Pattern Recognition und Machine Learning

Hochschule München Sommersemester 2023

Prof. Dr.-Ing. Claudius Schnörr

Blatt 2

F. Freter, E. Kirchberger, S. Symhoven & J. Wustl

Aufgabe 1: Bayes-Klassifikator

1.)

$$P(w_1) = \frac{3000}{3000 + 2000} = 0, 6$$
$$P(w_2) = \frac{2000}{3000 + 2000} = 0, 4$$

2.) Vorüberlegungen:

Bayes-Formel (A posteriori-Wahrscheinlichkeiten):

$$P(w_1|x) = \frac{P(x|w_1) * P(w_1)}{P(x)}$$
$$P(w_2|x) = \frac{P(x|w_2) * P(w_2)}{P(x)},$$

und die Verbundwahrscheinlichkeit der Ereignisse:

$$P(x) = P(x|w_1) * P(w_1) + P(x|w_2) * P(w_2)$$

Der Bayes-Klassifikator folgt dann als:

$$g^* = \begin{cases} 1 & \text{wenn } P(w_1|x) \ge P(w_2|x) \\ 2 & \text{wenn } P(w_1|x) < P(w_2|x) \end{cases}$$

Aus den klassenbedingten Wahrscheinlichkeiten kann nun die optimale Klassifizierung anhand des MAP Kriteriums getroffen werden:

$$P(x = 1) = \frac{1}{6} * 0, 6 = 0, 1$$

$$P(x \in \{2, 3, 4, 5\}) = \frac{1}{6} * 0, 6 + \frac{1}{6} * 0, 4 = \frac{1}{6}$$

$$P(x = 6) = \frac{1}{6} * 0, 6 + \frac{1}{3} * 0, 4 = \frac{7}{30}$$

Es ergeben sich folgende A posteriori-Wahrscheinlichkeiten:

x = 1:

$$P(w_1|x=1) = \frac{\frac{1}{6} * 0, 6}{0, 1} = 1$$
$$P(w_2|x=1) = \frac{0 * 0, 4}{0, 1} = 0$$

x = 2, x = 3, x = 4 oder x = 5:

$$P(w_1|x \in \{2,3,4,5\}) = \frac{\frac{1}{6} * 0,6}{\frac{1}{6}} = 0,6$$
$$P(w_2|x \in \{2,3,4,5\}) = \frac{\frac{1}{6} * 0,4}{\frac{1}{6}} = 0,4$$

x = 6:

$$P(w_1|x=6) = \frac{\frac{1}{6} * 0, 6}{\frac{7}{30}} = \frac{3}{7}$$
$$P(w_2|x=6) = \frac{\frac{1}{3} * 0, 4}{\frac{7}{30}} = \frac{4}{7}$$

Daraus ergbit sich nun der Bayes-Klassifikator:

$$g^* = \begin{cases} 1 & \text{wenn } 1 \le x < 6, \text{ da } P(w_1|x) \ge P(w_2|x) \\ 2 & \text{wenn } x = 6, \text{ da } P(w_1|x) < P(w_2|x) \end{cases}$$

3.) Fehlerwahrscheinlichkeit des Bayes-Klassifikators g^* :

$$\begin{split} P_F^* &= P(g^* \neq w(x)) = 1 - P(g^* = w(x)) \\ &= 1 - (P(w_1|x=1) * P(x=1) + 4 * P(w_1|x \in \{2,3,4,5\}) * P(x \in \{2,3,4,5\}) \\ &+ P(w_2|x=6) * P(x=6)) \\ &= 1 - (1*0,1+4*0,6*\frac{1}{6} + \frac{4}{7}*\frac{7}{30}) \\ &= 1 - (0,1+0,4+\frac{2}{15}) \\ &= \frac{11}{30} \end{split}$$

Dagegen die Wahrscheinlichkeit des naiven Klassifikators g:

$$P_F^* = P(g \neq w(x)) = 1 - P(g = w(x))$$

$$= 1 - (P(w_1|x = 1) * P(x = 1) + 4 * P(w_1|x \in \{2, 3, 4, 5\}) * P(x \in \{2, 3, 4, 5\})$$

$$+ P(w_1|x = 6) * P(x = 6))$$

$$= 1 - (1 * 0, 1 + 4 * 0, 6 * \frac{1}{6} + \frac{3}{7} * \frac{7}{30})$$

$$= 1 - (0, 1 + 0, 4 + 0, 1)$$

$$= 0, 4$$

Die Fehlerwahrscheinlichkeit des naiven Klassifikators ist höher als die des Bayes-Klassifikators.

