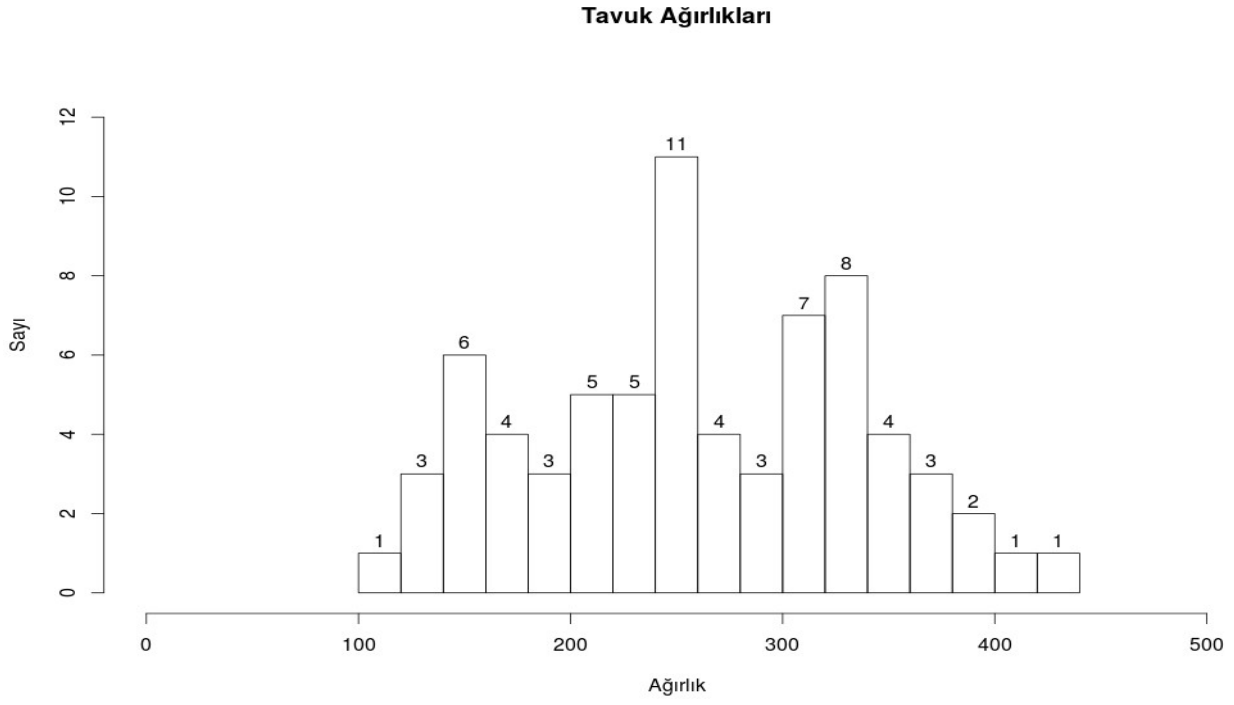
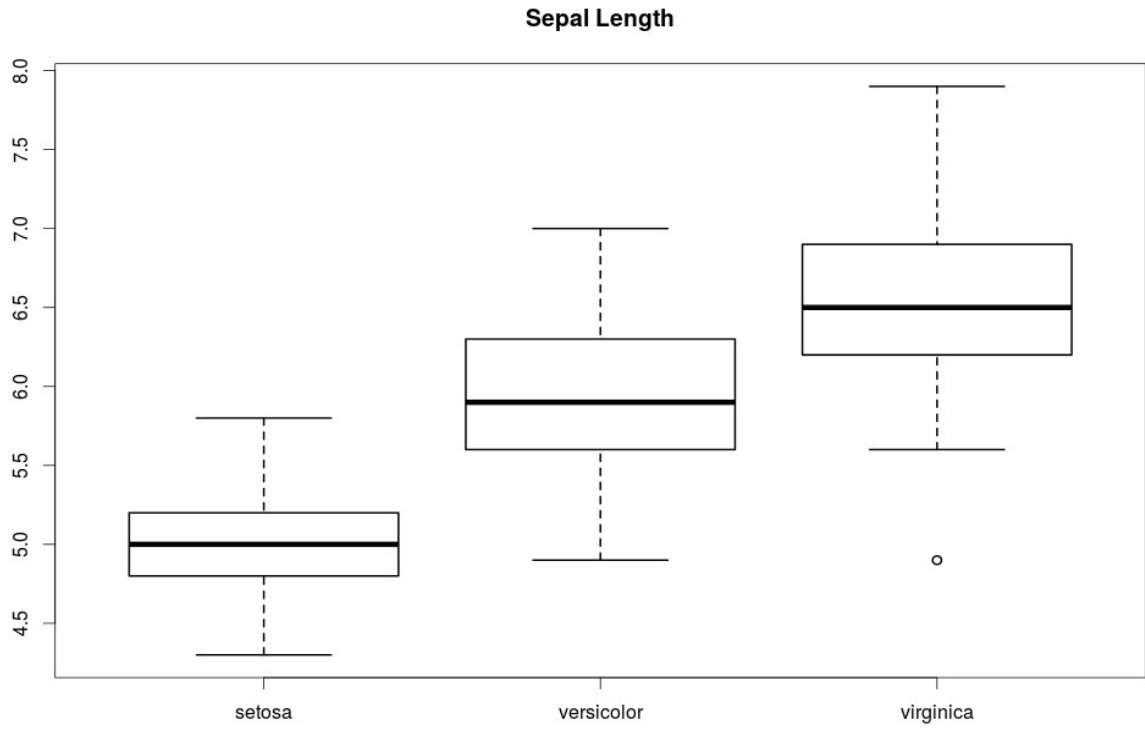


