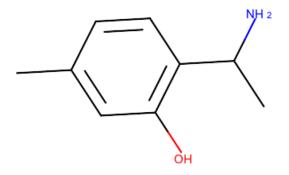
木アンサンブルモデルを利用した グラフ分類回帰問題に対する 効率的アルゴリズムの検討

北海道大学大学院 情報科学研究科 情報理工学専攻修士2年 白川 稜

背景

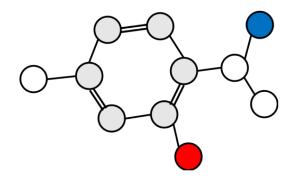
グラフは広く用いられる重要なデータ構造

- 低分子化合物の構造式
- RNA二次構造
- 自然言語処理における構文木



グラフデータからの教師付き学習

- ・ 創薬の分野
- 生命科学や物質化学の分野



グラフ分類回帰問題

input: グラフデータ

	G_1	G_2	G_3		G_n
g				•••	



予測器 *f*



output: グラフの性質

y_1	y_2	y_3		y_n
0.1	0.7	1.2	•••	0.9

一般的に、特徴量として 部分グラフの有無を利用

問題点

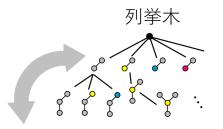
グラフサイズに対して 部分グラフの総数は指数関的 に増加

既存手法 (2step approach)

① 特徴ベクトル作成 (部分グラフパターン探索)



任意の学習モデル

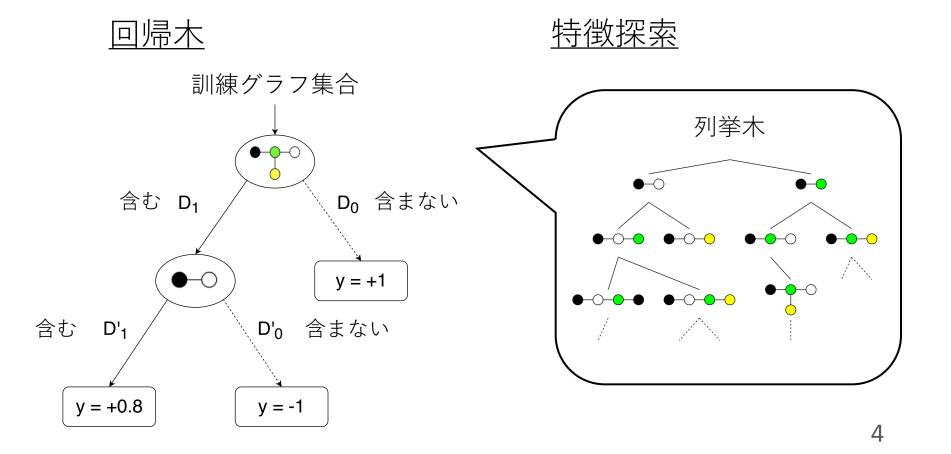


y	G	o	o	0	0	0	0	000	~	
0.1	2000	1	1	1	1	1	1	1	1	
0.7		1	1	1	0	1	1	1	1	::
0.9		1	1	1	0	1	1	1	1	
:	:									
1.2		1	1	1	0	1	1	1	1	

問題点:重要な特徴を見落とす恐れ

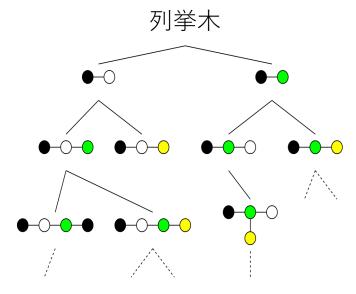
提案手法

モデルの学習と部分グラフ探索・選択を同時に行う (陽に特徴ベクトルを作成しない)