Aufgabe 2: Polynom-Klassifikator/Aufgabe 3: Logistic-Regression-Klassifikator 1 Imports

```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.linear_model import LogisticRegression
from sklearn.preprocessing import PolynomialFeatures
from sklearn.metrics import confusion_matrix
import seaborn as sns
```

1.0.1 Funktionen

```
def plot_scatter(c1: np.ndarray, c2: np.ndarray, c1_label: str, c2_label: str):
    plt.scatter(c1[:, 0], c1[:, 1], label=c1_label)
    plt.scatter(c2[:, 0], c2[:, 1], label=c2_label)
    plt.legend()
    plt.show()

def generate_dataset(c1: np.ndarray, c2: np.ndarray, test_size: float = 0.3):
    x = np.concatenate([c1, c2], axis=0)
    y = np.concatenate([np.zeros(c1.shape[0]), np.ones(c2.shape[0])], axis=0)

    x_train, x_test, y_train, y_test = train_test_split(x, y,u)
    dest_size=test_size)
    return x, y, x_train, x_test, y_train, y_test
```

2 Aufgabe 2

2.1 1. Datensatz: Unimodal teilweise überlappend

2.1.1 Daten erzeugen und plotten

```
[3]: mean1 = [0, 0]
mean2 = [1, 1]
std = 0.5
n = 1000

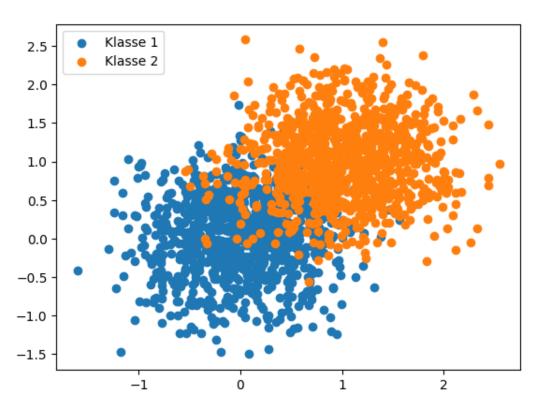
c1 = np.random.normal(mean1, std, size=(n, 2))
c2 = np.random.normal(mean2, std, size=(n, 2))

x_set1, y_set1, x_train_set1, x_test_set1, y_train_set1, y_test_set1 = generate_dataset(c1=c1, c2=c2, test_size=0.3)

print(f'Size Training Data Set 1: {x_train_set1.shape[0]}')
print(f'Size Test Data Set 1: {x_test_set1.shape[0]}')

plot_scatter(c1=c1, c2=c2, c1_label='Klasse 1', c2_label='Klasse 2')
```

