Simon Lalonde

634 rue des Fleurs-de-Mai Sherbrooke, Québec J1E 0J7 514-432-9624 simlalonde@hotmail.com

ÉDUCATION

Maîtrise en biologie 2014-2016

Université du Québec à Montréal

Directrice de recherche: Dr. Catherine Mounier

<u>Thème:</u> Contributions de la stéaroyl-CoA désaturase 1 et de la phospholipase D2 dans le processus métastatique du cancer du sein

Baccalauréat en biochimie

2010-2013

Université du Québec à Montréal

EXPÉRIENCES EN RECHERCHE ET PROFESSIONNELLES

Responsable Qualité (2022-présent): Microbrasserie Siboire

- Développement et implantation d'un programme qualité
- Mise en place de l'infrastructure SharePoint et intégration Teams

Brasseur (2021-2022): Les 3 brasseurs St-Denis

Technicien de laboratoire (2020-2021): Microbrasseries Glutenberg et Oshlag

Assistant de recherche (2016-2020) : Laboratoire de génétique humaine, Dr Guillaume Lettre, Institut de cardiologie de Montréal

- Expériences en génétique fonctionnelle sur la biologie cellulaire des traits sanguins et de l'endothélium dans un contexte inflammatoire
- Génération de multiples librairies NGS (RNA-seq, ATAC-seq et Hi-C) et analyses des données en utilisant des logiciels sur Linux et le langage R.
- Mise au point d'outils de visualisation génomique (Genome Browser)

Étudiant au 2^e cycle (2014-2016) : Laboratoire Catherine Mounier, Sciences Biologiques, UQÀM

• Étudier l'impact du métabolisme lipidique sur le processus métastatique du cancer du sein et de la stéatose hépatique

EXPÉRIENCES D'ENSEIGNEMENT

Auxiliaire d'enseignement:

• BIO6963 – Biologie moléculaire **2014-2015**

• BIO4020 – Génétique **2014-2015**

BIO1015 – Notions de l'univers vivant enseignées au secondaire
 2014

BOURSES

Bourses de 2e et 3e cycles du FRQNT

Programme de bourses d'études supérieures du Canada au niveau de la maîtrise - Alexander

Graham Bell Canada du CRSNG

2014

Bourses de recherche de 1er cycle du CRSNG

Bourses de recherche de 1er cycle du CRSNG

2012

HABILETÉS ET CONNAISSANCES INFORMATIQUES

Linux : Expériences avec serveurs de Compute Canada sous les systèmes d'exploitation Linux, Bash scripting et logiciels bio-informatiques (BEDtools, samtools et UCSC tools). Gestion de données via CyVerse

Python: Expériences en analyses de données avec Pandas, visualisation avec seaborn, Jupyter Notebooks (via Kaggle). Connaissances en web scraping (Beautiful Soup), accès à des APIs et données externes (JSON, XML), regex et Streamlit.

SQL: Connaissance brèves de syntaxe SQLite et connexion via Python.

Markdown et GitHub: Connaissances syntaxe .md et structure générale GitHub

R et statistiques : Utilisation certains packages de Bioconductor (HiTC, Sushi, MACS2 et DESeq2)

Genome Browsers et alignements de séquences : Plateformes de visualisation génomique (WashU Genome Browser et IGV), BLAST

Suite 365 entreprises : Office (Excel avancé), Gestion SharePoint et Teams

FORMATION CONTINU

Cours	Université	Date
Data analysis for Life Sciences	HarvardX	Juin 2022 - Présent
Python for Everybody Specialization	University of Michigan	Février 2022 – Juin 2022
Genomic Data Science with Galaxy	John Hopkins University	Novembre 2017 – Janvier 2018
Introduction to Genomic Technologies	John Hopkins University	Octobre 2017 – Novembre 2017

PUBLICATIONS

Wünnemann, F., Tadjo, T. F., Beaudoin, M., Lalonde, S., Lo, K. S., & Lettre, G. CRISPR perturbations at many coronary artery disease loci impair vascular endothelial cell functions. *bioRxiv*. 2021 Feb 10. doi: https://doi.org/10.1101/2021.02.10.430527

Lingrand M, Lalonde S, Jutras-Carignan A, Bergeron KF, Rassart E, Mounier C. SCD1 activity promotes cell migration via a PLD-mTOR pathway in the MDA-MB-231 triple-negative breast cancer cell line. *Breast Cancer*. 2020 Jan 29. doi: 10.1007/s12282-020-01053-8

Lalonde S, Codina-Fauteux VA, de Bellefon SM, *et al*. Integrative analysis of vascular endothelial cell genomic features identifies AIDA as a coronary artery disease candidate gene. *Genome Biol*. 2019 Jul 8;20(1):133. doi: 10.1186/s13059-019-1749-5

Codina-Fauteux VA, Beaudoin M, **Lalonde S**. PHACTR1 splicing isoforms and eQTLs in atherosclerosis-relevant human cells. *BMC Med Genet*. 2018 Jun 8;19(1):97. doi: 10.1186/s12881-018-0616-7

Lalonde S, Stone OA, Lessard S, *et al*. Frameshift indels introduced by genome editing can lead to in-frame exon skipping. *PLoS ONE*. 2017 Jun 1;12(6):e0178700. doi: 10.1371/journal.pone.0178700

Lounis MA, **Lalonde S**, Rial SA, et al. Hepatic BSCL2 (Seipin) deficiency disrupts lipid droplet homeostasis and increases lipid metabolism via SCD1 activity. *Journal of cellular Physiology*. *Lipids*. 2017 Feb;52(2):129-150. doi: 10.1007/s11745-016-4210-5

Labrie M, **Lalonde S**, Najyb O, et al. Apolipoprotein D Transgenic Mice Develop Hepatic Steatosis through Activation of PPARγ and Fatty Acid Uptake. *PLoS ONE*. 2015;10(6):e0130230. doi:10.1371/journal.pone.0130230

ATTESTATIONS PERTINENTES

Sécurité en laboratoire:

- Niveaux de risque biologique 1 et 2
- Radioprotection (utilisation du Tritium ³H et du Carbone 14 ¹⁴C)
- SIMDUT 2019

LANGUES

Francais: Langue première

Anglais: Excelle à l'oral et à l'écrit