特徴探索

回帰木の分割において最も不純度が低く なるような部分グラフを探索する



列挙木の性質:子孫が親の拡大グラフ

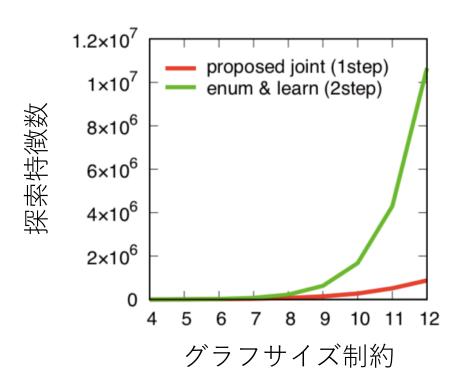


子孫の探索により得られる不純度の下限値が計算可能

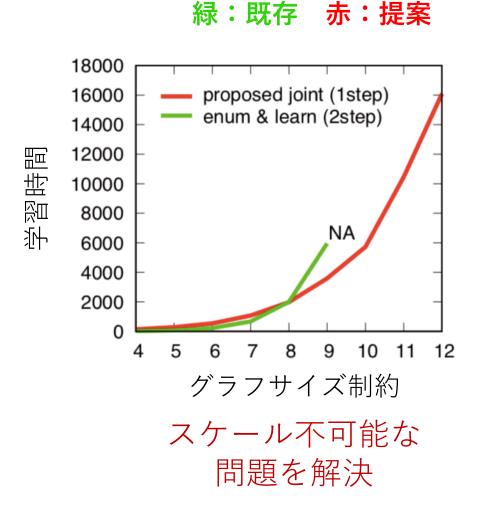


下限値を利用した探索の枝刈り (現在の最良値 < 子孫での下限値)

結果



<u>1</u> 10 以上の探索コスト削減



発表:
The 14th International Conference on Mining and Learning with Graphs (MLG 2018), KDD'18 Workshop

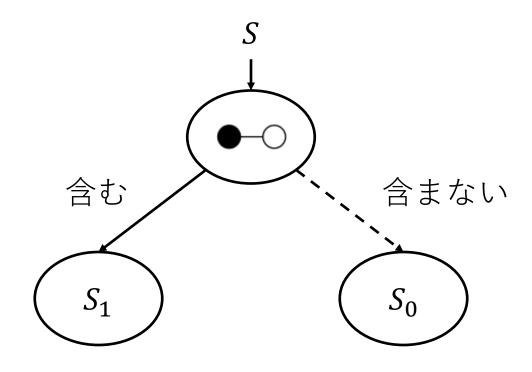
まとめ

- 適応的な特徴探索に基づく回帰木学習アルゴリ ズムを提案
- ・既存手法と比べ大幅な時間・空間コストの削減 を達成

取り組みたいテーマ

- ・ 自然言語処理、対話システム
- 機械学習、データマイニング、データ構造

不純度 (二乗誤差和)



不純度 =
$$\sum_{i}^{S_0} (y_i - \overline{S_0})^2 + \sum_{i}^{S_1} (y_i - \overline{S_1})^2$$

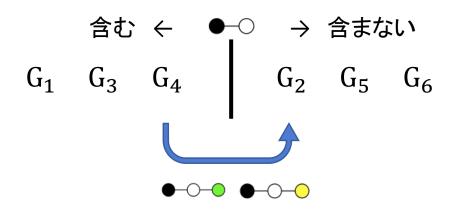
 y_i : ラベル, $\overline{S_0}$, $\overline{S_1}$: ラベル平均

下限値の計算

探索木の特徴:子孫(x')は親(x)の拡大グラフ

$$G_i \not\supseteq x \Rightarrow G_i \not\supseteq x', x' \supseteq x$$

含むグラフが含まない側に移る方向性しかない



任意のグラフの組み合わせを含まない側へ移したときの 不純度を全て計算すれば下限値が求まる

下限値の計算

組み合わせの数は膨大

不純度が二乗誤差和であることを利用する



探索中の部分グラフパターンを含むグラフ集合において ラベルの値で昇順、降順ソートし一つずつ移動



線形時間で下限値の計算が可能