Vyhledávání v seznamu

Úloha: Zjistěte, zda se v seznamu a nachází daná hodnota x, a pokud ano, tak kde (je-li tam vícekrát, chceme první výskyt).

Python:

test výskytu provádí operátor in nebo také metoda count()

 $if \times in a$ a.count(x)

pozici prvního výskytu určuje metoda index() a.index(x) (pokud tam není \rightarrow chyba)

Základní algoritmus:

jeden průchod polem – časová složitost O(N)

1. for-cyklus

Jednoduché, ale nešikovné (cyklus pokračuje i po nalezení *x*). V případě více výskytů najde poslední, nikoliv první výskyt.

2. for-cyklus s výskokem

```
j = -1
for i in range(len(a)):
    if a[i] == x:
        j = i
        break

if j == -1:
    print("Není tam")
else:
    print("Je na pozici", j)
```

Obdobné řešení, ale cyklus zbytečně nepokračuje po nalezení **x**. V případě více výskytů najde první.

3. while-cyklus

```
i = 0
while i < len(a) and a[i] != x:
    i += 1

if i == len(a):
    print("Není tam")
else:
    print("Je na pozici", i)</pre>
```

Vhodně zvolená složená podmínka a zkrácené vyhodnocování logických výrazů (zleva doprava, dokud není rozhodnuto o výsledku)

4. cyklus řízený proměnou typu boolean

```
i = 0
dalsi = True  #zpracovávat další prvek?
while dalsi:
    if a[i] == x:
        dalsi = False
        print("Je na pozici", i)
    elif i == len(a)-1:
        dalsi = False
        print("Není tam")
    else:
        i += 1
```

5. vyhledávání pomocí zarážky

→ zjednodušení podmínky ve while-cyklu

```
a.append(x)  # přidat zarážku (dočasně)
i = 0
while a[i] != x:
    i += 1
del a[-1]  # zrušit zarážku

if i == len(a):
    print("Není tam")
else:
    print("Je na pozici", i)
```

Hodnota **x** je v seznamu **a** vždy nalezena – pokud tam původně nebyla, tak se najde v zarážce.

Rychlejší vyhledávání

A) dosud: sekvenční průchod daty velikosti $N \rightarrow$ časová složitost O(N)

B) binární vyhledávání (půlení intervalů)

- data musí být uspořádaná
- vždy porovnat hledanou hodnotu s prostředním prvkem zkoumaného úseku, polovinu úseku "zahodit"
- postupně dostáváme úseky délky N, N/2, N/4, N/8, ..., 1
- po K krocích zbývá úsek velikosti $N/2^K$, hledáme K takové, aby $N/2^K = 1$
 - \rightarrow počet půlení $K = \log_2 N$, tedy časová složitost algoritmu **O(log N)**

Příklad: pražský telefonní seznam bytových stanic

- cca 430 000 jmen (v roce 1995)
- rychlost hledajícího člověka 1 jméno za sekundu
- sekvenční hledání: 5 dní a nocí x binární hledání: 20 sekund

6. binární vyhledávání

→ půlení intervalů v uspořádaném seznamu

```
i = 0
                       # začátek úseku
j = len(a) - 1
              # konec úseku
k = (i + j) // 2 # střed úseku
while a[k] != x and i \le j:
   if x > a[k]:
      i = k + 1
   else:
       j = k - 1
   k = (i + j) // 2
if x == a[k]:
   print("Je na pozici", k)
else:
   print("Není tam")
```

V případě více výskytů najde některý z nich.

Řazení dat v poli

= vnitřní třídění (terminologicky nepřesné, ale užívané)

Úloha: uspořádat prvky pole podle velikosti (od nejmenšího po největší)

Přímé metody

SelectSort – třídění výběrem, přímý výběr InsertSort – třídění vkládáním, přímé zatřiďování BubbleSort – třídění záměnami, bublinkové třídění

- jednoduchý zápis programu
- třídí "na místě" (tzn. nepotřebují další datovou strukturu velikosti M)
- časová složitost $O(N^2) \rightarrow vhodné pro malá data$

Rychlejší metody

MergeSort – třídění sléváním QuickSort – třídění rozdělováním HeapSort – třídění haldou, haldové třídění

- časová složitost O(N.log N)