Size Training Data Set 1: 1400 Size Test Data Set 1: 600



${\bf 2.1.2} \quad {\bf Quadratischer\ Polynom-Klassifikator}$

TODO

2.1.3 Fehlerwahrscheinlichkeit P_F

TODO

2.2 2. Datensatz: Eine nicht unimodal verteilte Klasse

2.2.1 Daten erzeugen und plotten

```
[4]: mean3 = [0, 0]
mean4_1 = [2, 1]
mean4_2 = [0, 2]

std = 0.5
n = 1000
```

```
c3 = np.random.normal(mean3, std, size=(n, 2))
class4_1 = np.random.normal(mean4_1, std, size=(int(n/2), 2))
class4_2 = np.random.normal(mean4_2, std, size=(int(n/2), 2))
c4 = np.concatenate([class4_1, class4_2], axis=0)

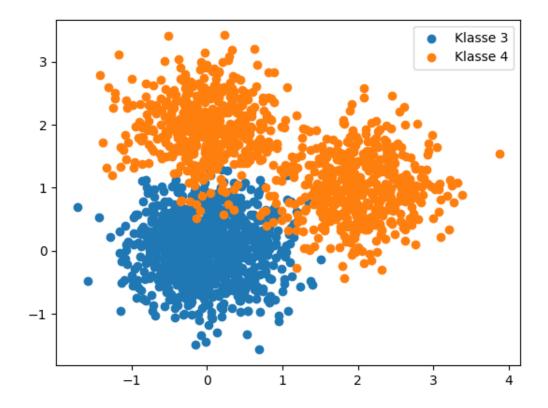
x_set2, y_set2, x_train_set2, x_test_set2, y_train_set2, y_test_set2 =__

generate_dataset(c1=c3, c2=c4, test_size=0.3)

print(f'Size Training Data Set 2: {x_train_set2.shape[0]}')
print(f'Size Test Data Set 2: {x_test_set2.shape[0]}')

plot_scatter(c1=c3, c2=c4, c1_label='Klasse 3', c2_label='Klasse 4')
```

Size Training Data Set 2: 1400 Size Test Data Set 2: 600



2.2.2 Quadratischer Polynom-Klassifikator

TODO

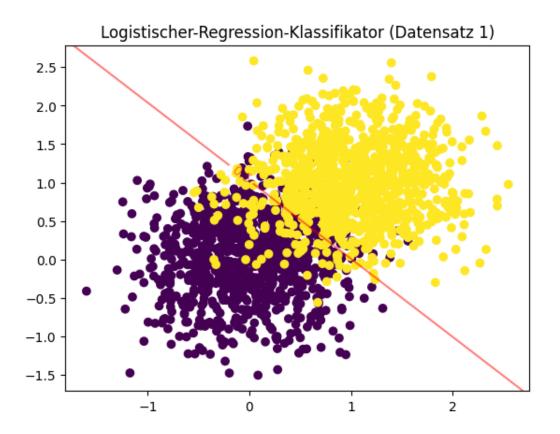
2.2.3 Fehlerwahrscheinlichkeit \$ P_F \$

TODO

3 Aufgabe 3

3.1 1. Datensatz: Unimodal teilweise überlappend

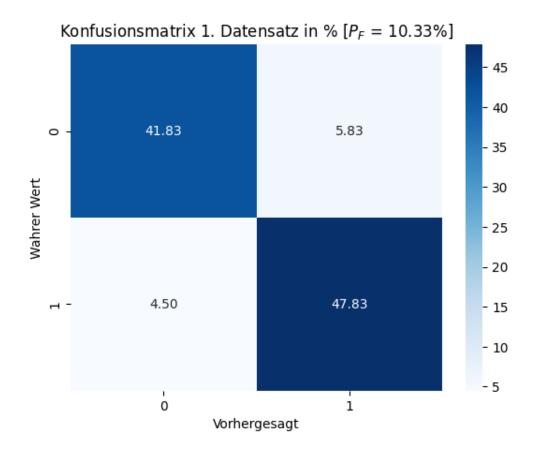
3.1.1 Logistische Regression



3.1.2 Fehlerwahrscheinlichkeit P_F

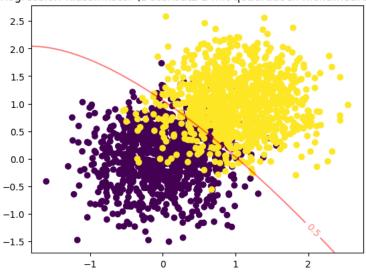
```
[6]: y_pred1 = clf1.predict(x_test_set1)

# 1. Datensatz
cm1 = confusion_matrix(y_test_set1, y_pred1)
cm_perc1 = cm1 / cm1.sum() * 100
sns.heatmap(cm_perc1, annot=True, fmt='.2f', cmap='Blues')
pf1 = (cm1[0, 1] + cm1[1, 0]) / cm1.sum() * 100
plt.xlabel('Vorhergesagt')
plt.ylabel('Wahrer Wert')
plt.title(fr'Konfusionsmatrix 1. Datensatz in % [$P_F$ = {pf1:.2f}%]')
plt.show()
```



