Ajustage de paramètres par ABC -École chercheur·se·s 2018

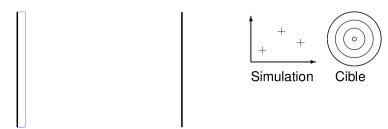
Nicolas Dumoulin

28 Mars 2018 #ÉquipeAjustage vs #TeamCalibration





- Tirer $\theta^* \sim \pi(\theta)$
- Simuler $D' \sim f(\theta^*)$
- Si $\rho(D', D) \leq \epsilon$, accepter θ^* , sinon le rejeter
- Répéter jusqu'à ce qu'un échantillon de la taille désirée soit obtenu (Pritchard et al., 1999)

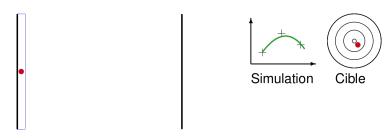


Distribution *a priori* $\pi(\theta)$

Distribution a posteriori $\mathbb{P}(\theta|\rho(D',D) \leq \epsilon)$



- Tirer $\theta^* \sim \pi(\theta)$
- Simuler $D' \sim f(\theta^*)$
- Si $\rho(D', D) \leq \epsilon$, accepter θ^* , sinon le rejeter
- Répéter jusqu'à ce qu'un échantillon de la taille désirée soit obtenu (Pritchard et al., 1999)

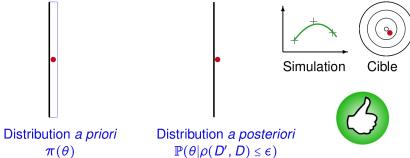


Distribution *a priori* $\pi(\theta)$

Distribution a posteriori $\mathbb{P}(\theta|\rho(D',D) \leq \epsilon)$

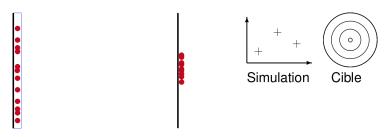


- Tirer $\theta^* \sim \pi(\theta)$
- Simuler $D' \sim f(\theta^*)$
- Si $\rho(D', D) \leq \epsilon$, accepter θ^* , sinon le rejeter
- Répéter jusqu'à ce qu'un échantillon de la taille désirée soit obtenu (Pritchard et al., 1999)





- Tirer $\theta^* \sim \pi(\theta)$
- Simuler $D' \sim f(\theta^*)$
- Si $\rho(D', D) \leq \epsilon$, accepter θ^* , sinon le rejeter
- Répéter jusqu'à ce qu'un échantillon de la taille désirée soit obtenu (Pritchard et al., 1999)

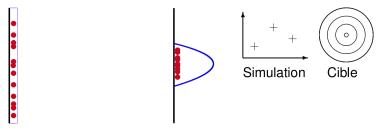


Distribution *a priori* $\pi(\theta)$

Distribution a posteriori $\mathbb{P}(\theta|\rho(D',D) \leq \epsilon)$



- Tirer $\theta^* \sim \pi(\theta)$
- Simuler $D' \sim f(\theta^*)$
- Si $\rho(D', D) \leq \epsilon$, accepter θ^* , sinon le rejeter
- Répéter jusqu'à ce qu'un échantillon de la taille désirée soit obtenu (Pritchard et al., 1999)



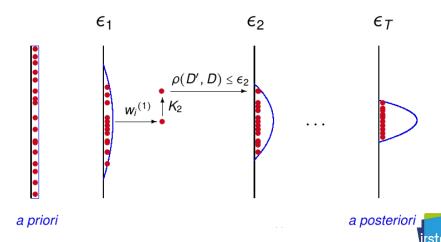
Distribution *a priori* $\pi(\theta)$

Distribution a posteriori $\mathbb{P}(\theta|\rho(D',D) \leq \epsilon)$



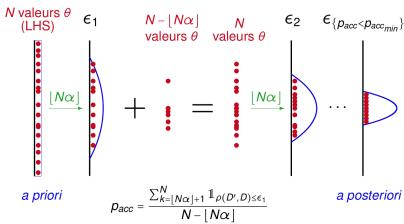
Population Monte Carlo

(Beaumont et al., 2009)



Adaptative Population Monte Carlo

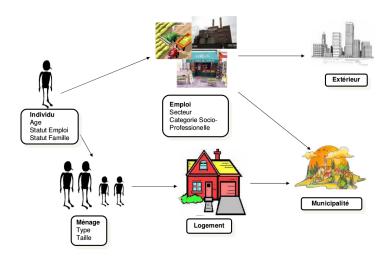
(Lenormand et al., 2012)





Ajustage d'un "vrai" modèle : SimVillages

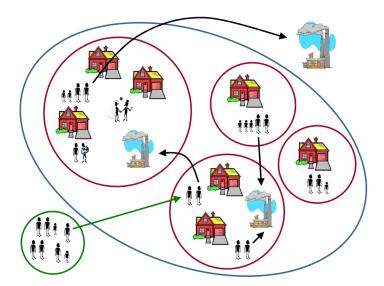
• Dynamique de population en zone rurale (Huet et al., 2012)





