Eine Einführung in R: Programmstrukturen

Bernd Klaus, Verena Zuber

Institut für Medizinische Informatik, Statistik und Epidemiologie (IMISE), Universität Leipzig

11. November 2010

I. Umgang mit fremden Funktionen

II. Erstellen eigener Funktionen Definition eigener Funktionen Die if-Abfrage Schleifen und Vektorisierung Rechenzeit Scope I. Umgang mit fremden Funktionen

Der Aufbau von Funktionen

funktions.name(argumente, optionen)

- argumente: Einige Argumente sind zwingend nötig, um die Funktion zu starten
- optionen: Einige Argumente können optional verändert werden, sonst wird die Standardeinstellung verwendet
- ?funktions.name: Aufrufe der Hilfe
- funktions.name: Aufruf der Syntax

Beispiel: der plot und mean-Befehl

- x: Daten auf der x-Achse
- y: Daten auf der y-Achse
- ▶ ...: Weitere optionale Argumente, wie Farbe, Linientyp, usw.

$$mean(x, trim = 0, na.rm = FALSE)$$

- ▶ x: Daten
- trim=0: Berechnung des getrimmten Mittel
 (Mittel auf Basis der Daten ohne x% der extremsten Werte)
- ▶ na.rm = FALSE: Sollen fehlende Werte entfernt werden?

Umgang mit fremden Funktionen II. Erstellen eigener Funktionen efinition eigener Funktioner e if-Abfrage hleifen und Vektorisierung echenzeit ope

II. Erstellen eigener Funktionen

Erste Überlegungen

- 1. Welchen Namen soll die Funktion tragen?
- 2. Was soll die Funktion machen? Welcher Output wird erwartet?
- 3. Welche Argumente müssen dazu übergeben werden?
- 4. Welche Argumente sollen variabel gehalten werden?

Funktionen und Objekte können beliebig benannt werden. Doch Vorsicht: Bestehende Funktionen können überschrieben werden!

```
funktions.name<-function(argumente, optionen) {
...
...
}</pre>
```

- ► funktions.name: Der gewünschte Namen der Funktion
- argumente: Einige Argumente sind zwingend nötig, um die Funktion zu starten
- optionen: Optionale Argumente mit der Standardeinstellung
- ► { } : Die Syntax der Funktion muss in geschweiften Klammern stehen
- R gibt als Ergebnis die letzte Anweisung aus, ansonsten sollte return() verwendet werden
- Es werden keine Komma gesetzt, um einzelne Argumente abzutrennen

Beispiel: Der Mittelwert

```
mittelwert<-function(data) {
my.sum<-sum(data, na.rm=TRUE)
my.length<-length(which(data!="\NA"))
my.sum/my.length
}</pre>
```

- ▶ mittelwert: Funktionsname
- data: Daten (auch mit fehlenden Werten)
- my.length, my.sum: Lokale Variablen (d.h. nur innerhalb der Funktion gültig)
- Output: Das letzte Argument, also der berechnete Mittelwert!

Beispiel: Währungsrechner

```
euro.to.us<-function(x) {
x*1.3945

# Wechselkurs vom 10.11.2010
}</pre>
```

- x: Betrag in Euro
- ► Output: Betrag in US-Dollar euro.to.us(c(1,2,3)) liefert 1.3945 2.7890 4.1835

Kommentare (# Kommentar) helfen die (eigenen) Funktionen zu verstehen!

