# Aprendizaje automático no supervisado

Marta Caro Martínez

Adaptado de Enrique Martín y Javier Arroyo

# Principales técnicas

Reglas de asociación Clustering

## Reglas de asociación

- En datos no etiquetados no existe un atributo especial (clase), por lo que el objetivo de las reglas es encontrar relaciones entre distintos atributos.
- En principio nos interesa cualquier regla que muestre relación entre atributos.
- Las reglas tienen un aspecto más complejo que las de clasificación: pueden tener varias condiciones tanto en el lado izquierdo como en el derecho.
- En general podemos generar muchas reglas, pero estaremos interesados únicamente en aquellas con una calidad mínima (confianza, soporte y completitud)

## Reglas de asociación: confianza

 La confianza de una regla <u>r = si l entonces r</u> es la proporción de instancias correctamente predichas de todas las que encaja l:

$$confianza(r) = \frac{\#instancias\ cumplen\ \mathbf{l}\ y\ \mathbf{r}}{\#instancias\ cumplen\ \mathbf{l}}$$

- Si hay muchas instancias que cumplen I pero no r, la confianza será baja (cercana a 0)
- Si casi todas las instancias que cumplen l cumplen también r, entonces la confianza será alta (cercana a 1)

## Reglas de asociación: soporte

• El soporte de una regla r = si l entonces r es la proporción de instancias a las que se aplica correctamente la regla:

$$soporte(r) = \frac{\#instancias\ cumplen\ \mathbf{l}\ y\ \mathbf{r}}{\#instancias\ total}$$

- Si la regla predice pocas instancias del conjunto total, el soporte será bajo (cerca a 0)
- Si muchas instancias del conjunto total son predichas por la regla su soporte será alto (cercano a 1)

## Reglas de asociación: completitud

 La completitud de una regla <u>r = si l entonces r</u> es la proporción de instancias correctamente predichas de todas las que encaja r:

$$completitud(r) = \frac{\#instancias\ cumplen\ \mathbf{l}\ y\ \mathbf{r}}{\#instancias\ cumplen\ \mathbf{r}}$$

- Si pocas instancias que cumplen r cumplen también l, la completitud será baja (cerca a 0)
- Si casi todas las instancias que cumplen r cumplen también l, la completitud serán muy alta (cercana a 1)

## Ejemplo de reglas de asociación

 Análisis de datos de una lista de la compra:

Transacción 1: Pan, Leche, Huevos

Transacción 2: Pan, Leche

Transacción 3: Leche, Pañales,

Cerveza

Transacción 4: Pan, Huevos, Pañales

Transacción 5: Leche, Pan, Huevos,

Pañales

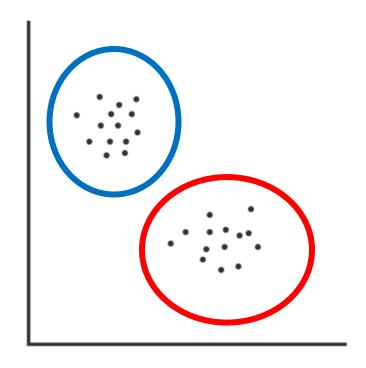
Algoritmo aplicado: Apriori

Ejemplo de reglas obtenidas

{Pan, Leche} => {Huevos}
Si un cliente compra pan y leche, es
probable que también compre
huevos.

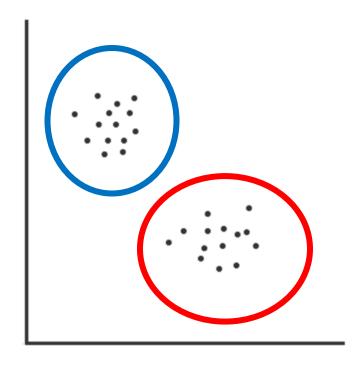
{Leche, Pañales} => {Cerveza}
Si un cliente compra leche y
pañales, es probable que también
compre cerveza.