3.1.3 Logistische Regression mit quadratisch nichlinearer Transformation

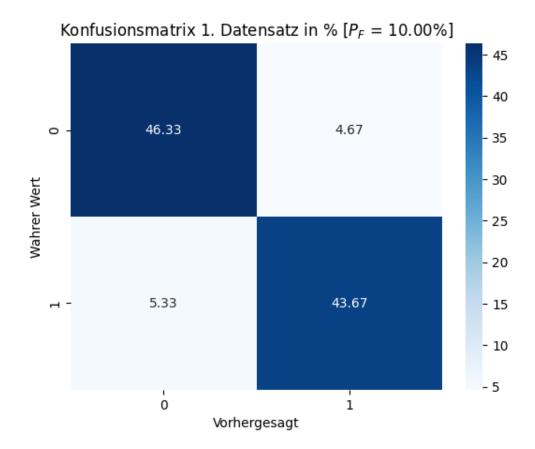
Logistischer-Regression-Klassifikator (Datensatz 1 mit quadratisch nichtlinearer Transformation)



3.1.4 Fehlerwahrscheinlichkeit P_F

```
[8]: y_pred_set1 = clf1.predict(x_test_set1)
    cm1 = confusion_matrix(y_test_set1, y_pred_set1)
    cm_perc1 = cm1 / cm1.sum() * 100
    pf1 = (cm1[0, 1] + cm1[1, 0]) / cm1.sum() * 100

sns.heatmap(cm_perc1, annot=True, fmt='.2f', cmap='Blues')
    pf1 = (cm1[0, 1] + cm1[1, 0]) / cm1.sum() * 100
    plt.xlabel('Vorhergesagt')
    plt.ylabel('Wahrer Wert')
    plt.title(fr'Konfusionsmatrix 1. Datensatz in % [$P_F$ = {pf1:.2f}%]')
    plt.show()
```

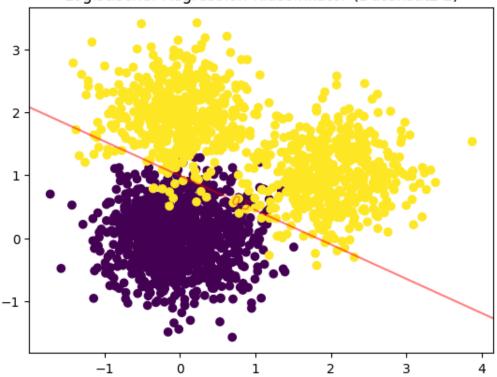


3.2 2. Datensatz: Eine nicht unimodal verteilte Klasse

3.2.1 Logistische Regression

```
plt.title('Logistischer-Regression-Klassifikator (Datensatz 2)')
plt.show()
```

Logistischer-Regression-Klassifikator (Datensatz 2)



