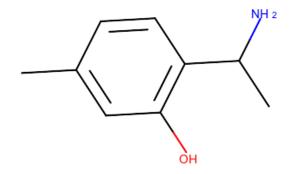
# Subgraph-Feature Search for Learning Classifiers and Regressors under Fixed Budget Constraint

情報認識学研究室 白川 稜

### 背景

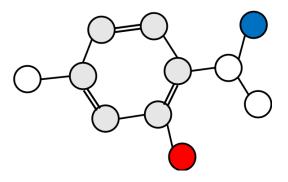
#### グラフは広く用いられる重要なデータ構造

- 低分子化合物の構造式
- RNA二次構造
- 自然言語処理における構文木



#### グラフデータからの教師付き学習

- 創薬の分野
- 生命科学や物質化学の分野



# グラフ分類・回帰問題

Input: グラフデータ

$G_1$	$G_2$	$G_3$		$G_n$
			•••	



予測器

f

Output: グラフの性質



$y_1$	$y_2$	$y_3$		$y_n$
0.1	0.7	1.2	• • •	0.9

活性の有無、物性値 etc...

# グラフ分類・回帰問題

#### 特徴量

部分グラフの有無

y	G	80	80	0	0	0	0	00	<b>~</b>	
0.1		1	1	1	1	1	1	1	1	:
0.7		1	1	1	0	1	1	1	1	
0.9		1	1	1	0	1	1	1	1	
:	:									

#### 問題点

グラフサイズに対して部分グラフの総数は組合せ爆発

#### 既存研究

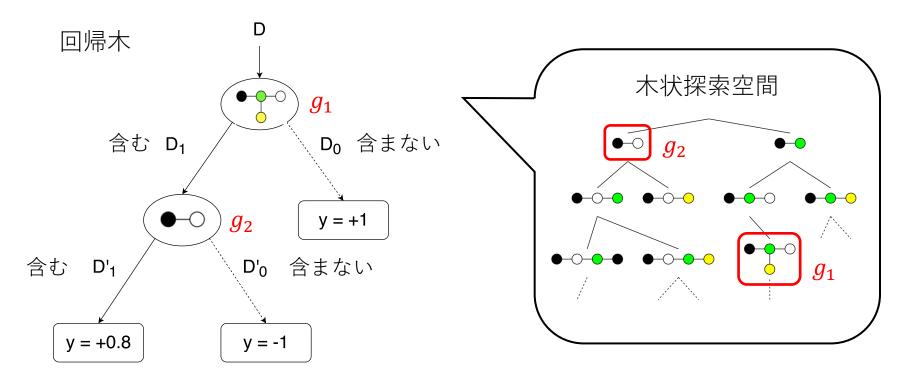
- 2-step approach [Wale et al., 2007]
  - 制約付き部分グラフ列挙 + 任意モデルの学習
- Simultaneous approach [Saigo et al., 2009][Shirakawa et al., 2018]
  - ー モデルの学習と部分グラフ探索・選択の同時手法

### GTB [Shirakawa et al., 2018]

モデルの学習と部分グラフ探索・選択を同時に行う

モデル (Gradient Tree Boosting)

特徴探索(本研究)



# 從来手法 (exact Depth-first)

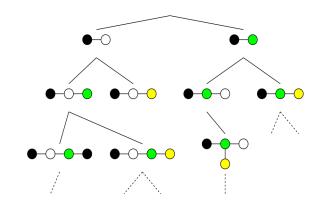
分割後の二乗誤差和(TSS)が最小になる 部分グラフ特徴(g)を深さ優先的に探索

$$\min_{g} [ \operatorname{TSS}(D_0(g)) + \operatorname{TSS}(D_1(g)) ]$$

TSS(D) = 
$$\sum_{i \in [|D|]} (y_i - \bar{y})^2$$
,  $\bar{y} = \frac{1}{|D|} \sum_{i \in [|D|]} y_i$ 

