Thèse en Informatique	ue
-----------------------	----

Jean Simard

# Interactions haptiques collaboratives pour la manipulation moléculaire

École Doctorale d'Informatique de Paris Sud

Thèse soutenue le  $1^{\rm er}$  décembre 2011 en présence de

Martin DUPONT (rapporteur) Directeur de recherche au LIMSI Martin DUPOND (examinateur) Directeur de recherche au LIMSI

## Table des matières

Ta	able	des matières	iii
Ta	able	des figures	$\mathbf{v}$
Li	ste d	les tableaux	vii
Ι	Le	sujet	1
1	Inti	roduction	3
II	É	tude du travail collaboratif	5
2	La	recherche collaborative	7
	2.1	Présentation	7
		2.1.1 Objectifs	7
		2.1.2 Hypothèses	7
	2.2	Dispositif expérimental	7
	2.3	Méthode	7
		2.3.1 Sujets	7
		2.3.2 Variables	8
		2.3.3 Tâche	11
		2.3.4 Procédure	11
	2.4	Résultats	11
3	La	manipulation collaborative	13

#### Table des matières

4 Les dynamiques de groupe	15
III Propositions pour le travail collaboratif	17
5 Travail collaboratif assisté par haptique	19
IV Synthèse	21
6 Conclusion et perspectives	23
Glossary	<b>25</b>
Acronyms	27
A Shaddock – Collaborative Virtual Environment for Molecular Design	29

## Table des figures

2.1	Répartition	des	motifs	sur	les	molécules								10

## Liste des tableaux

2.1	Liste des motifs recherchés	Ĝ
2.2	Paramètres de complexité des motifs	Ö

## Liste des $\hat{A}$ faire

Première partie

Le sujet

## Introduction

## Deuxième partie Étude du travail collaboratif

### La recherche collaborative

- 2.1 Présentation
- 2.1.1 Objectifs
- 2.1.2 Hypothèses
- 2.2 Dispositif expérimental
- 2.3 Méthode

#### 2.3.1 Sujets

24 sujets (4 femmes et 20 hommes) avec une moyenne d'âge de  $\mu=27.8$  ( $\sigma=7.19$ ) ont participés à cette expérimentation. Ils ont tous été recrutés au sein du laboratoire Laboratoire pour l'Informatique, la Mécanique et les Sciences de l'Ingénieur (CNRS-LIMSI) et sont chercheurs ou assistants de recherche dans les domaines suivants :

- linguistique et traitement automatique de la parole;
- réalité virtuelle et système immersifs ;
- audio-acoustique.

Ils ont tous le français comme langue principale. Aucun participant n'a de déficience visuelle (ou corrigée le cas échéant) ni déficience audio.

Chaque participants est complètement naïf concernant les détails de l'expérimentation. Une explication détaillée de la procédure expérimentale leur est donnée au commencement de l'expérimentation mais en omettant l'objectif de l'étude.

#### 2.3.2 Variables

#### Variables indépendantes

- $(\mathcal{V}_{i1})$  Nombre de sujets La première variable indépendante est une variable intra-population, c'est-à-dire que tous les sujets seront expérimentés dans toutes les conditions de cette variable.  $(\mathcal{V}_{i1})$  possède 2 valeurs possibles : « 1 sujet  $(c.f.\ mon \hat{o}me)$  » ou « 2 sujets  $(c.f.\ bin \hat{o}me)$  ». Le sujets seuls et les sujets en couples ont à leur disposition 2 interfaces haptiques et une souris 3D (SpaceNavigator<sup>®</sup>). Pour les bin  $\hat{o}$ mes, seulement un des deux sujets est désigné pour l'utilisation exclusive de la souris 3D. 24 mon  $\hat{o}$ mes et 12 bin  $\hat{o}$ mes ont été testés ce qui fait deux fois plus de mon  $\hat{o}$ mes que de bin  $\hat{o}$ mes.
- $(\mathcal{V}_{i2})$  Motif recherché La seconde variable indépendante est une variable intra-population.  $(\mathcal{V}_{i2})$  concerne les motifs recherchés qui sont au nombre de 10 répartis à part égale dans 2 molécules (voir Table 2.1 page ci-contre). La première molécule est couramment nommée TRP-CAGE [Neidigh et al. 2002] et a pour identifiant PDB 1L2Y sur la *Protein DataBase* <sup>1</sup>. La seconde molécule nommée Prion [Christen et al. 2009] avec l'identifiant PDB 2KFL. 5 motifs sont présents sur chaque molécule (voir Figure 2.1 page 10) et chacun présente différents niveaux de complexité (voir Table 2.2 page ci-contre) :
- **Position** La position du motif peut se trouver sur le pourtour de la molécule, en position *externe* ou à l'intérieur, au milieu de l'amas d'atome (position *interne*). Un motif en position externe ne nécessite pas de déformer la molécule pour le trouver et l'atteindre contrairement à un motif en position interne qui sera plus complexe d'accès.
- Forme La forme du motif influe énormément sur la complexité de la recherche. On distingue 3 formes différentes :
  - **Chaîne** Un enchaînement d'atomes seuls les atomes d'hydrogène sont de part et d'autres de cet enchaînement.
  - Cercle Une chaîne d'atomes de carbone ou d'azote qui boucle sur ellemême.
  - **Étoile** Séries de chaînes d'atomes toutes reliées sur un atome central (la plupart du temps, un atome de carbone).
- Couleurs Les atomes sont colorés en fonction de leur nature (rouge pour l'oxygène, blanc pour l'hydrogène, etc.). Les atomes qui sont rares seront donc rapidement trouvés grâce à leur couleur différente. Par contre, les atomes nombreux (comme les hydrogènes ou les carbones) seront plus difficiles à filtrer à cause de leur nombre important.
- Similarité Certains résidus à chercher sont très similaires à d'autres résidus également présents sur la molécule. De par leur similarité, ils vont mobilier la recherche sur des résidus incorrects.

