practica 3

Table of contents

orrelación lineal	2
orrelación lineal	2
librerias:	
datos	
graficos	
Normalidad	
Homocedasticidad	_
Coeficientes correlación	8
Pandas	9
Conclusión	10

correlación lineal

correlación lineal

Un estudio pretende analizar si existe una correlación lineal positiva entre la altura y el peso de las personas. Los datos utilizados en este ejemplo se han obtenido del libro *Statistical Rethinking by Richard McElreath*. El set de datos contiene información recogida por Nancy Howell a finales de la década de 1960 sobre el pueblo !Kung San, que viven en el desierto de Kalahari entre Botsuana, Namibia y Angola.

librerias:

Tratamiento de datos

```
import pandas as pd
import numpy as np
```

Gráficos

```
import matplotlib.pyplot as plt
from matplotlib import style
import seaborn as sns
```

Preprocesado y análisis

```
import statsmodels.api as sm
import pingouin as pg
from scipy import stats
from scipy.stats import pearsonr
```

Configuración matplotlib y Configuración warnings

```
plt.style.use('ggplot')

# Configuración warnings
import warnings
warnings.filterwarnings('ignore')
```

datos

Se utilizan únicamente información de individuos mayores de 18 años.

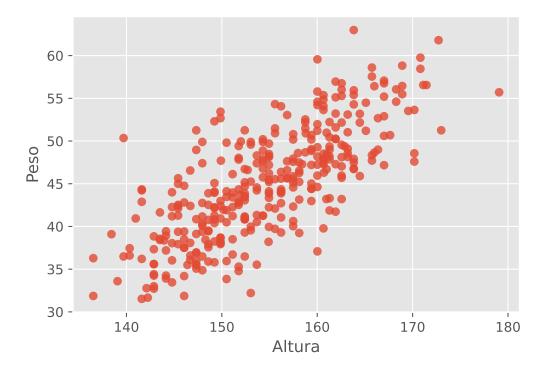
```
datos = datos[datos.age > 18]
datos.info()
```

```
<class 'pandas.core.frame.DataFrame'>
Index: 346 entries, 0 to 543
Data columns (total 4 columns):
     Column Non-Null Count Dtype
     -----
 0
    height 346 non-null
                           float64
    weight 346 non-null
                           float64
 1
 2
    age
            346 non-null
                           float64
 3
    male
            346 non-null
                            int64
dtypes: float64(3), int64(1)
memory usage: 13.5 KB
```

En primer lugar se representan las dos variables mediante un diagrama de dispersión (scatter-plot) para intuir si existe relación lineal o monotónica. Si no la hay, no tiene sentido calcular este tipo de correlaciones.

graficos

```
fig, ax = plt.subplots(1, 1, figsize=(6,4))
ax.scatter(x=datos.height, y=datos.weight, alpha= 0.8)
ax.set_xlabel('Altura')
ax.set_ylabel('Peso');
```



El diagrama de dispersión parece indicar una relación lineal positiva entre ambas variables.

Para poder elegir el coeficiente de correlación adecuado, se tiene que analizar el tipo de variables y la distribución que presentan. En este caso, ambas variables son cuantitativas continuas y pueden ordenarse para convertirlas en un ranking, por lo que, a priori, los tres coeficientes podrían aplicarse. La elección se hará en función de la distribución que presenten las observaciones: normalidad, homocedasticidad y presencia de *outliers*.

Normalidad

Gráfico distribución variables

```
fig, axs = plt.subplots(nrows=1, ncols=2, figsize=(10, 4))
axs[0].hist(x=datos.height, bins=20, color="#3182bd", alpha=0.5)
axs[0].plot(datos.height, np.full_like(datos.height, -0.01), '|k', markeredgewidth=1)
axs[0].set_title('Distribución altura (height)')
axs[0].set_xlabel('height')
axs[0].set_ylabel('counts')

axs[1].hist(x=datos.weight, bins=20, color="#3182bd", alpha=0.5)
axs[1].plot(datos.weight, np.full_like(datos.weight, -0.01), '|k', markeredgewidth=1)
```

```
axs[1].set_title('Distribución peso (weight)')
axs[1].set_xlabel('weight')
axs[1].set_ylabel('counts')

plt.tight_layout();
```