 $D_0(g): \{(G_i, y_i) \in D | G \not\supseteq g\}$  $D_1(g): \{(G_i, y_i) \in D | G \supseteq g\}$ 

⊒: 部分グラフ同型



探索木の包含関係を利用し 子孫ノードでのTSSの下限値(Bound)を計算

→ 枝刈りを利用した厳密探索

### 目的・提案

#### 問題点

問題のスケールによって枝刈りだけでは不十分

→ 特徴探索にかかるコストが大きい

#### 目的

学習モデルの精度の劣化なしに探索コストの削減

#### 提案

- ・厳密探索 → 近似探索
- ・深さ優先 → TSS, Boundを利用した探索方針

### 提案手法

#### 近似探索

事前に探索コスト(ノード数)を設定し コストを使い果たしたら終了

#### 探索方針

- 最良優先探索
- モンテカルロ木探索(MCTS)

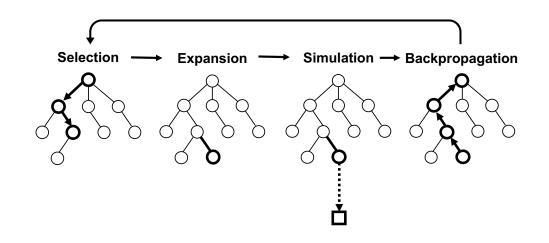
### 提案手法

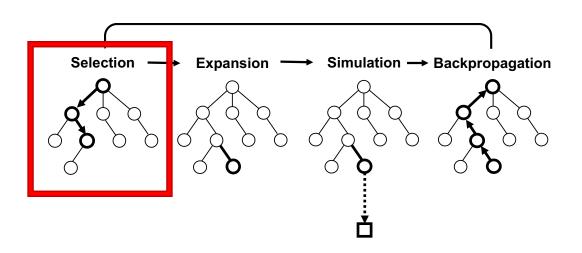
モンテカルロ木探索(MCTS)の一つである
UCTアルゴリズム[Levente et al., 2006] をグラフ探索に適用
UCB(Upper Confidence Bound)の値をもとに探索

#### <u>手法</u>

以下の操作を反復

- 1. Selection
- 2. Expansion
- 3. Simulation
- 4. Backpropagation





#### Selection

根ノードを始点にUCBの値に基づき 探索済みノードの末端までノードを選択する

$$UCB_i = \bar{X}_i + C \times \sqrt{\frac{\ln n}{2n_i}}$$

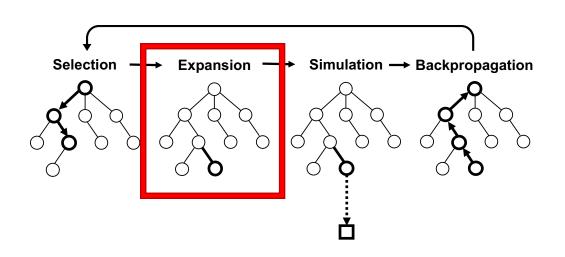
*i*: 子ノード番号

 $\bar{X}_i$ : 報酬平均

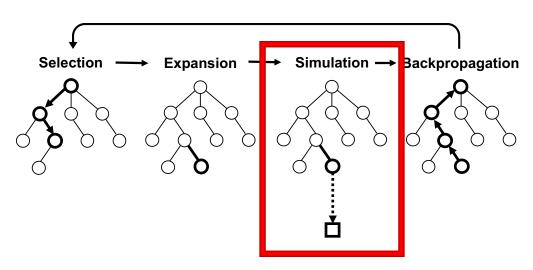
*C*: 探索強度パラメータ

n: 親ノード選択回数

 $n_i$ : 子ノードi選択回数

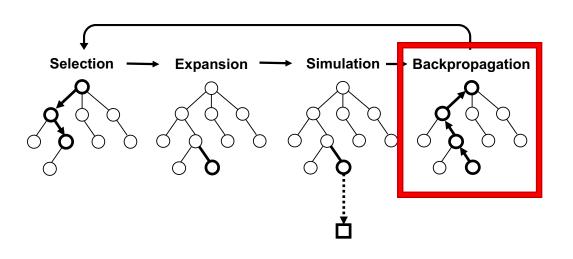


- Expansion
  - 末端ノードが初訪問
    - → 子ノードを列挙
    - → ランダムに子ノードを1つ拡大
  - 末端ノードが**既訪問** 
    - → ランダムに未拡大の子ノードを1つ拡大