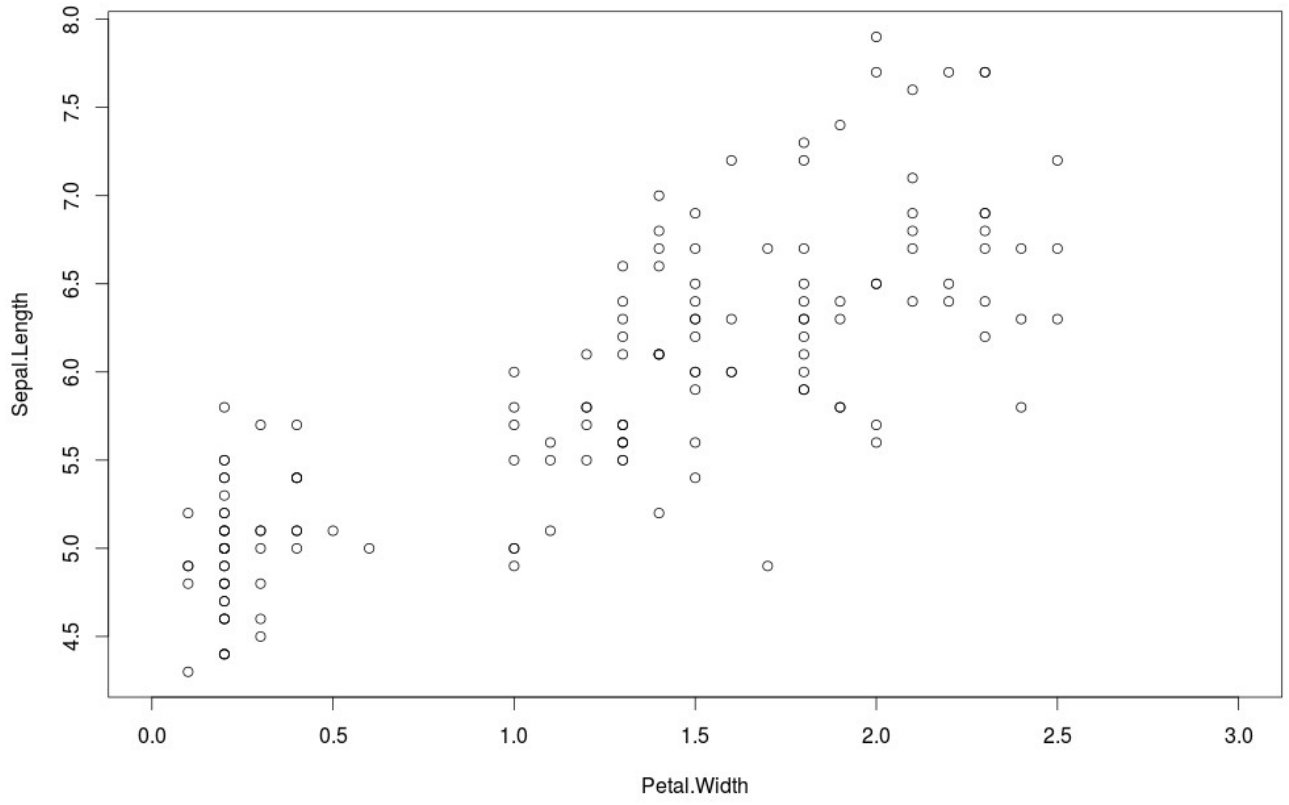
R Kursu Ödev 4 Grafikler ve Filtreleme

1- chickwts verisini kullanarak aşağıdaki histogramı elde ediniz.