## Clustering



- Considerando unos datos no etiquetados, la tarea de clustering (agrupado) trata de encontrar conjuntos de instancias similares.
- En este caso tenemos 2 conjuntos claramente separados

## Clustering



## Objetivo:

- Encontrar grupos con instancias similares
- Diferenciar los grupos al máximo
- Podremos estudiar los grupos:
  - Cuáles son los que tienen más instancias y menos,
  - Los que son más homogéneos y más dispersos, o incluso tienen outliers

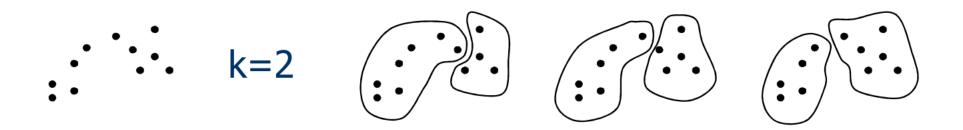
## Tipos de clustering

Algoritmos de **clustering basados en particiones** Algoritmos de **clustering jerárquico** 

## Clustering basado en particiones

## Algoritmos de clustering basados en particiones

- Los conjuntos están ya creados y las instancias van cambiado de un cluster a otro
- K (número de clusters se fija desde el principio)
- Ejemplo: K-Means



## K-Means

#### Inicialización:

- Tenemos k fijado
- Creamos centroides aleatoriamente

#### **Proceso iterativo:**

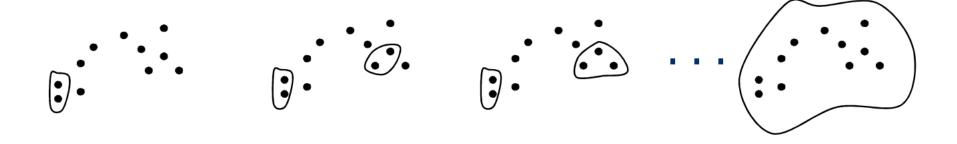
Mientras que los centroides cambien:

- Calcular las distancias de todos los puntos a los k centroides.
- Formar k grupos, asignando cada punto al centroide más cercano.
- Recalcular los nuevos centroides (puntos centrales de los k grupos).

## Clustering jerárquico

### Algoritmos de clustering jerárquico

Iterativamente va construyendo los conjuntos, añadiendo instancias



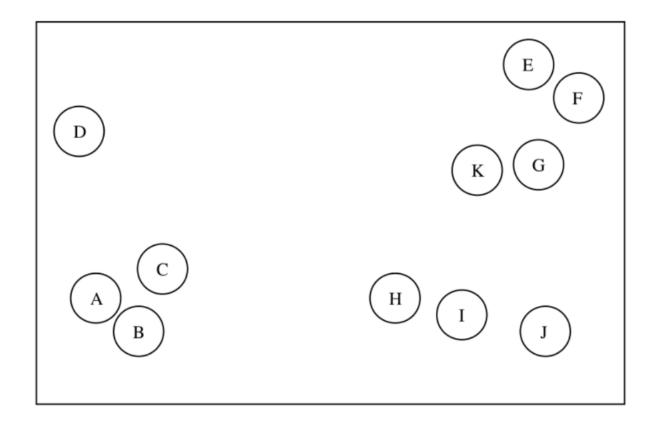
## Clustering jerárquico aglomerativo

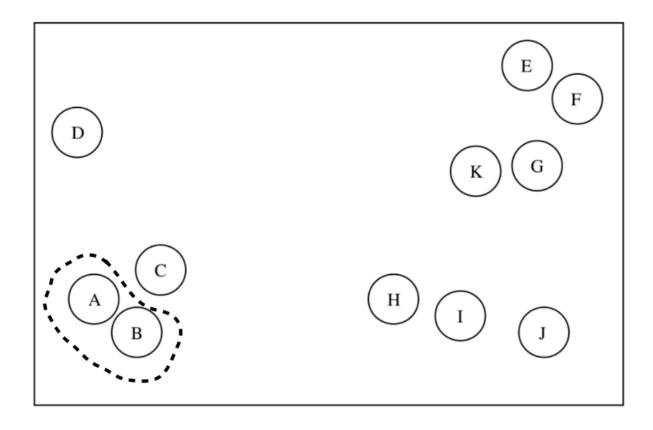
## • Estrategia general:

