#### 2.3 AutoDock vina 分子对接 (Dataset: MYLK)

* Content: AutoDock vina 分子对接
* lg Comment: 这个蛋白是基于前端922个氨基酸序列组成的结构域进行的对接吧？ 不是MYLK全蛋白吧？

Reply: 是前端 922 个没错。文中分析部分有描述 “以 pymol 选择 Q15746 蛋白结构中的 chain A 的氨基酸残基 1-922”

## 3.2 AutoDock vina 分子对接 (MYLK)

* Content: Fig. [**1**](#MYLK-Overall-combining-Affinity)
* lg Comment: 图例放到图片下方，一对一

Reply: 已调整报告输出程序，让图例呈现在对应部分下方。

* Content: (name: <CID:9809715>) (PubChem CID: 9809715)
* lg Comment: 选择这几个化合物展示的原因是什么？

Reply: 展示了亲和度 Top3。Fig. 1 MYLK Overall combining Affinity 展示了 Top 10。总共对接 190 多组。