## Sommersemester 2006

## Modellierung, Simulation und Inferenz komplexer biologischer Systeme

## Korbinian Strimmer

Zeit und Ort: Seminarraum, Ludwigstr. 33, Zeit nach Vereinbarung

Das Seminar kann auf Wunsch auch geblockt in den

Frühlingsferien (d.h. März 2006) stattfinden.

Bitte persönliche Anmeldung bei Korbinian Strimmer noch im Laufe

des Wintersemesters 2005/6.

Vorbesprechung und Themenvergabe vorraussichtlich Mitte Februar.

Inhalt: Im Rahmen dieses Seminares wollen wir aktuelle statistische Ansätze

und Beispiele zur Simulation, Modellierung und Schätzung ("reverse engineering") komplexer hochdimensionaler Systeme in der Biologie besprechen. Diese Verfahren spielen eine zunehmende wichtige Rolle in der sog. Systembiologie, bei der versucht wird, Modelle vom "System Zelle" zu entwickeln, und dieses dadurch besser zu

verstehen.

Die statistischen Verfahren reichen dabei von einfachen multivariaten Ansätzen hin zu graphischen Modellen und multipler Zeitreihenanalyse. Dabei müssen typischerweise zur Schätzung der Modellparameter bzw. zur Modellwahl <u>Regularisierungsverfahren</u> benutzt werden, da die Zahl der zur Verfügung stehenden Beobachtungen in der Regel wesentlich kleiner ist als die Dimension des Modells (Beispielproblem: wie schätze ich eine  $p \times p$  Kovarianzmatrix wenn

die Stichprobengrösse kleiner als p ist?).

Webseite: Eine genaue Liste der Themen mit Links zu den Artikeln finden Sie

auf der Seite

http://www.statistik.lmu.de/~strimmer/korbinian-teaching.html

für: Studierende der Statistik, Physik, Biologie etc. mit Interesse an

Modellierung und Simulation komplexer Systeme.

Vorkenntnisse: Grundkenntnisse in Statistik und Biologie. Kenntnis multivariater

Statistik und Zeitreihenanalyse vorteilhaft.

Schein: Erwerb durch Vorbereitung eines Vortrages sowie einer Ausarbeitung.

Literatur: Aktuelle Originalartikel aus diversen Fachzeitschriften (in Englisch).

Eine Liste der Artikel und Themen findet sich auf der Kurshomepage.