- Simulationモンテカルロシミュレーションによりパスを降下
- X 列挙+ランダム選択
- ランダムにグラフを選択
  - **→** グラフ上でランダムに1エッジ拡大
  - → 広大グラフが子ノードになる:OK

    拡大グラフが子ノードにならない:戻る



Backpropagation

Simulationによって選択されたノードの報酬を計算

報酬 = 
$$-\frac{TSS(D_0(g)) + TSS(D_1(g))}{TSS(D_0(g) \cup D_1(g))}$$

TSS:二乗誤差和

 $D_0(g): g$ を含むグラフ集合

 $D_1(g): g$ を含まないグラフ集合

報酬をSelectionで選択したパスに逆伝搬

## 実験準備

#### 実データセット

		· ·			
	Dataset	CPDB	Mutag	AIDS(CAvsCM)	CAS
	# data	684	188	1503	4337
	# (y = +1, -1)	(341, 343)	(125, 63)	(422, 1081)	(2401, 1936)
ave	# nodes	25.2	26.3	59.0	30.3
ave	# edges	25.6	28.1	61.6	31.3

#### 人工データセット

様々な問題設定を考慮するため 以下の操作で100個のデータセットを準備

CAS 
$$\longrightarrow$$
 100 個のグラフを  $\rightarrow$  ランダムラベル $(y)$ 付与  $y \in [-1,+1]$ 

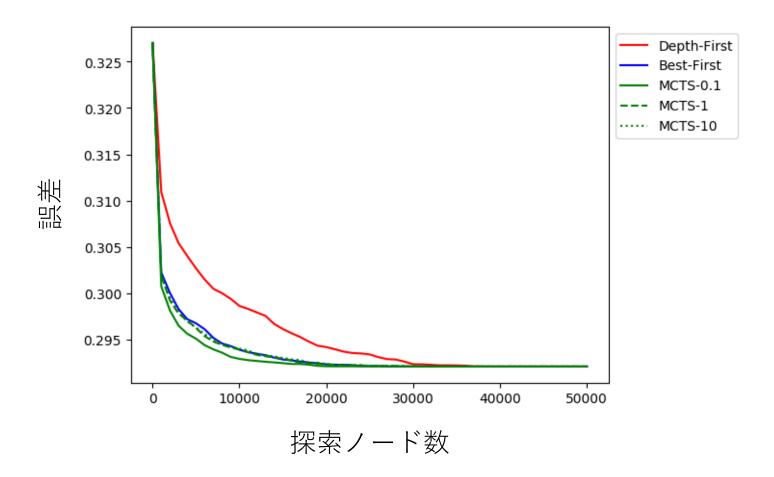
#### 目的

厳密探索での各探索方針の比較

#### <u>手法</u>

人工データセットに対して厳密特徴探索を1回行い 各探索手法での解の更新の様子を比較

- 深さ優先探索
- 最良優先探索
- モンテカルロ木探索
- ※モンテカルロ木探索の探索強度パラメータ(0.1, 1, 10)



- 提案手法がより早くに良い特徴を発見
- 後半の探索の改善度は低い

#### 目的

近似探索での各探索方針の比較

#### 手法

実データセットに対して各探索方針に基づく 近似探索を用いたアンサンブルモデルの学習・比較

学習パラメータ コスト制約(一回の特徴探索にかけるノード数)