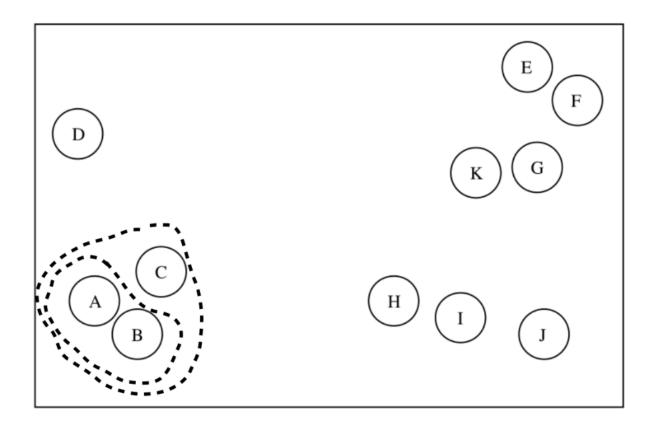
- 1. Cada individuo empieza siendo un cluster, es decir, hay n clusters, tantos como individuos
- 2. En cada iteración fusiona los dos clusters que estén más cercanos
- 3. Termina cuando todos se tiene todos los grupos aglomerados en un solo cluster.

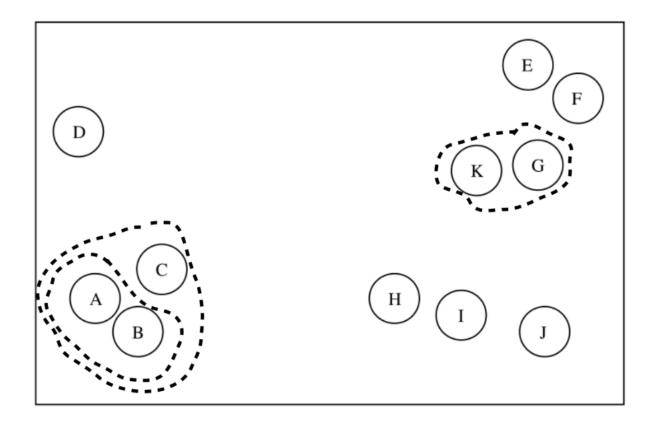
## Clustering jerárquico aglomerativo

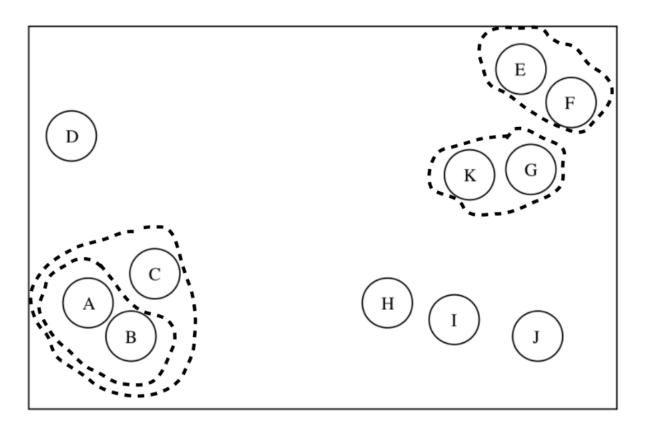
```
çká C çộnkunto để đátos
    Aşîĝŋắs çắđắ îŋṣʧắŋçîắ đê C ắ ṣụ çluṣţfês uŋîţťásîộ
    Cắl'cul'ás l'á đîştjắnçî êntsê çáđá çl'uştjês
    Éļêĝîs lộş độş çluştfêsş çuỳắ đîştfắnçîắ êş ņinînắ ỳ
nêcçไắsไộş
    Cắl'cul'ás lá đîşfánçîá ênfsê êl nuêwô çluşfês y êl
sêştjô
_ Rêřêtfîs l'ộṣ řắṣộṣ þ hắṣtfắ ruê thộđắṣ l'ắṣ îŋṣtfắŋçîŭṣ êṣtfặŋ êŋ êl nîṣnộ çluṣtfês
```