Přihrádkové metody pro data speciálních vlastností

CountingSort – třídění počítáním BucketSort – přihrádkové třídění RadixSort – víceprůchodové přihrádkové třídění

- "lineární" časová složitost (ale nejen vzhledem k N – bude později)

Python: sám umí řadit

standardní funkce sorted() – vytvoří setříděnou kopii

```
>>> a = [5, 2, 8, 1, 9, 0]
>>> sorted(a)
[0, 1, 2, 5, 8, 9]
>>>
```

- nebo metoda sort() – třídí na místě

```
>>> a.sort()
```

- Ize řadit seznam čísel podle hodnot nebo seznam stringů abecedně (a také třeba n-tice, slovníky, množiny)
- lze řadit jakékoliv objekty podle vlastního kritéria parametr key
- lze řadit vzestupně nebo sestupně parametr revrese

Použitý algoritmus: *TimSort* (Tim Peters 2002)

- hybridní algoritmus MergeSort / InsertSort
- vyvinuto pro Python, používá také Java
- využívá existence uspořádaných úseků v datech

SelectSort (třídění výběrem, přímý výběr)

Algoritmus:

založíme prázdný výsledný seznam dokud zadaný vstupní seznam není prázdný

- projdeme vstupní seznam a najdeme v něm nejmenší číslo
- odebereme ho ze seznamu
 a vložíme na konec výsledného uspořádaného seznamu

13

Implementace na místě v poli:

- pole se dělí na setříděný úsek (vlevo) a nesetříděný úsek (vpravo)
- na začátku tvoří všechny prvky nesetříděný úsek
- v nesetříděném úseku pole se vždy najde nejmenší prvek a vymění se s prvním prvkem tohoto úseku, tím se setříděný úsek prodlouží o jeden prvek

```
7 4 2 9 5
2 4 7 9 5
2 4 7 9 5
2 4 5 9 7
2 4 5 7 9
```

```
modře – hotovo (setříděný úsek)červeně – minimum ze zbývajících hodnot
```

Časová složitost:

- celkem uděláme *n*-1 průchodů polem
- postupně procházíme úseky délky *n*, *n*-1, *n*-2, ..., 2
- počet provedených porovnání čísel je tedy postupně
 n-1, n-2, n-3, ..., 1
- celkový počet provedených porovnání čísel:

$$1 + 2 + ... + (n-2) + (n-1) = n.(n-1)/2$$

- → asymptotická časová složitost O(n²)
- počet provedených záměn čísel v poli je nejvýše n-1, což časovou složitost neovlivní

InsertSort (třídění vkládáním, přímé zatřiďování)

Algoritmus:

založíme prázdný výsledný seznam dokud zadaný vstupní seznam není prázdný

- vezmeme první číslo ze vstupního seznamu
- odebereme ho ze seznamu a vložíme do výsledného uspořádaného seznamu na správné místo, kam patří

17

Implementace na místě v poli:

- pole se dělí na setříděný úsek (vlevo) a nesetříděný úsek (vpravo)
- na začátku je setříděný úsek tvořen pouze prvním prvkem pole
- první prvek nesetříděného úseku se vždy zařadí do setříděného úseku na místo, kam patří, tím se setříděný úsek prodlouží o jeden prvek

realizace: prvky setříděného úseku se posouvají o jednu pozici doprava, dokud je třeba

```
7 4 2 9 5
4 7 2 9 5
2 4 7 9 5
2 4 7 9 5
2 4 5 7 9
```

```
modře – hotovo (setříděný úsek)

červeně – první ze zbývajících hodnot

(zatřiďovaný prvek)
```

```
def trid_vkladanim(a):
    for i in range(1, len(a)):
        # vkládáme číslo z pozice "i"
        x = a[i]
        j = i-1
        while j >= 0 and x < a[j]:
        a[j+1] = a[j]
        j -= 1
        a[j+1] = x</pre>
```

Časová složitost:

- celkem vykonáme n-1 vkládání čísla (průchodů polem)
- postupně procházíme úseky délky 1, 2, 3, ..., *n*-1
- počet provedených porovnání a posunů čísel v poli je tedy postupně nejvýše 1, 2, 3, ..., n-1 (může být menší, někdy se neprojde celý úsek)
- celkový počet provedených operací v nejhorším případě:

$$1 + 2 + ... + (n-2) + (n-1) = n.(n-1)/2$$

 \rightarrow asymptotická časová složitost O(n^2)

BubbleSort (třídění záměnami, bublinkové třídění)

Základní myšlenka:

Pole je seřazeno vzestupně právě tehdy, když pro každou dvojici jeho sousedních prvků platí, že levý z nich je menší než pravý (nebo jsou stejné).

