## Normalized Confusion Matrix of the Test Set (4400 Samples) 0.65 0.02 0.02 0.00 0.02 0.02 0.06 0.07 0.09 0.00 0.00 0.01 0.03 0.00 0.00 0.00 **BUDNECK** - 0.8 **BUDTIP CELLPERIPHERY** 0.00 0.00 0.00 0.00 0.89 0.03 0.04 0.00 0.01 0.00 0.00 0.00 0.00 0.01 0.00 0.01 **CYTOPLASM** 0.02 0.00 0.00 0.00 0.01 0.70 0.01 0.02 0.03 0.01 0.01 0.00 0.04 0.08 0.01 0.03 **ENDOSOME** - 0.6 ER True label 0.03 0.00 0.00 0.00 0.00 0.12 0.01 0.70 0.08 0.00 0.01 0.00 0.04 0.00 0.02 0.00 **GOLGI** 0.02 0.00 0.00 0.00 0.02 0.09 0.01 0.08 0.62 0.01 0.00 0.00 0.05 0.01 0.04 0.02 **MITOCHONDRIA** - 0.4 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00 0.02 0.00 0.01 0.89 0.02 0.00 0.00 0.00 0.04 0.02 **NUCLEARPERIPHERY** 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00 0.01 0.01 0.00 0.00 0.03 0.88 0.03 0.00 0.00 0.02 0.02 **NUCLEI NUCLEOLUS** 0.03 0.02 0.01 0.00 0.00 0.07 0.00 0.06 0.12 0.01 0.00 0.00 0.66 0.02 0.00 0.00 **PEROXISOME** 0.2 **SPINDLEPOLE VACUOLARMEMBRANE VACUOLE** 0.0 ER SPINDLEPOLE BUDTIP **CYTOPLASM** ENDOSOME MITOCHONDRIA NUCLEOLUS **PEROXISOME** VACUOLARMEMBRANE **3UDNECK** CELLPERIPHERY NUCLEARPERIPHERY

Predicted label