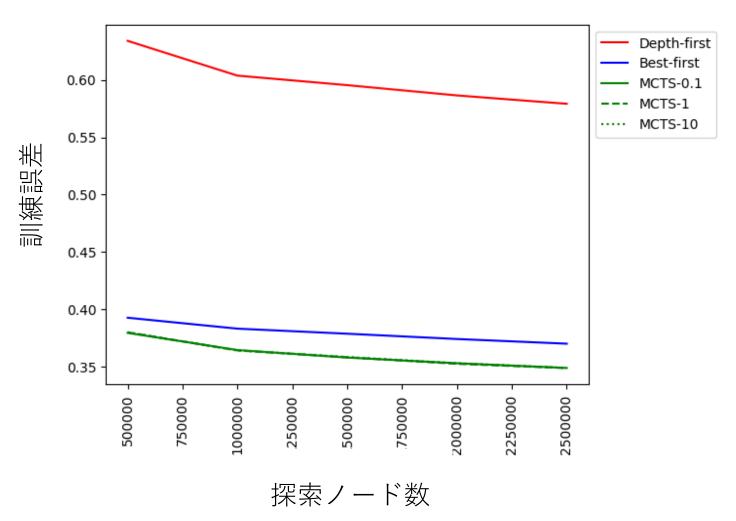
木の本数:100 CPDB:(1000, 2000, 3000, 4000, 5000)

木の深さ:1 Mutag: (200, 400, 600, 800, 1000)

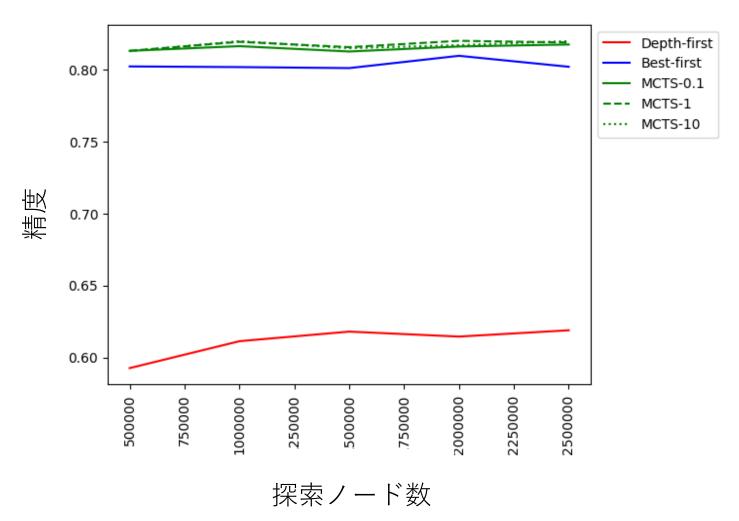
ステップ幅:1 AIDS: (1000, 2000, 3000, 4000, 5000)

CAS: (5000, 10000, 15000, 20000, 25000)

