## 3.5 Seurat 集成单细胞数据分析 (AA)

* Content:
* Anonymous Comment: 像这种线粒体后续分析可以控制在10%

Reply: 已调整

* Content:
* Anonymous Comment: 这个注释结果看着不理想啊, 多种细胞混杂一起，chatgpt注释完后还需要使用细胞的marker进行验证，另外吧chatgpt注释的那篇文献也引用下

Reply: 已重新分析。可能是批次矫正的部分效果不好。

* Content:
* Anonymous Comment: 每种细胞使用2-3个marker

Reply: 已修改。

## 3.9 关联分析

* Content: 聚焦于 Erythroblast 细胞
* Anonymous Comment: 为什么聚焦这个，我看巨噬细胞和浆细胞以及血小板细胞的也值得关注

Reply: 已调整，按照一定原则筛选细胞和基因。

* Content: Fig. [**14**](\l) 中，‘TUBB2A’ 具有差异分布趋势。
* Anonymous Comment: 是否可以看下这12个基因在不同细胞中疾病和正常组的表达存在差异？

Reply: 补充了一个小提琴图。

# 4 总结

* Content: 局限：目前公开可得的 AA 数据集较少，难以多方面验证，该分析可能受限于当前数据
* Anonymous Comment: 通篇结果相对来说还是有点少 , 和闫姐商量看能不能补一些实验啥的

Reply: 已补充一定的内容。如果 AA 容易造模，可以实验验证