

شماره ۱

سوال ۱-

الف) تولید جمعیت اولیه:  
نمود encoding: برای هر زنجیره شماره از ۱ تا  $n$  در نظر  
میگیریم که  $n$  تعداد زنجیره‌هاست. برای مثال به ازای  $n=4$  داریم:  
(۳, ۳, ۴, ۱, ۱, ۲, ۴, ۳, ۴, ۲, ۲, ۳, ۱, ۱)  
زنجیره ۱۴  
زنجیره ۵

یک کران بالای خوب برای  $n$ ، یکی بیشتر از ماکزیمم درجه رؤس است که در این مثال می‌شود  $n=8$

تولید جمعیت اولیه: (برای مثال به ازای  $n=8$ ) جمعیت ۶

- $C_1 = (4, 4, 1, 6, 7, 5, 7, 8, 8, 3, 4, 2, 1, 1)$
- $C_2 = (4, 7, 8, 4, 5, 5, 8, 4, 2, 7, 1, 3, 3, 8, 4)$
- $C_3 = (5, 4, 3, 4, 2, 5, 4, 4, 3, 4, 1, 7, 8, 2)$
- $C_4 = (3, 7, 6, 8, 4, 5, 4, 2, 5, 7, 1, 4, 8, 7)$
- $C_5 = (1, 2, 8, 2, 7, 7, 4, 5, 7, 4, 4, 2, 1, 1)$
- $C_6 = (5, 8, 8, 3, 7, 7, 4, 4, 5, 3, 3, 4, 3, 3)$

اعداد بالا توسط برنامه به صورت زنجیره تولید شدند.

ب) محاسبه Fitness : هر یال در رأس را به یکدیگر وصل می‌کند.

مجموع تعداد یال‌هایی که در رأس غیر همزیست را به جمع وصل می‌کند را به عنوان fitness value می‌گیریم. هر چه این عدد برای یک کروموزوم بیشتر باشد، بهتر است.

$$f(C_1) = 18, f(C_2) = 18, f(C_3) = 21, f(C_4) = 21, f(C_5) = 15, f(C_6) = 2.$$

اعبار بالا با همزنم به دست آمدند.

به ترتیب fit بودن  $C_6, C_2, C_1, C_4, C_3, C_5$

ج) Mutation, Cross over

اگر بخواهیم دقیق‌تر عمل کرده باشیم، می‌توانیم به نسبت عدد fit به هر کروموزوم یک درصدی اختصاص دهیم که با این احتمال آن کروموزوم انتخاب شود. ولی اینجا می‌توانیم از بالا به پایین به ترتیب fit بودن اقدام به cross over روی زوج کروموزوم‌ها کنیم.

برای cross over یک قطعه‌ای از کروموزوم را انتخاب کرده و یک نمونه جدید را از یک کروموزوم دیگر می‌گیریم.

$$\begin{aligned} & (7, 5, 4, 2, 3, 4, 2, 4, 5, 8, 6, 7, 4, 5) \\ & (2, 8, 7, 1, 4, 5, 4, 2, 4, 5, 8, 6, 7, 4, 5) \end{aligned}$$

$$\begin{aligned} C'_1 &= (7, 5, 4, 2, 1, 4, 5, 4, 2, 4, 5, 8, 6, 7, 4, 5) \\ C'_2 &= (2, 8, 7, 1, 4, 5, 4, 2, 4, 5, 8, 6, 7, 4, 5) \end{aligned}$$

$C_4, C_1: (c, d, d, v, \{4, 1, 5, d, d, v, v, c, 8, 1, d\})$   
 $(1, 2, 2, 5, \{1, c, 8, 8, v, d, v, 4, 1, 5, 5\})$

cross over:  $(c, d, d, v, 1, c, 8, 8, v, d, v, 4, 1, 5, 4) \quad C'_2$   
 $(1, 2, 2, 5, 4, 1, 5, d, d, v, v, c, 8, 8, d) \quad C'_5$

$C_7, C_5: (5, 8, c, c, \{1, v, 2, 5, 8, d, d, 4, v, 8, 4\})$   
 $(1, 2, 2, 5, \{5, d, v, v, 2, 8, 2, 1\})$

cross over:  $(5, 8, c, c, 5, 1, v, d, 1, v, v, 2, 8, 2, 1) \quad C'_8$   
 $(1, 2, 2, 1, 1, v, 2, 5, 8, d, d, 4, v, 8, 4) \quad C'_4$

mutation: برای هر کروموزوم به احتمال کمی (مثلاً ۱۰ درصد)  
 ممکن است mutation یا جهش ژنی رخ دهد و یک یا چندتا از  
 اعداد آن به صورت رندوم عوض شوند. احتمالی که دارند آنی هستند و  
 جهش شده اند.