<sup>1.</sup> http://www.pdb.org/

Table 2.1 – Liste des motifs recherchés

(a) Motifs sur la molécule TRP-CAGE

(b) Motifs sur la molécule Prion

Motif	Image	Motif	Image
$(\mathcal{M}_1)$		$(\mathcal{M}_6)$	
$(\mathcal{M}_2)$	+	$(\mathcal{M}_7)$	+
$(\mathcal{M}_3)$		$(\mathcal{M}_8)$	
$(\mathcal{M}_4)$	4	$(\mathcal{M}_9)$	4
$(\mathcal{M}_5)$		$(\mathcal{M}_{10})$	

Table 2.2 – Paramètres de complexité des motifs

Motif	Position	Forme	Couleurs	Similarité
$(\mathcal{M}_1)$	Interne	Cercle	8 C, 1 N	Non
$(\mathcal{M}_2)$	Interne	Étoile	1 C, 3 N	Non
$(\mathcal{M}_3)$	Interne	Cercle	6 C, 1 O	Non
$(\mathcal{M}_4)$	Externe	Chaîne	4 C	Non
$(\mathcal{M}_5)$	Externe	Chaîne	4 C, 1 N	Non
$(\mathcal{M}_6)$	Interne	Chaîne	2 C, 2 S	Non
$(\mathcal{M}_7)$	Externe	Étoile	1 C, 3 N	Non
$(\mathcal{M}_8)$	Externe	Cercle	6 C, 1 O	Non
$(\mathcal{M}_9)$	Interne	Chaîne	4 C	Oui
$(\mathcal{M}_{10})$	Interne	Chaîne	4 C, 1 N	Oui

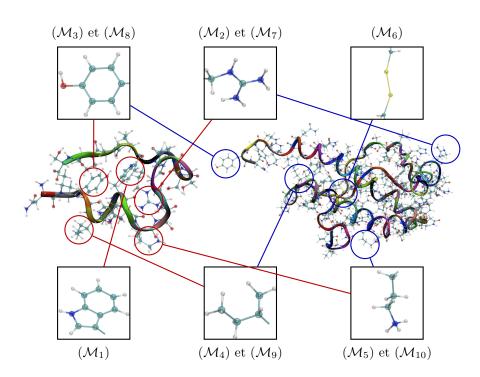


Figure 2.1 – Répartition des motifs sur les molécules

#### Variables dépendantes

- 2.3.3 Tâche
- 2.3.4 Procédure
- 2.4 Résultats

# La manipulation collaborative

Les dynamiques de groupe

## Troisième partie

# Propositions pour le travail collaboratif

Travail collaboratif assisté par haptique

Quatrième partie

Synthèse

Conclusion et perspectives

## Glossary

variable indépendante BlahBlahBlah. 7, 8

## Acronyms

 $\begin{array}{c} \mathbf{cnrs-limsi} \\ \mathbf{BlahBlahBlah.~7} \end{array}$ 

### Annexe A

Shaddock – Collaborative Virtual Environment for Molecular Design