Ajustage d'un "vrai" modèle : SimVillages

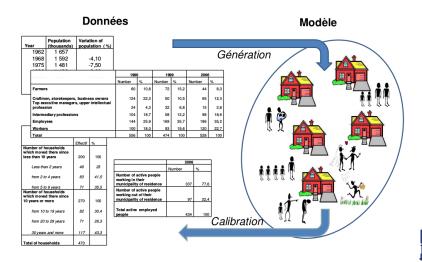
• Dynamique de population en zone rurale (Huet et al., 2012)





Ajustage d'un "vrai" modèle : SimVillages

• Dynamique de population en zone rurale (Huet et al., 2012)





SimVillages: mensurations

- 260 communes (département du Cantal)
- 8 paramètres d'entrée
- 8 statistiques résumantes (4 en 1999 et 4 en 2006)
- Début de simulation en 1990, ajustage sur 1999 et 2006
- Temps moyen par simulation : 1 minute

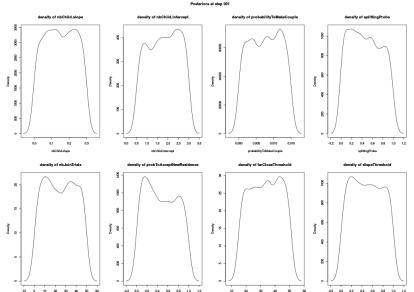
Paramètres	Description	Etendue
θ_1	Nombre d'enfants (pente)	[0, 0.15]
θ_2	Nombre d'enfants (intersection)	[0.5, 3]
$ heta_3$	Indice de satisfaction du logement	[0, 0.2]
$ heta_4$	Probabilité de se mettre en couple	[0, 1]
$ heta_5$	Nombre d'essais pour se mettre en couple	[0, 20]
$ heta_6$	Probabilité de se séparer	[0, 0.05]
$ heta_7$	Seuil de proximité	[0, 50]
θ_8	Satisfaction de la demande de logement	[0, 1]



SimVillages : paramètres d'ajustage APMC

- Statistiques résumantes :
 - Pyramide des âges
 - Nombre d'habitants par commune
 - Solde migratoire
 - Nombre de migrations internes
- Méthode utilisée : APMC en Java
 - N = 2000
 - alpha = 0.5
 - pacc_min = 0.01
- Durée : 3 jours sur cluster de calcul pour 60000 simulations



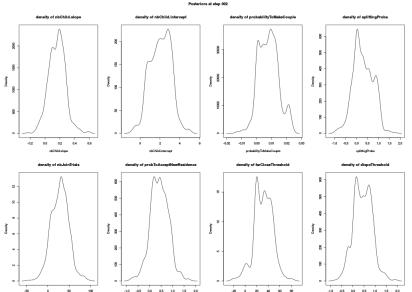




nbJoinfriale

dispoThreshold

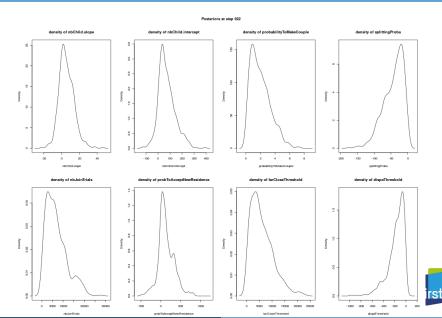
farCloseThreshold

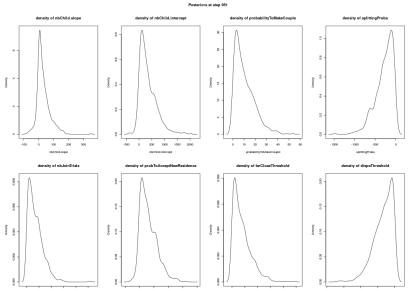




nbJoinfriale

dispoThreshold





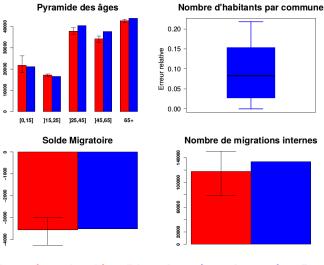


nbJoinfinais

farCloseThreshold

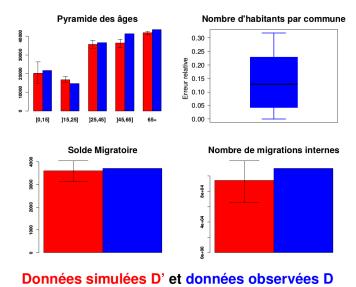
dispdThreshold

SimVillages APMC : statistiques résumantes 1999





SimVillages APMC : statistiques résumantes 2006





Lequel choisir?





Hey, je démarre un package pour valoriser les derniers algos ABC ! Banco ?