# 実験 2 (CAS)



# 実験 2 (CAS)



#### 目的

従来厳密探索と提案近似探索の比較

#### 手法

実データセットに対して従来厳密探索と提案近似探索 に基づくアンサンブルモデルの学習・比較

・従来:GTB+深さ優先厳密探索

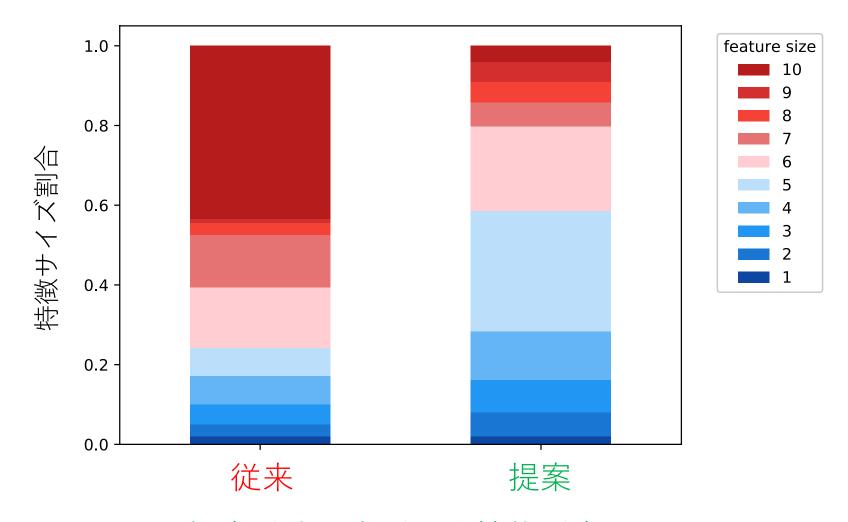
・提案:GTB+MCTS近似探索

※MCTSの探索強度パラメータ、コスト制約は実験2の最良値

データ	探索ノ	ノード数 実行時間[s] 精度[%]			₹[%]	
	従来	提案	従来	提案	従来	提案
CPDB	7.2×10 <sup>6</sup>	5.0×10 <sup>5</sup>	$8.2 \times 10^2$	6.2×10	77.78	78.35
Mutag	3.8×10 <sup>5</sup>	6.0×10 <sup>4</sup>	2.3×10 <sup>2</sup>	3.7	85.03	87.73
AIDS	7.9×10 <sup>7</sup>	2.0×10 <sup>5</sup>	2.5×10 <sup>4</sup>	1.1×10 <sup>2</sup>	81.37	81.84
CAS	6.9×10 <sup>7</sup>	2.0×10 <sup>6</sup>	8.0×10 <sup>4</sup>	1.7×10 <sup>3</sup>	80.82	81.99

• 精度の劣化なしに省コスト化を達成

# 汎化性能



• 提案手法の方が汎化性能が高い

### まとめ

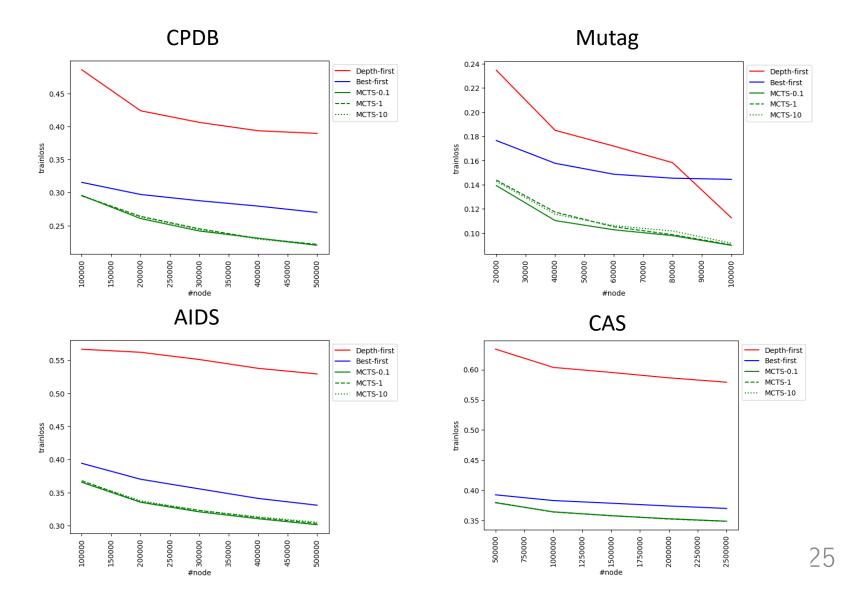
既存のグラフ分類・回帰アルゴリズムの特徴探索に 最良優先, MCTSを利用した近似探索手法を提案