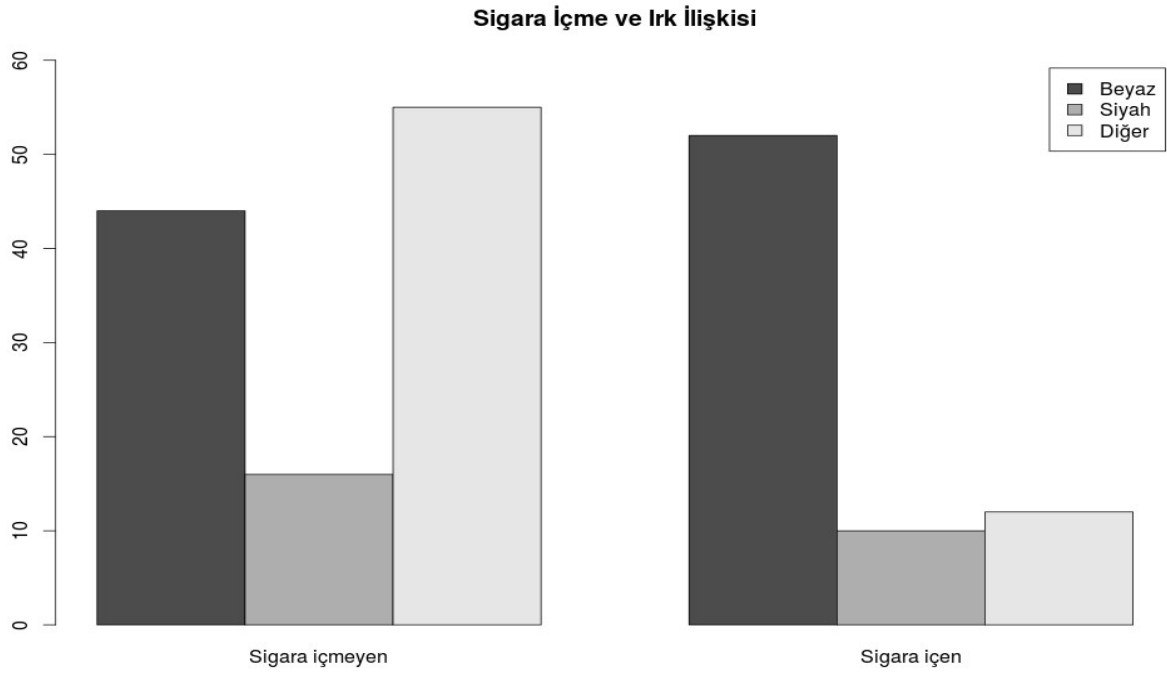


2- iris verisini kullanarak aşağıdaki grafikleri elde ediniz.





3- birthwt verisini kullanarak aşağıdaki grafiği elde ediniz.



4- MASS paketindeki `Pima.tr` verisini kullanarak aşağıdakileri hesaplayınız

- * `skin` değeri 40'tan yüksek olanların sayısı
- * `skin` değeri 60 olan kişi var mı?
- * `bmi` değeri 30'un altında olanların `glu` ortalaması
- * `age` değeri 25'ten büyük olanlarda `npreg` değerlerinin en büyüğü
- * `bp` değeri 40 ile 60 arasında olanların sayısı
- * `bp` değeri 40 ile 60 arasında olanlarda `skin` değerlerinin toplamı
- * `bmi` değeri 30'dan büyük olanların `skin` değerlerinin histogramı
- * `type` faktörüne göre `glu` değerlerinin boxplotlarını çiziniz (`type="Yes"` ve `type="No"` aynı grafikte).

5- `tapply` komutu bir faktörün seviyelerine ait değişik istatistikleri hesaplamakta kullanılabilir.

`tapply` komutuna 1.argüman olarak veri, 2.argüman olarak faktör ve 3. argüman olarak kullanılacak fonksiyon verilmelidir. Siz de bu komutu kullanarak `Pima.tr` verisinde `type="Yes"` ve `type="No"` olanların `skin` ortalamalarını bulunuz.

6- MASS paketindeki `mammals` verisinde değişik memelilere ait `body` ve `brain` ağırlıkları verilmiştir.

`body` ve `brain` için scatterplot çizmiştik. O scatterplotta fillere ait değerlerin grafiği bozduğunu görmüştük. İki adet file (`Asian elephant` ve `African elephant`) ait değeri çıkartarak o scatterplotu yeniden çiziniz, `body` ve `brain` arasındaki ilişkiyi görünüz. Aşağıda bu soruyu çözmek için kullanılabilecek **bir** yönteme ait komutlar vardır.Bu komutların ne işe yaradığını anlamaya çalışınız.

```
mammals$sira<-1:62  
mammals[order(mammals$body),]  
yeniveri<-mammals[mammals$sira!=19 & mammals$sira!=33,]  
plot(yeniveri[,1:2])
```

Her soruyu çözmeye çalışınız. 6.soru zor bir sorudur.

Başarılar.