#### RBSC-SubGenの概要

#### 【RBSC-SubGenアルゴリズム4の入力とハイパーパラメータ】

- 全体集合U
- ハイパーパラメータ
  - ▶ 部分集合の大きさS
  - ▶ 望ましいRBSC係数p\*
  - ▶ 算出される実際のRBSC係数pと望ましいRBSC係数p\*との 許容誤差 $\epsilon$

#### 【RBSC-SubGenアルゴリズムにより得られる結果】

- RBSC係数が所望する値 $p \in [p^* \epsilon, p^* + \epsilon]$ に十分近い2つの部分集合を構築する
- 反復回数が最大反復回数M以下である
- ⇒構築した2つの部分集合とRBSC係数の実測値pを返す.

<sup>&</sup>lt;sup>4</sup>Kohei Furuya et al. "Exploring the limits of an RBSC-based approach in solving the subset selection problem". In: *Proceedings of the International Congress on on Smart Computing and Artificial Intelligence*. Vol. 81. 2022, pp. 1–11. DOI: https://doi.org/10.29007/11311.

#### Webアプリケーションのアーキテクチャ

#### 【使用言語及びツール】

- Python 3.11.1
- Streamlit 1.16.0



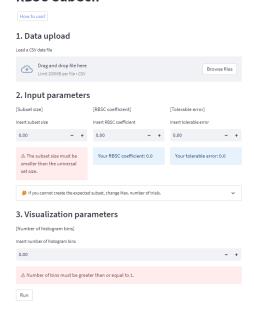
Webアプリケーションのアーキテクチャ

実行サーバ: Streamlit Cloud

処理:1つまたは2つの項目の所望するRBSC係数 $p^*$ に適合する2つの部分集合を生成する.

#### 作成したWebアプリケーションのオープニングページ

#### RBSC-SubGen



入力のステップ

出力

#### 1.Data upload

データセット, 全体集合Uの設定

2. Input parameters

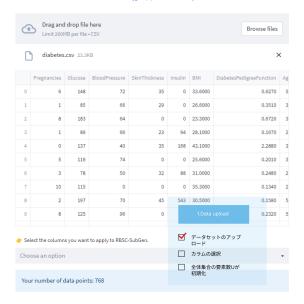
ハイパーパラメータ の取得

3. Visualization parameter

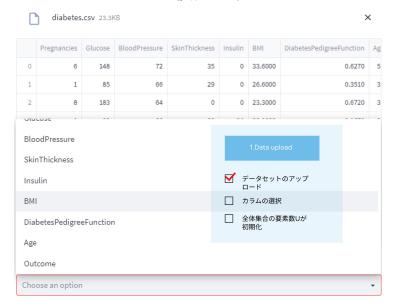
出力されるヒストグラムの ビン数の設定

- 各部分集合の,選択 した特徴の値の分布 を示すヒストグラム
- 生成した部分集合の データフレーム
- 各項目のRBSC係数 の実測値p
- 処理時間





データセットのアップロードの完了後



カラム選択



全体集合Uの初期化



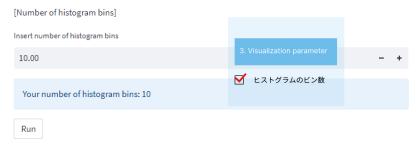
2. Input Parameters

#### 2. Input parameters

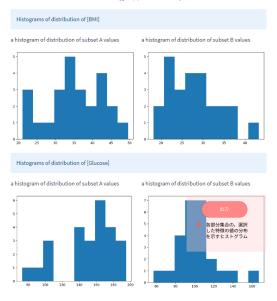


#### 2. Input Parameters

#### 3. Visualization parameters



3. Visualization parameter



出力されたヒストグラム

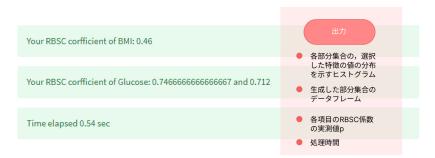
#### Subsets dataframe

	Pregnancies	Glucose	BloodPressure	SkinThic
0	7	133	84	
1	7	196	90	
2	5	117	92	
3	7	159	64	
4	1	189	60	
5	0	109	88	
6	0	100	88	
7	1	97	66	
8	0	118	84	
9	10	122	78	

	Pregnancies	Glucose	BloodPressure	SkinTh
0	0	180	66	
1	1	95	66	
2	1	71	48	
3	1	0.5	66	
4	1		出力 68	
5	2	した特	分集合の,選択。 持徴の値の分布	
6	6		ナロハケクラム 92	
7	7		ンた部分集合の タフレーム <sub>0</sub>	
8	1	97	66	
9	0	101	65	

Download data A as CSV

Download data B as CSV



出力されたRBSC係数pと処理時間