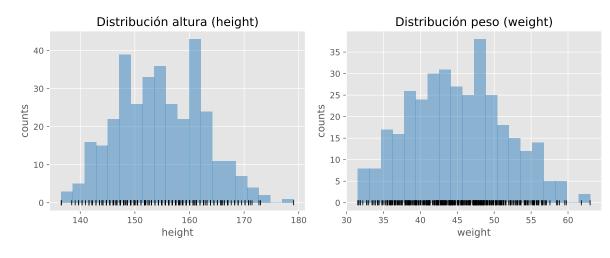
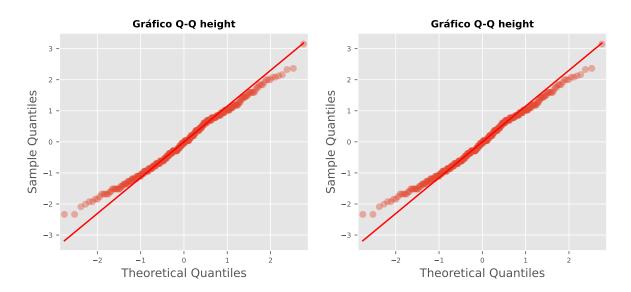


Gráfico Q-Q

```
fig, axs = plt.subplots(nrows=1, ncols=2, figsize=(10, 4))
sm.qqplot(
   datos.height,
   fit = True,
   line = 'q',
   alpha = 0.4,
   lw
         = 2,
    ax
         = axs[0]
axs[0].set_title('Gráfico Q-Q height', fontsize = 10, fontweight = "bold")
axs[0].tick_params(labelsize = 7)
sm.qqplot(
   datos.height,
   fit = True,
   line = 'q',
   alpha = 0.4,
   lw
       = 2,
```

```
ax = axs[1]
)
axs[1].set_title('Gráfico Q-Q height', fontsize = 10, fontweight = "bold")
axs[1].tick_params(labelsize = 7)
```



Además del estudio gráfico, se recurre a dos test estadísticos que contrasten la normalidad de los datos: *Shapiro-Wilk test* y *D'Agostino's K-squared test*. Este último es el que incluye el *summary* de **statsmodels** bajo el nombre de *Omnibus*.

En ambos test, la hipótesis nula considera que los datos siguen una distribución normal, por lo tanto, si el *p-value* no es inferior al nivel de referencia *alpha* seleccionado, no hay evidencias para descartar que los datos se distribuyen de forma normal.

Normalidad de los residuos Shapiro-Wilk test

```
shapiro_test = stats.shapiro(datos.height)
print(f"Variable height: {shapiro_test}")
shapiro_test = stats.shapiro(datos.weight)
print(f"Variable weight: {shapiro_test}")
```

Variable height: ShapiroResult(statistic=0.9910705950686569, pvalue=0.034413216987494714) Variable weight: ShapiroResult(statistic=0.9911816371339782, pvalue=0.0367282884335488)

Normalidad de los residuos D'Agostino's K-squared test

```
k2, p_value = stats.normaltest(datos.height)
print(f"Variable height: Estadítico = {k2}, p-value = {p_value}")
k2, p_value = stats.normaltest(datos.weight)
print(f"Variable weight: Estadítico = {k2}, p-value = {p_value}")
```

```
Variable height: Estadítico = 7.210790495766356, p-value = 0.02717670115638557
Variable weight: Estadítico = 8.402628478646044, p-value = 0.014975881988444982
```

El análisis gráfico y los test estadísticos muestran evidencias de que no se puede asumir normalidad en ninguna de las dos variables. Siendo estrictos, este hecho excluye la posibilidad de utilizar el coeficiente de Pearson, dejando como alternativas el de Spearman o Kendall. Sin embargo, dado que la distribución no se aleja mucho de la normalidad y de que el coeficiente de Pearson tiene cierta robustez, a fines prácticos sí que se podría utilizar siempre y cuando se tenga en cuenta este hecho y se comunique en los resultados. Otra posibilidad es tratar de transformar las variables para mejorar su distribución, por ejemplo, aplicando el logaritmo.

Transformación logarítmica de los datos

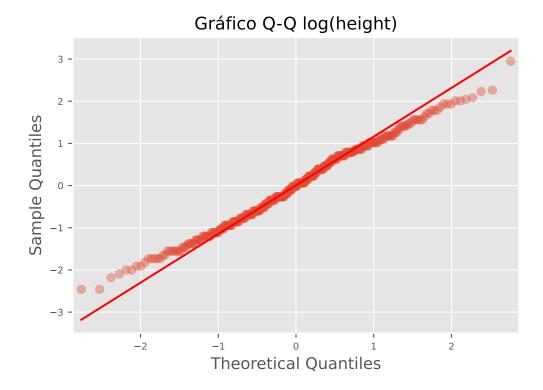
```
fig, ax = plt.subplots(nrows=1, ncols=1, figsize=(6, 4))

sm.qqplot(
    np.log(datos.height),
    fit = True,
    line = 'q',
    alpha = 0.4,
    lw = 2,
    ax = ax
)

ax.set_title('Gráfico Q-Q log(height)', fontsize = 13)
ax.tick_params(labelsize = 7)

shapiro_test = stats.shapiro(np.log(datos.height))
print(f"Variable height: {shapiro_test}")
```

Variable height: ShapiroResult(statistic=0.9922663896096799, pvalue=0.06946765640621282)



La trasformación logarítmica de la variable altura (height) consigue una distribución más próxima a la normal.

