

## Instituto Federal de Brasília Campus Taguatinga Superior em Computação

Nota

Data

## **Atividade Prática 2**

## Expressões Regulares em Bioinformática 1/2019

Nome:			
NOTTIC.			

- O arquivo toxinsNCBI.fna contém 22 sequências genômicas de mRNAs que codificam toxinas em bactérias. Essas sequências residem na fita codificadora (5' → 3').
  - a) Crie um script python (ou a linguagem que preferir), que receba o arquivo toxinsNCBI.fna e retorne um arquivo toxins\_3-5.fna que contém a sequência da fita molde 3' → 5' (lembre-se que a sequência deve ser salva na direção 5' → 3').
  - b) Agora crie um *script* que receba toxins\_3-5 .fna e transforme as sequências genômicas em sequências de mRNA (na direção 5'-3') que devem ser salvas no arquivo mRNA\_toxins.fna
  - c) Por fim crie um script que receba o arquivo mRNA\_toxins.fna e transforme suas sequências de mRNA em sequências de aminoácidos, salvando estas no arquivo toxins.faa.

Dica: para transformar as sequências de mRNA em sequências de RNA, é necessário consultar o código genético:

Standard genetic code

	45			Standard ger	ictio c	ouc			-	
1st		2nd base								
base	U			С		Α	G		base	
	UUU	(Dha(E) Dhamidalarina	UCU	(Ser/S) Serine	UAU	(Tyr/Y) Tyrosine	UGU			
	UUC	(Phe/F) Phenylalanine	UCC		UAC		UGC	(Cys/C) Cysteine	С	
U	UUA		UCA		UAA	Stop (Ochre) [B]	UGA	Stop (Opal) [B]	А	
	UUG		UCG		UAG	Stop (Amber) [B]	UGG	(Trp/W) Tryptophan	G	
	CUU	(Leu/L) Leucine	CCU	(Pro/P) Proline	CAU	(His/H) Histidine	CGU	(Arg/R) Arginine	U	
_	CUC		ccc		CAC		CGC		С	
С	CUA		CCA		CAA	(Gln/Q) Glutamine	CGA		Α	
	CUG		CCG		CAG		CGG		G	
A	AUU	(Ile/I) Isoleucine	ACU	(Thr/T) Threonine	AAU	(Asn/N) Asparagine	AGU	(Ser/S) Serine	U	
	AUC		ACC		AAC		AGC		С	
	AUA		ACA		AAA	(Lys/K) Lysine	AGA	(Arg/R) Arginine	Α	
	AUG <sup>[A]</sup>	(Met/M) Methionine	ACG		AAG		AGG		G	
G	GUU	GC (Val/V) Valine	GCU	(Ala/A) Alanine	GAU	(Asp/D) Aspartic acid	GGU	(Gly/G) Glycine	U	
	GUC		GCC		GAC		GGC		С	
	GUA		GCA		GAA	(Glu/E) Glutamic acid	GGA		Α	
	GUG		GCG		GAG		GGG		G	

Consulte também o site <a href="https://www.bioinformatics.org/sms/iupac.html">https://www.bioinformatics.org/sms/iupac.html</a> para confirmar o símbolo canônico para cada aminoácido.