探索方針に関して従来手法である深さ優先方針に比べ より少ない探索数でより良い解を発見

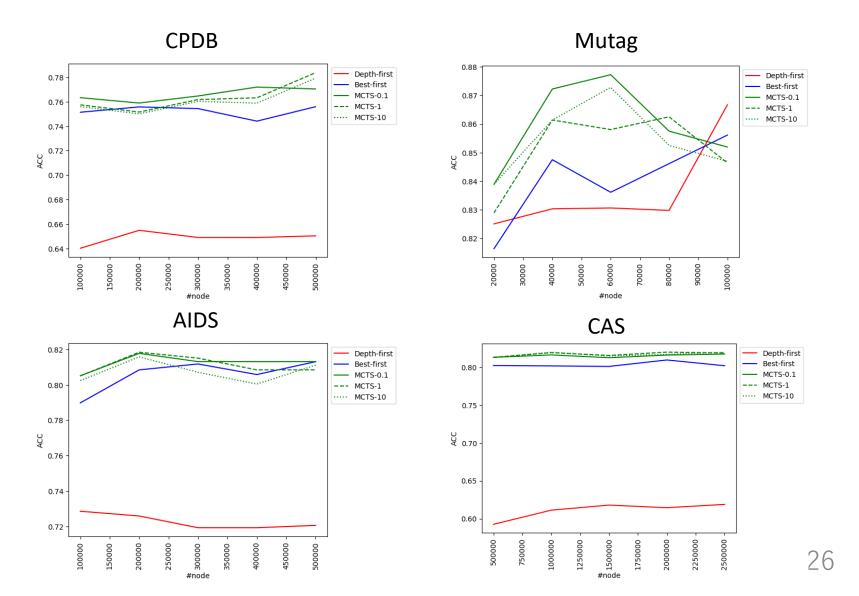
従来の深さ優先厳密探索モデルと 提案のMCTSを利用した近似探索モデル比較すると 約1/10~1/200のコストで 同等、それ以上の精度のモデルを構築

# 質疑

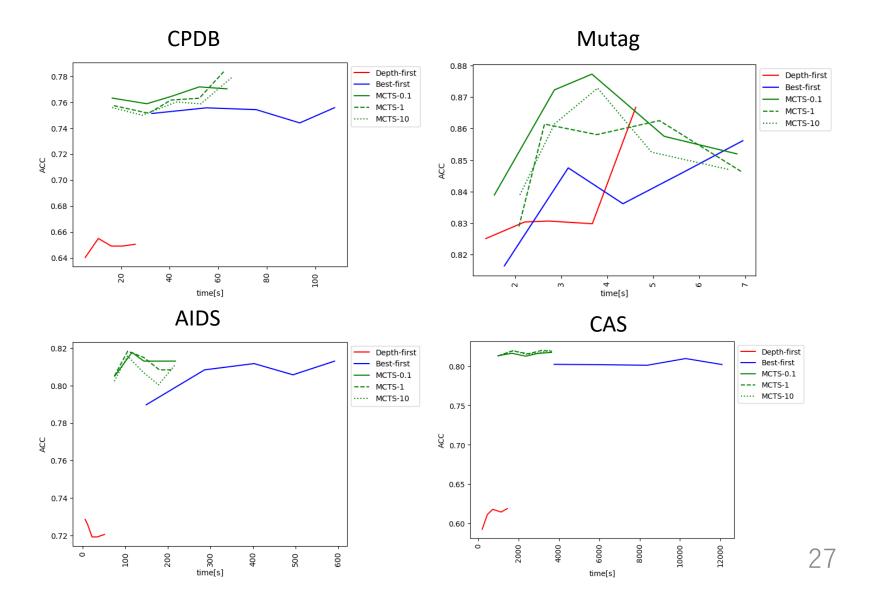
# 実験 2 (Training Loss:#node)