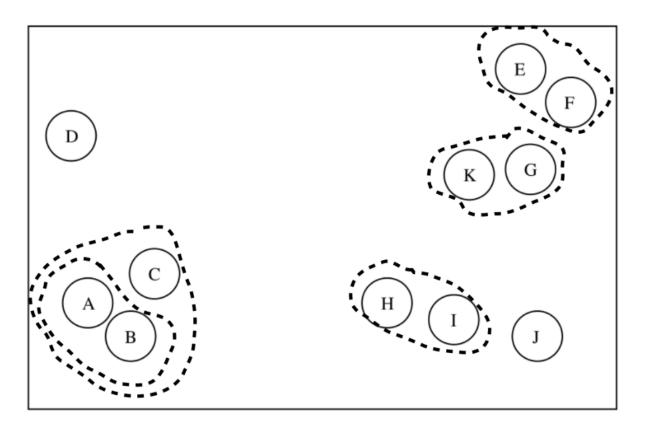


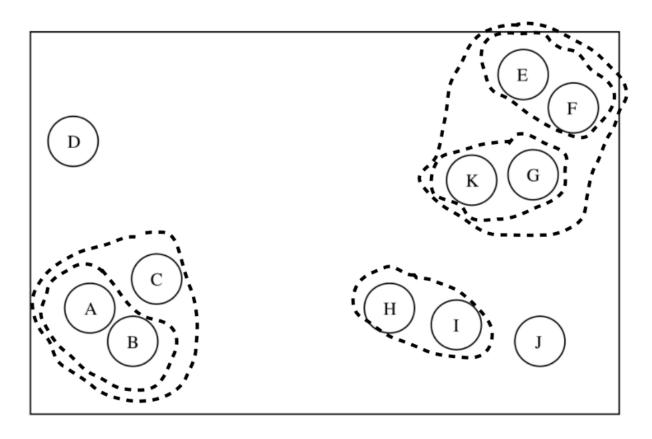


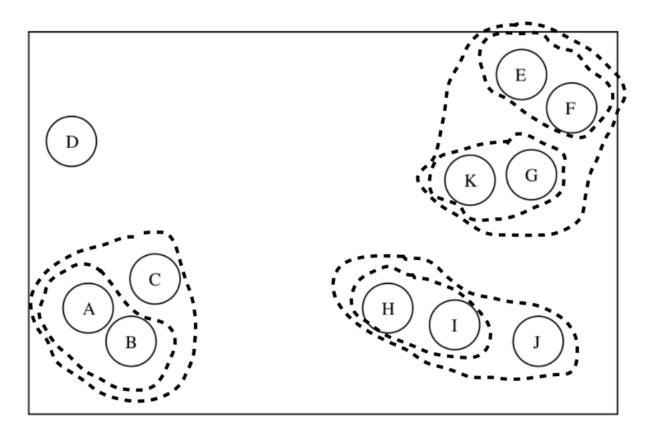


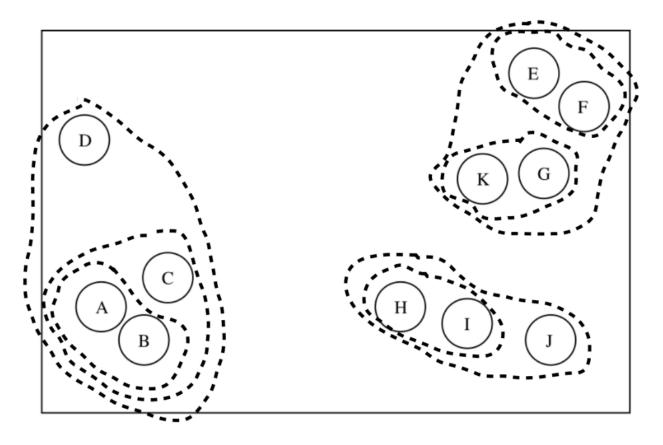


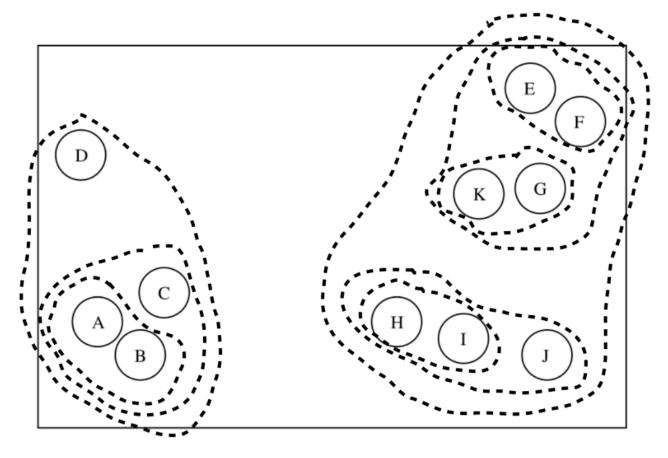


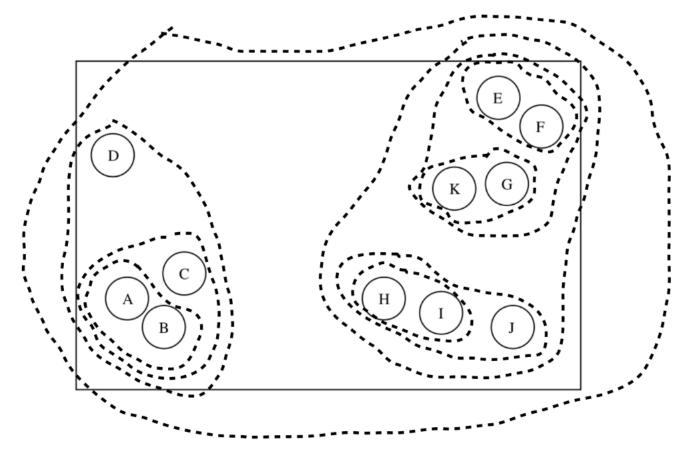




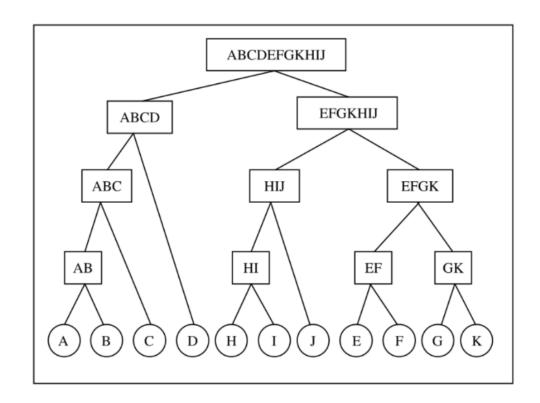








## Ejemplo de CJA - dendograma



## CJA resultado: dendograma

- **Dendograma**: representación visual de cómo se ha realizado el proceso.
- Nos ayuda a decidir cuál es el número óptimo de clusters que necesitamos
  - Buscar la altura o las ramas en las cuales los clusters se fusionan
  - Buscar patrones dentro de los clusters para ver si nos cuadran, buscar sus características distintivas
  - Visualizar los clusters
  - Evaluar los clusters: con nuevas instancias determinar en qué cluster caerían y si tiene sentido.

## Métricas de evaluación en clustering

• Índice de silueta: mide como de compactos son los clusters y su separación

$$S = rac{b-a}{\max(a,b)}$$

a: Distancia promedio entre un punto y los puntos de su propio clúster.

b: Distancia promedio entre un punto y los puntos del clúster más cercano al que no pertenece.

S: valores entre -1 y 1.

Valores cercanos a 1 → división correcta; cercanos a -1 → división incorrecta

## Métricas de evaluación en clustering

• Índice de Davies-Bouldin: mide como de compactos son los clusters y su separación

$$DB = rac{1}{k} \sum_{i=1}^k \max_{j 
eq i} rac{\sigma_i + \sigma_j}{d(c_i, c_j)}$$

 $\sigma_i$ : dispersión dentro del cluster i

 $d(c_i,c_j)$ : distancia entre los centroides de los clusters i y j

Cuanto menor sea el valor de DB, mejor separación de los clusters