Hey, je démarre un package pour valoriser les derniers algos ABC ! Banco ?









EasyABC : on met le paquet

- Méthodes implémentées
 - ABC rejection (Pritchard et al., 1999)
 - ABC séquentiel
 - (Beaumont et al., 2009)
 - (Drovandi and Pettitt, 2011)
 - (Del Moral et al., 2012)
 - (Lenormand et al., 2012)
 - Markov Chain Monte Carlo
 - (Marjoram et al., 2003)
 - (Wegmann et al., 2009)
 - Simulated annealing (Albert et al., 2014; Fearnhead et al., 2012)
- Définition de contraintes sur les domaines de définition ("X1<X2+X3")
- Utilisation de fonctions d'échantillonage arbitraire
- Option multicœurs
- Utilisation modèle binaire (exécutable) ou modèle java



Installation

```
Easy as 123
install.packages("EasyABC")
library("EasyABC")
?EasyABC
```



Installation

Easy as 123

install.packages("EasyABC")
library("EasyABC")
?EasyABC





Bilan EasyABC

- Première version en 2012, publiée sous license libre
- 6 contributions d'utilisateurs, dont un nouvel algorithme (SABC)
- Permet de démarrer rapidement une expérimentation avec ABC

http://easyabc.r-forge.r-project.org/





Premiers pas: le script

```
# Prenons un modèle comme exemple
> toy_model <- function(x){</pre>
+ c(x[1]+x[2] + rnorm(1,0,0.1),
+ x[1]*x[2] + rnorm(1,0,0.1)
+ }
# Définissons notre prior
> toy_prior = list(c("unif",0,1),c("normal",1,2))
# la cible
> sum stat obs = c(1.5,0.5)
# top départ !
> ABC <- ABC rejection(model=toy model, prior=toy prior,
   nb_simul=10, summary_stat_target=sum_stat_obs,
+ to 1=0.2
```



Premiers pas : le résultat

```
> ABC
$param
           [,1] \qquad [,2]
param 0.7341818 0.01361074
param 0.6534961 0.80211864
$stats
          [,1] \qquad [,2]
[1,] 0.8332396 0.1414957
[2,] 1.4453496 0.5851046
$weights
[1] 0.5 0.5
$stats_normalization
[1] 1.820294 1.015811
$nsim
[1] 10
$nrec
[1] 2
$computime
```

[1] 0.00214529



ABC séquentiel

- (Beaumont et al., 2009) l'utilisateur doit fournir les seuils de tolérance successifs (tolerance_tab)
- > ABC_Beaumont <- ABC_sequential(method="Beaumont",
- + model=toy_model, prior=toy_prior,
- + nb_simul=10, summary_stat_target=sum_stat_obs,
- + tolerance_tab=c(1.25,0.75))



ABC séquentiel

- (Lenormand et al., 2012)
 - l'utilisateur doit fournir le nombre de simulations initial (nb_simul)
 - à chaque itération, le nombre de nouvelles simulations est un ratio de nb_simul (alpha = 0.5 par défaut)
 - seuil d'arrêt p_acc_min par défaut à 0.05
 - obligation d'utiliser un LHS uniforme

```
> toy_prior2=list(c("unif",0,1),c("unif",0.5,1.5))
> ABC_Lenormand<-ABC_sequential(method="Lenormand",
+ model=toy_model, prior=toy_prior2,
+ nb_simul=10, summary_stat_target=sum_stat_obs,
+ p_acc_min=0.4)</pre>
```



Multicœurs

 La fonction du modèle doit accepter comme premier argument l'index du flux de nombre pseudo-aléatoires à utiliser

```
> toy_model_parallel <- function(x) {
+ set.seed(x[1])
+ c(x[2]+x[3] + rnorm(1,0,0.1),
+ x[2]*x[3] + rnorm(1,0,0.1))
+ }</pre>
```

 Chaque fonction d'EasyABC accepte une option n_cluster (par défaut 1)

```
> ABC <- ABC_rejection(model=toy_model_parallel,
+ prior=toy_prior, nb_simul=n, n_cluster=2,
+ summary_stat_target=sum_stat_obs, tol=0.2,
+ use_seed=TRUE)</pre>
```



Intégration code C++

• Ajout du branchement dans votre code C++ extern "C" { void trait model(double *input,double *stat to return){ // compute output and fill the array stat to return Compilation \$ R CMD SHLIB trait_model_rc.cpp Chargement dans R > dyn.load("trait model rc.so") Et voilà trait_model <- function(input=c(1,1,1,1,1,1)) {</pre> .C("trait_model",input=input, stat_to_return=array(0,4))\$stat_to_return



Voilà

• Voir aussi module python ELFI

```
install.packages("EasyABC")
http://easyabc.r-forge.r-project.org/
```



Voilà

• Voir aussi module python ELFI

install.packages("EasyABC")
http://easyabc.r-forge.r-project.org/

Do you MeOW?



