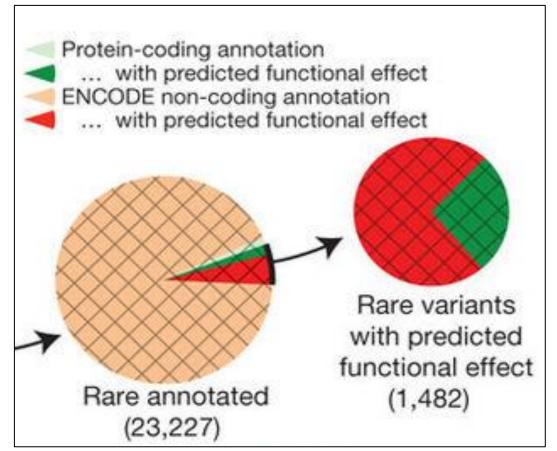
Alkorta-Aranburu, G., et al. Molecular Genetics and Metabolism (2014)

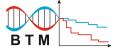










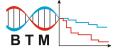




453

przypadki **niekodujących**, **regulatorowych** mutacji powodujących choroby monogenowe w bazie **OMIM**

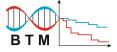
Smedley D. et al., A Whole-Genome Analysis Framework for Effective Identification of Pathogenic Regulatory Variants in Mendelian Disease, The American Journal of Human Genetics (2016)





Cel badań

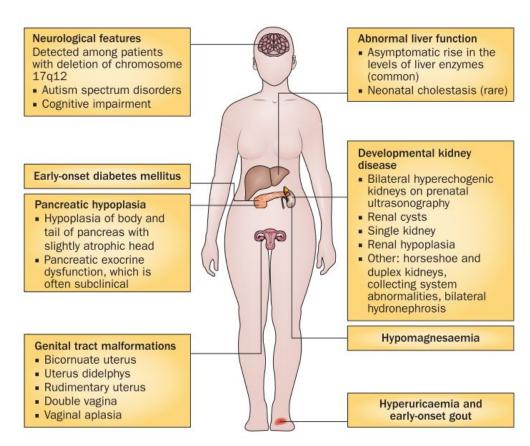
Poszukiwanie mutacji w regulatorach genów u pacjentów z syndromem wielotorbielowatych nerek i cukrzycy (RCAD) o nieznanej etiologii



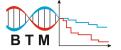
RCAD ~ HNF1B-MODY



- 1-9 / 1 000 000
- Autosomalny dominujący
- HNF1B

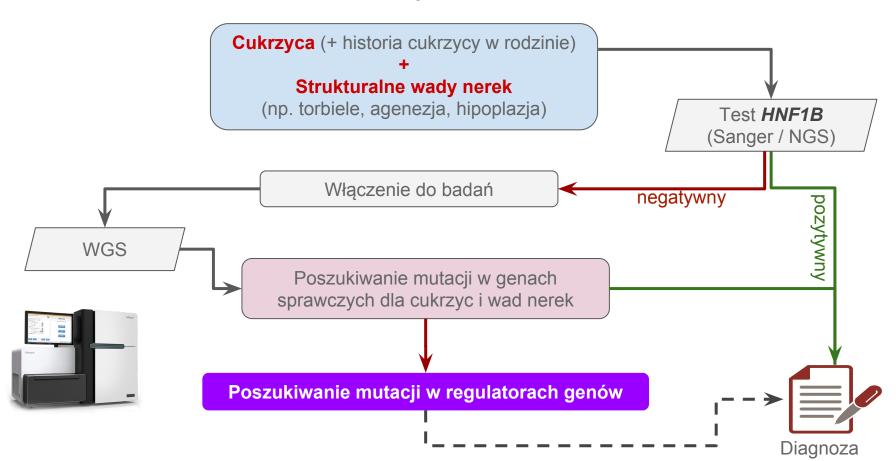


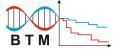
Clissold, RL et al. Nature Reviews, 2014





Metodyka badań







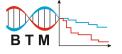
Wstępne wyniki

Pacjent	Cukrzyca	Nerki
1	Delecja	HNF1B
2	GCK	PKD1
3	-	PKD1
4	PLAGL1	PKD1
5	KLF11	PKD1
6	-	-
7	-	-
8	-	-
9	-	-
10	-	-

Patogenny

Prawdopodobnie łagodny

Niesklasyfikowany





Kryteria rekrutacji

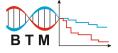
Poszukujemy z całej Polski pacjentów z :

- strukturalnymi wadami nerek (torbiele, agenezja, hipoplazja)
- cukrzycą w wieku dziecięcym/młodzieńczym (+cukrzyca w rodzinie)

Oferujemy:

- Nieodpłatne badanie w kierunku mutacji w HNF1B (kryterium rekrutacji do projektu badawczego)
- W przypadku negatywnego wyniku, sekwencjonowanie całego genomu w celu poszukiwania innych przyczyn choroby

Więcej informacji: https://biostat.umed.pl/polonez.html pawel.sztromwasser@umed.lodz.pl





Podziękowania

Arkadiusz Michalak

Maciej Borowiec

Beata Małachowska

Wojciech Młynarski

Anna Hogendorf

Wojciech Fendler

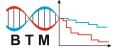
Agnieszka Zmysłowska

Projekt finansowany przez Narodowe Centrum Nauki poprzez granty: OPUS 2014/15/B/NZ5/00144, OPUS 2015/19/B/NZ5/02243, oraz POLONEZ 2016/23/P/NZ2/04251.