Algoritmus (zároveň implementace na místě v poli):

- opakovaně procházíme celým polem, porovnáváme sousední prvky a jsou-li špatně, vzájemně je vyměníme
- když při průchodu nenarazíme na žádnou špatnou dvojici sousedů, ukončíme výpočet

.

Jiná možnost implementce:

- každý průchod může být vždy o jeden krok kratší než předchozí (neboť největší prvek tříděného úseku se dostal až na konec úseku)
 - → vždy stačí nejvýše *N*-1 průchodů

Časová složitost:

- celkem vykonáme nejvýše n-1 průchodů polem
 (neboť při každém z nich se alespoň jedno číslo správně umístí)
- postupně procházíme úseky délky *n*, *n*-1, *n*-2, ..., 2
- počet provedených porovnání a případných prohození čísel je tedy postupně n-1, n-2, n-3, ..., 1 (může být menší, někdy se čísla neprohazují, někdy stačí méně průchodů a pole je seřazeno)
- celkový počet provedených operací v nejhorším případě:

$$1 + 2 + ... + (n-2) + (n-1) = n.(n-1)/2$$

- → asymptotická časová složitost O(n²)
- časová složitost v nejlepším případě (seřazené vstupní pole)
 je pouze O(n) stačí jeden průchod polem

Možnosti dalšího zrychlení:

- při příštím průchodu polem stačí jít jen do místa poslední uskutečněné výměny
 - → rychlejší zkracování průchodů, stačí méně průchodů

- třídění přetřásáním – pole se prochází střídavě zleva a zprava

MergeSort (třídění sléváním) – iterativní implementace

- nejprve v poli porovnáme dvojice sousedních prvků a uspořádáme je
 → dostaneme pole uspořádaných dvojic
- sléváme první a druhou dvojici do uspořádané čtveřice,
 třetí a čtvrtou dvojici do další uspořádané čtveřice, atd.
 - → dostaneme pole uspořádaných čtveřic
- takto pokračujeme dále, délku uspořádaných úseků zvyšujeme v každém kroku na dvojnásobek: 2, 4, 8, 16, 32, ...
- algoritmus končí, když délka uspořádaného úseku dosáhne N (tzn. v poli je jediný setříděný úsek)

```
def mergesort(a):
      třídění sléváním - iterativní verze
    ** ** **
    n = len(a) # délka vstupního seznamu
    temp = [None] * n # alokuje pomocný seznam
    # postupně slévá sousední úseky délek 1,2,4,...
    usek = 1
    while usek < n:
        for zacatek in range(0, n-usek, 2*usek):
            stred = zacatek + usek - 1
            konec = min(stred + usek, n-1)
            merge(a, zacatek, stred, konec, temp)
        usek *= 2
```

```
def merge(a, zac, stred, kon, temp):
    ** ** **
      sleje a[zac..stred] s a[stred+1..kon]
      do a[zac..kon] pomocí temp[zac..kon]
    ** ** **
    i = zac
           # začátek prvního úseku
    j = stred+1  # začátek druhého úseku
            # začátek výsledného seznamu
    k = zac
    # sleje a[zac..stred] s a[stred+1..kon] do temp
    while i <= stred and j <= kon:</pre>
        if a[i] < a[j]:
            temp[k] = a[i]
            i += 1
        else:
            temp[k] = a[j]
            i += 1
        k += 1
```

```
if i <= stred:  # zbytek prvního úseku
    temp[k:kon+1] = a[i:stred+1]
else:  # zbytek druhého úseku
    temp[k:kon+1] = a[j:kon+1]

# výsledek zkopíruje zpět do seznamu a
    a[zac:kon+1] = temp[zac:kon+1]</pre>
# konec definice funkce merge()
```

Paměťová složitost: O(N) algoritmus potřebuje druhé pomocné pole na slévání úseků, nepracuje tedy "na místě" jako předchozí algoritmy