Die if-Abfrage

```
if(bedingung) { anweisung }
```

- bedingung: Logische Abfrage; wenn TRUE, dann
- anweisung: Führe diese Anweisung aus
- ► { } : Sind nur dann notwendig, wenn die Anweisung über mehrere Zeilen geht

Für komplexere Abfragen:

```
if(bedingung) { anweisung }
  else { anweisung }
```

Beispiel: Währungsrechner II

```
euro.calc<-function(x, currency="US") {
if(currency=="US") x*1.503
if(currency=="Pfund") x*0.86

# Wechselkurs vom 10.11.2010
}</pre>
```

- x: Betrag in Euro
- currency=="US": Umwandlung in US-Dollar (Standard)
- currency=="Pfund": Umwandlung in Britische Pfund
- Output: Betrag in US-Dollar oder Britische Pfund euro.calc(1,currency="Pfund") liefert 0.86

```
for(index von : bis) { anweisung [index] }
```

- ▶ index: Definieren eines Index
- ▶ von: Anfangswert
- ▶ bis: Endwert
- ▶ anweisung [index]: Anweisung in Abhängigkeit vom Index

```
while(bedingung) { anweisung }
```

- ▶ bedingung: Solange diese Bedingung erfüllt ist
- anweisung: Erfülle diese Anweisung

Beispiel: for-Schleife

```
m.mean<-function(X) {
n<-ncol(X)
res<-rep("NA",n)
for(i in 1:n){
  res[i]<-mean(X[,i], na.rm=TRUE)
  }
return(res)
}</pre>
```

Dies ist äquivalent zu:

```
apply(X, MARGIN=2, FUN=mean, na.rm=TRUE)
```

next und break

- next: bricht den aktuellen Durchlauf einer Schleife ab und erhöt den Zähler um eins
- break: bricht die Ausführung der aktuellen Kontrollstruktur komplett ab

```
x <- rep(1,20)
for (i in 1:20) {
if(i %% 4 == 0 ) x[i] = "X"
else next
}</pre>
```

Ausgabe:

```
"1" "1" "1" "X" "1" ...
```

Ermittlung der Rechenzeit

```
system.time(expr)
```

▶ expr: R-Befehl, dessen Rechenzeit ausgewertet werden soll

```
Beispiel: m.mean gegen apply
try<-matrix(1:40000, nrow=4)
system.time(m.mean(try))

user system elapsed
0.408 0.000 0.407
```

system.time(apply(try, MARGIN=2, FUN=mean, na.rm=TRUE)

user system elapsed 0.324 0.000 0.324

Warum ist apply besser als die for-Schleife?

Stichwort: Vektorisierung

In R wird bei jedem Schleifendurchlauf jede Zeile neu interpretiert. Dies kann dazu führen, daß Schleifen im Vergleich zu vektorartigen Operationen (hier wird nur einmal interpretiert) wesentlich länger laufen. Deswegen gilt:

Wenn möglich vektorwertige (-> apply-Funktionen)
Alternativen verwenden.

Scope [Gültigkeitsbereich] von Variablen bei Funktionen

Es können drei Arten von Variablen in einer Funktion auftauchen:

- ► Formale Parameter: Werden beim Aufruf der Funktion angegeben
- ► Lokale Variablen: Werden beim Abarbeiten einer Funktion erzeugt
- ▶ Freie Variablen: Alle anderen

Frage: Wo sucht R nach freien Variablen? Antwort: In der Umgebung der Variable

Definition eigener Funktioner Die if-Abfrage Schleifen und Vektorisierung Rechenzeit Scope

```
z <- 3
f <- function(x) {
y <- 2*x
print(x)
print(y)
print(z)
}</pre>
```

Ausgabe bei Aufruf der Funktion:

- x: Formaler Parameter
- ▶ y: Lokale Variable
- z: Freie Variable, die in diesem Bsp. von R außerhalb der Funktion gesucht wird

Definition eigener Funktione Die if-Abfrage Schleifen und Vektorisierung Rechenzeit Scope

```
z <- 3
f <- function(x) {
y <- 2*x
print(x)
print(y)
z <- 5
print(z)
}</pre>
```

Ausgabe bei Aufruf der Funktion:

➤ z ist keine freie Variable mehr, da sie nun innerhalb der Funktion definiert ist (lokale Variable) und die freie Variable z außerhalb der Funktion verdeckt