3.2.2 Fehlerwahrscheinlichkeit P_F

```
[10]: y_pred2 = clf2.predict(x_test_set2)

cm2 = confusion_matrix(y_test_set2, y_pred2)

cm_perc2 = cm2 / cm2.sum()

sns.heatmap(cm_perc2, annot=True, fmt='.2%', cmap='Blues')

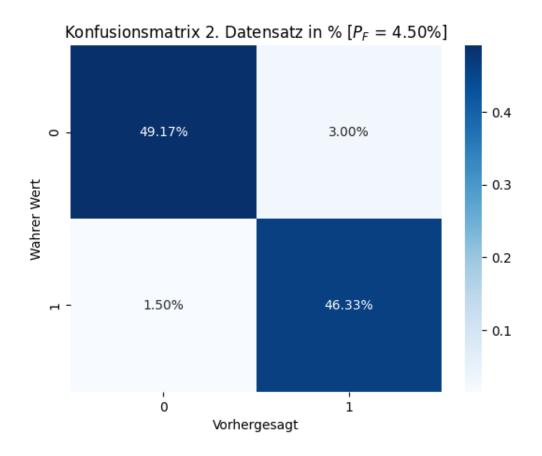
pf2 = (cm2[0, 1] + cm2[1, 0]) / cm2.sum() * 100

plt.xlabel('Vorhergesagt')

plt.ylabel('Wahrer Wert')

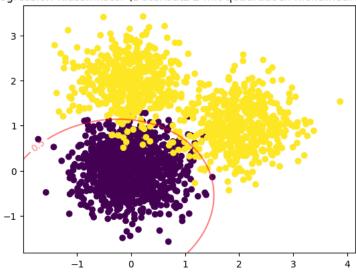
plt.title(fr'Konfusionsmatrix 2. Datensatz in % [$P_F$ = {pf2:.2f}%]')

plt.show()
```



3.2.3 Logistische Regression mit quadratisch nichlinearer Transformation

Logistischer-Regression-Klassifikator (Datensatz 2 mit quadratisch nichtlinearer Transformation)



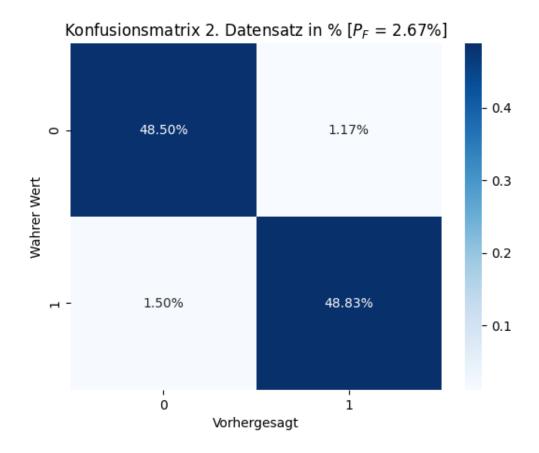
3.2.4 Fehlerwahrscheinlihckeit P_F

```
[12]: y_pred_set2 = clf2.predict(x_test_set2)
    cm2 = confusion_matrix(y_test_set2, y_pred_set2)
    cm_perc2 = cm2 / cm2.sum()

pf2 = (cm2[0, 1] + cm2[1, 0]) / cm2.sum() * 100

sns.heatmap(cm_perc2, annot=True, fmt='.2%', cmap='Blues')

plt.xlabel('Vorhergesagt')
    plt.ylabel('Wahrer Wert')
    plt.title(fr'Konfusionsmatrix 2. Datensatz in % [$P_F$ = {pf2:.2f}%]')
    plt.show()
```



3.3 Wie werden die Parameter über eine Optimierung bestimmt?

Die Parameter einer logistischen Regression werden über eine Optimierung bestimmt, indem die negativ logarithmierte Likelihood-Funktion numerisch minimiert wird.

Dies geschieht in der Regel mit Hilfe von Optimierungsalgorithmen, die den Gradienten der Funktion nutzen, um die Richtung der Parameteraktualisierung zu bestimmen. Ein weit verbreiteter Algorithmus ist zum Beispiel der Gradientenabstieg. Dabei wird ein Anfangswert für die Parameter festgelegt und iterativ so angepasst, dass die negativ logarithmierte Likelihood-Funktion minimiert wird. Die Iterationen werden fortgesetzt, bis ein Abbruchkriterium erreicht ist oder eine vorgegebene Anzahl von Iterationen durchgeführt wurde.

Ziel ist es, die Parameter so zu bestimmen, dass die Wahrscheinlichkeit, die beobachteten Daten zu erklären, maximiert wird. Dies bedeutet, dass das Modell in der Lage ist, die Beziehung zwischen den Eingangsdaten und den Zielvariablen so gut wie möglich zu modellieren und damit eine Vorhersage für neue, unbekannte Datenpunkte machen kann.