# 実験2(ACC:#node)



# 実験 2 (ACC: time[s])

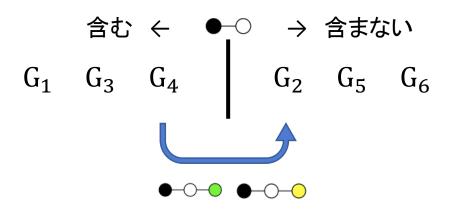


## 下限値の計算

探索木の特徴:子孫(g')は親(g)の拡大グラフ

$$G_i \not\supseteq g \Rightarrow G_i \not\supseteq g'$$
 ,  $g' \supseteq g$ 

含むグラフが含まない側に移る方向性しかない



任意のグラフの組み合わせを含まない側へ移したときの 不純度を全て計算すれば下限値が求まる

# 下限値の計算

$$TSS(D_0(g')) + TSS(D_1(g))$$

$$\geq \min_{(\circ,k)} [TSS(D_0(g) \setminus S_{(\circ,k)}) + TSS(D_1(g) \cup S_{(\circ,k)})]$$

 $(\circ, k) \in \{\leq, >\} \times \{2, \dots, |D_1(g) - 1|\}$ 

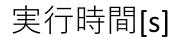
 $S_{(\leq,k)}$  is a set of k pair  $(G_i, y_i)$  selected from  $D_1(g)$  in descending order of y  $S_{(>,k)}$  is a set of k pair  $(G_i, y_i)$  selected from  $D_1(g)$  in increasing order of y

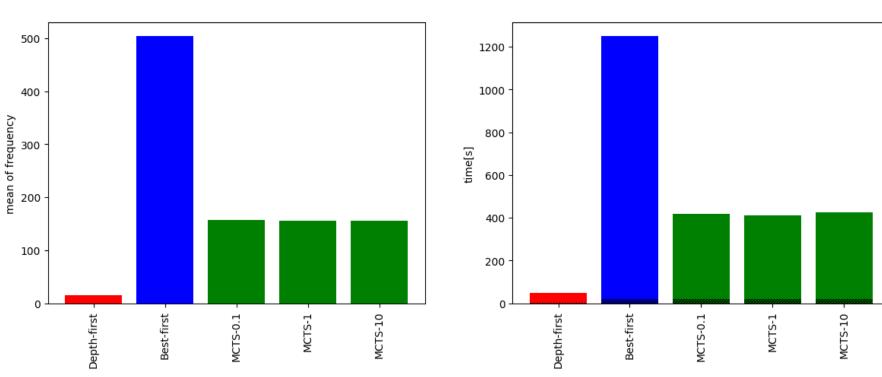
計算量:グラフ(g)の頻出度に対して線形オーダー

## 探索速度

#### 探索グラフ頻出度平均

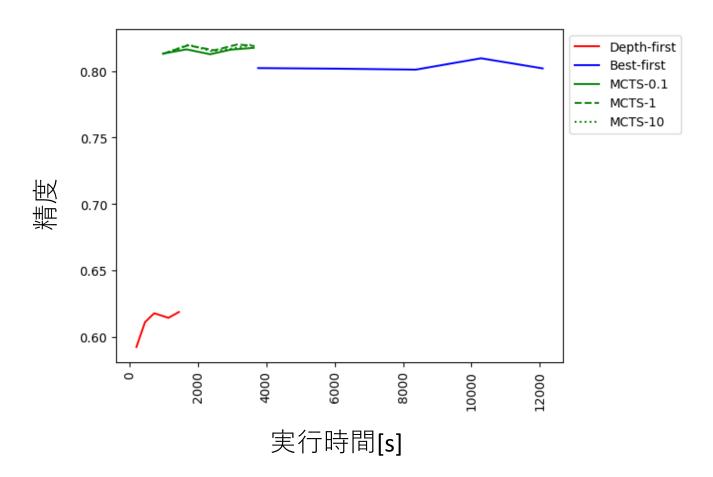






深さ優先は頻出度の低いノードを多く探索 最良優先は頻出度の高いノードを多く探索

# 実験 2 (CAS)



- 同探索数での実行時間:深さ優先<MCTS<最良優先
- 同実行時間での精度はMCTSが最良