Projekt finansowany ze środków przeznaczonych na program finansowania badań naukowych i innowacji UE "Horyzont 2020" na podstawie umowy Nr 665778 o dofinansowanie działań "Marie Skłodowska-Curie.









Mam takiego pacjenta, co teraz?

Skierować pacjenta do poradni genetycznej w CKD w Łodzi:

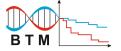
beata.skoczylas@umed.lodz.pl lub zaklad.genetyki@umed.lodz.pl tel. 42 272 57 70

Przygotować:

- 1. Dane z rozpoznania i aktualne dane kliniczne
- Wywiad rodzinny, co najmniej pod kątem cukrzycy i nerek
- 3. Dane kontaktowe do pacjenta i lekarza prowadzącego

Pobrać 5ml krwi lub wymaz z policzka i przesłać na adres poradni genetycznej w CKD, razem z powyższymi informacjami.

Więcej informacji: https://biostat.umed.pl/polonez.html pawel.sztromwasser@umed.lodz.pl





Co dalej?



miRTarBase DIANA-TarBase

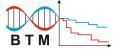
RegNetwork RegulatoryCircuits.org

Aktywność w tkankach (ENCODE, GTEx)

Enhancery (ENCODE)

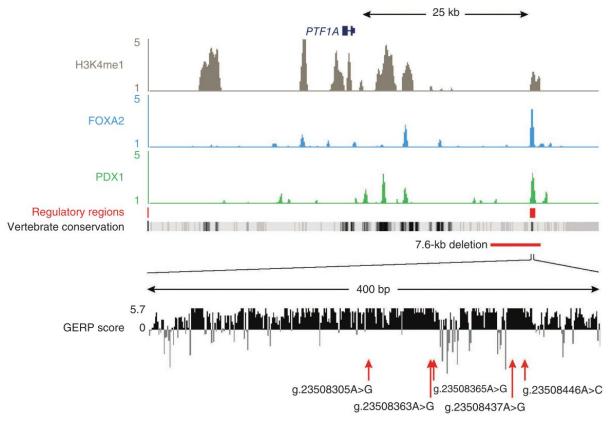
Promotory, enhancery (FANTOM5)

Celowane regiony regulatorowe

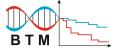




Mutacje wzmacniacza transkrypcji PTF1A

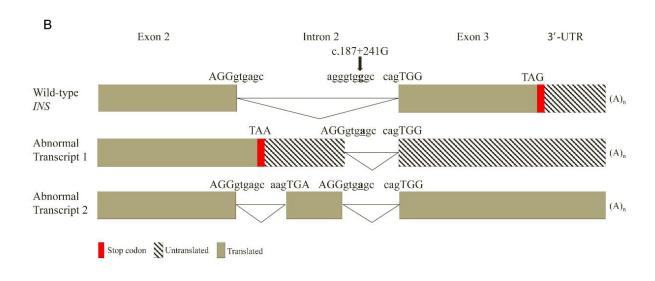


Weedon, M. et al. Recessive mutations in a distal PTF1A enhancer cause isolated pancreatic agenesis. Nature Genetics (2014).

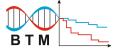




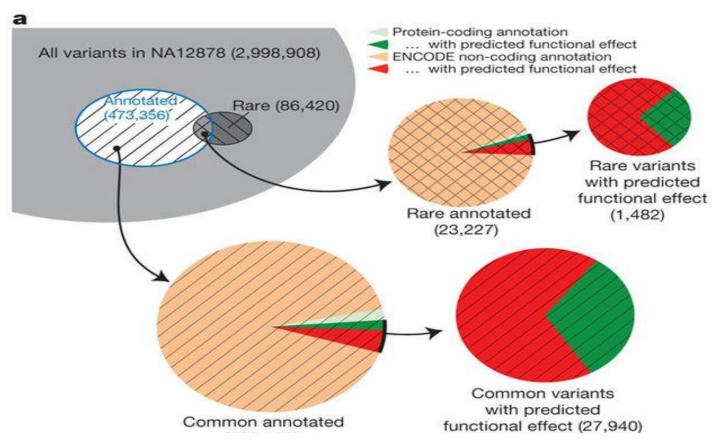
Mutacja punktowa w intronie INS



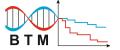
Carmody D, Park S, Ye H, et al. Continued lessons from the *INS* gene: an intronic mutation causing diabetes through a novel mechanism. Journal of Medical Genetics (2015).







The ENCODE Project Consortium, An integrated encyclopedia of DNA elements in the human genome, Nature (2012).





Regiony niekodujące

