

PROJET WEB AMI2B
BELLA BACI – PIJEAUD – VACUS

Fonctionnalités optionnelles prévues (et le taux de confiance de les réaliser dans les temps) :

- Mail envoyé aux annotateurs pour les informer qu'une liste de séquences à annoter leur a été attribuée. (90%)
- Mail envoyé aux annotateurs ayant contribué pour les informer de la décision. (90%)
- Forum des annotateurs. (90%)
- Visualisation des domaines d'une séquence protéique donnée. (50%)
- Auto-complétion lors de la sélection des informations relatives à un génome. (20%)
- Validation par l'administrateur d'une demande de création de nouvel utilisateur. (10%)

Liste des bases extérieures auxquelles l'accès sera proposé (par l'identifiant de la séquence nucléique) :

- Uniprot : <https://www.uniprot.org/>
- EMBL-EBI : <https://www.ebi.ac.uk/>