Časová složitost:

velikost úseků se zdvojnásobuje \rightarrow provede se $\log_2 N$ kroků výpočtu, v každém z nich se vykoná práce O(N), neboť součet délek všech slévaných úseků je N a slévání má lineární časovou složitost vzhledem k délce slévaných úseků

→ celková časová složitost O(N.log N)

Dolní odhad složitosti problému třídění

Vstupní data pro úlohu třídění:

- jistá posloupnost N čísel (klíčů), čísla mohou být navzájem různá
- existuje N! možných uspořádání vstupních dat velikosti N

Obecný problém třídění:

o vstupních datech nic nevíme, není předem omezen rozsah hodnot, mohou to být čísla typu float (tzn. nelze jimi indexovat)

→ při třídění můžeme čísla jedině vzájemně porovnávat

Strom všech možných průběhů výpočtu

nějakého třídicího algoritmu pro vstupní data velikosti N:

- kořen = počáteční stav
- binární strom, větvení = porovnání nějakých dvou čísel (dva možné výsledky)
- listy stromu = konec výpočtu (data setříděna)

Pro každá vstupní data se musí průběh výpočtu někde odlišit od ostatních → strom má *N!* listů.

Výška stromu výpočtů h

- = počet provedených porovnání čísel při nejdelším výpočtu
- = časová složitost algoritmu v nejhorším případě

Výška úplného binárního stromu se všemi K listy na poslední hladině je $\log_2 K$. Jiný binární strom s K listy musí mít výšku větší.

Uvažovaný strom všech možných výpočtů má tedy výšku $h \ge \log_2(N!)$. Časová složitost libovolného třídicího algoritmu nemůže být proto lepší než O($\log_2(N!)$) = **O(N.log N)**.

Známe konkrétní algoritmy s časovou složitostí O(*N*.log *N*), např. heapsort nebo mergesort, proto O(*N*.log *N*) je i **složitost obecného problému vnitřního třídění v nejhorším případě**.

Přechod $\log_2(N!) \rightarrow N.\log N$

- podle Stirlingova vzorce
- bez použití Stirlingova vzorce:

$$N! \geq (2k).(2k-1) \ ... \ (k+1).k > k^{k+1} \geq k^k = (N/2)^{N/2}$$
 pro $N=2k$

$$N! \ge (2k+1).(2k) \dots (k+1) > (k+1/2)^{k+1} > (k+1/2)^{k+1/2} = (N/2)^{N/2}$$
 pro $N = 2k+1$

$$h \ge \log_2(N!) > \log_2((N/2)^{N/2}) = N/2 \cdot \log_2(N/2) = N/2 \cdot (\log_2 N - 1) \ge N/2 \cdot (\log_2 N / 2) = N/4 \cdot \log_2 N$$
 \uparrow neboť $\log_2 N / 2 \ge 1$ pro $N \ge 4$

Třídění s lineární složitostí – přihrádkové metody

- třídíme celá čísla z předem známého rozsahu velikosti R (D = dolní mez, H = horní mez přípustných hodnot, R = H - D)

nebo třídíme záznamy s takovýmito klíči

- rozsah R není příliš velký, takže lze vytvořit v paměti seznam délky R
 (bude představovat pole indexované od D do H,
 realizace: posouvání indexů o konstantu D)
- → lineární časová složitost

- třídění počítáním (CountingSort, CountSort)
- přihrádkové třídění (BucketSort)
- víceprůchodové přihrádkové třídění (RadixSort)

CountingSort (třídění počítáním)

- třídíme pouze celá čísla

Realizace:

- a původní seznam čísel délky N
- b setříděný seznam čísel délky N
- c pomocný seznam celých čísel délky R
 představuje pole celých čísel s indexy D:H
 = čítače výskytů jednotlivých hodnot
- projdeme seznam a,
 do seznamu c spočítáme počty výskytů jednotlivých hodnot
- projedeme seznam c,
 z uložených hodnot vytvoříme nový obsah seznamu b
- výsledný seznam lze vytvářet v původním poli, kde byl seznam a

```
def trid_pocitanim(a, d, h):
    c = [0] * (h-d)

for x in a:
    c[x-d] += 1

b = []
    for i in range(h-d):
        for j in range(c[i]):
            b.append(i+d)
    return b
```