Homocedasticidad

La homocedasticidad implica que la varianza se mantiene constante. Puede analizarse de forma gráfica representando las observaciones en un diagrama de dispersión y viendo si mantiene una homogeneidad en su dispersión a lo largo del eje X. Una forma cónica es un claro indicativo de falta de homocedasticidad. Dos test estadísticos utilizados para contrastar la homocedasticidad son: test de *Goldfeld-Quandt* y el de *Breusch-Pagan*.

Tal como muestra el diagrama de dispersión generado al inicio del ejercicio, no se aprecia ningún patrón cónico y la dispersión es constante.

Coeficientes correlación

Debido a la falta de normalidad, los resultados generados por Pearson no son del todo precisos. Sin embargo, dado que la desviación de la normalidad es leve y no se aprecian *outliers*, con fines ilustrativos, se procede a calcular los tres tipos de coeficientes.

De nuevo recordar que, cuando alguna de las condiciones asumidas por un modelo o test estadístico no se cumplen, no significa que obligatoriamente se tenga que descartar, pero hay que ser consciente de las implicaciones que tiene y reportarlo siempre en los resultados.

Pandas

Pandas permite calcular la correlación de dos Series (columnas de un DataFrame). El cálculo se hace por pares, eliminando automáticamente aquellos con valores NA/null. Una limitación de Pandas es que no calcula la significancia estadística.

Cálculo de correlación con Pandas

```
print('Correlación Pearson: ', datos['weight'].corr(datos['height'], method='pearson'))
print('Correlación spearman: ', datos['weight'].corr(datos['height'], method='spearman'))
print('Correlación kendall: ', datos['weight'].corr(datos['height'], method='kendall'))
```

Correlación Pearson: 0.7528177220327669 Correlación spearman: 0.7510966609219974 Correlación kendall: 0.5639709660523899

Scypy.stats

La implementación de Scypy.stats sí permite calcular la significancia estadística además del coeficiente de correlación. La función stats.pearsonr(), devuelve un error si alguna de las observaciones contienen valores NA/null. Las funciones stats.spearmanr() y stats.kendalltau() sí permiten excluirlos de forma automática si se indica nan_policy='omit'.

Cálculo de correlación y significancia con Scipy

```
r, p = stats.pearsonr(datos['weight'], datos['height'])
print(f"Correlación Pearson: r={r}, p-value={p}")

r, p = stats.spearmanr(datos['weight'], datos['height'])
print(f"Correlación Spearman: r={r}, p-value={p}")

r, p = stats.kendalltau(datos['weight'], datos['height'])
print(f"Correlación Pearson: r={r}, p-value={p}")
```

Correlación Pearson: r=0.7528177220327668, p-value=1.8941037794176386e-64 Correlación Spearman: r=0.7510966609219974, p-value=5.2882247217804375e-64 Correlación Pearson: r=0.5639709660523899, p-value=3.162649137764635e-54

Pingouin

La librería Pingouin tiene una de las implementaciones más completas. Con la función corr() se obtiene, además del coeficiente de correlación, su significancia, intervalo de confianza y poder estadístico entre otros.

Cálculo de correlación, significancia e intervalos con pingouin

```
display(pg.corr(datos['weight'], datos['height'], method='pearson'))
display(pg.corr(datos['weight'], datos['height'], method='spearman'))
display(pg.corr(datos['weight'], datos['height'], method='kendall'))
```

	n	r	CI95%	p-val	BF10	power
pearson	346	0.752818	[0.7, 0.8]	1.894104e-64	8.84e + 60	1.0

	n	r	CI95%	p-val	power
spearman	346	0.751097	[0.7, 0.79]	5.288225e- 64	1.0

	n	r	CI95%	p-val	power
kendall	346	0.563971	[0.49, 0.63]	3.162649e-54	1.0

Conclusión

Los test estadísticos muestran una correlación lineal entre moderada y alta, con claras evidencias estadísticas de que la relación observada no se debe al azar (pvalue 0 0).