$C'_1: (5, c, d, 4, d, 2, 4, 5, 2, 4, c, d, 5, 2, d, v)$

$C'_2: (c, v, 4, 8, 5, d, 5, 2, c, 1, v, 8, 2, 1, 2, 5)$

$C'_3: (4, 5, 1, 2, v, d, v, 8, c, c, v, 5, d, c, d, c)$

$C'_6: (5, 1, 8, c, v, v, d, d, d, 5, c, 1, 4, 2, 1, 5)$

$C'_8: (1, 2, 1, 8, 2, v, v, 1, d, v, 1, c, c, 8, 5, 5)$

$C'_4: (1, 2, 1, 1, v, 2, 5, 8, d, d, 4, v, 8, 4, 4, 1)$

Year:

Month:

Date:

( )

Subject

(د) نسل جدید:

$$f(c'_1) = 20$$

$$f(c'_2) = 20$$

$$f(c'_3) = 17$$

$$f(c'_4) = 17$$

$$f(c'_5) = 18$$

$$f(c'_6) = 17$$

جمع fitness نسل جدید: 109

نسل متلی: 115

در نسل جدید مجموع fitness مقدار کمتری نسبت به نسل متلی دارد.  
 پس در اینجا به رفت داریم و ولی با طی چندین مرحله به یک  
 local optimum همگرا می شویم که با احتمال خوبی می توانیم global optimum باشد.  
 که این احتمال به جمعیت اولیه هم بستگی دارد. البته در اینجا بین نسل اول و  
 حواله وجود داشت و برای همین تاثير آن مشخص نشد.



تابع کلاس NQueens :

تابع initial : یک تایل برمی گرداند که در واقع استات اولیه صفت  
شروط است و ب صورت رندوم تولید می شود. برای مثال هر ~~موقع~~ متغیر  
ماست و که مقداری که می گیرد، شماره ستونی است که وزیر در آن قرار دارد.

تابع goal-test : این تابع یک استات به عنوان ورودی می گیرد و برای  
هر صفت متغیر بررسی می کند که دو وزیر همدیگر را نزنند، اگر حداقل  
یک صفت باشد که در این وضعیت باشند، False برمی گرداند، در غیر  
این صورت True.

تابع threatening-states : این تابع بررسی می کند که دو موقعیت که وزیر  
در آن ها است، آیا همدیگر را می زنند یا نه، بدین صورت که اگر شماره ستون  
آن ها برابر باشد یا به صورت اریب همدیگر را بزنند.

تابع value : تعداد صفت وزیرهای که تابع threatening-states

برای آن False برمی گرداند.

تابع neighbors : با فرض اینکه هر بار همه وزیرها به جز یکی نمی توانند حرکت

کنند، و فقط آن وزیر حرکت می کند. برای مثال در حالت  $8 \times 8$   
هر استات به تعداد  $7 \times 8 = 56$  حالت دارد.

تابع hill-climbing : این تابع هر بار هیای استات را می گیرد  
و بین آن ها بهترین را انتخاب می کند، اگر بهترین هیای با استات  
اولیه فیتنس برتری داشته باشد، باز هم انتخاب می شود.

این فرایند تا جایی ادامه می یابد که استات بهتری پیدا نمی شود.

Year:

Month:

Date:

( )

Subject

تابع hill-climbing-random-restart : این تابع یک استیج اولیه

به صورت رندوم تولید می کند (به سبک تابع initial) و جواب یک مرحله  
حلوتر رفته و بین هماینها بهترین را برمی دارد ، و تست می کند

که استیج بھای است یا نه . یک limit هم دارد که می تواند  
به این تعداد مرحله حلوتر برود و اگر جواب را پیدا نکردی ، مصرف شو.