

Нурк Сергей

КОНТАКТНАЯ ИНФОРМАЦИЯ

Электронная почта: sergeynurk@gmail.com
Домашняя страница: <http://bioinf.spbau.ru/members/sergey-nurk>
Телефон: +7-950-043-44-06

МЕСТО РАБОТЫ

[Проблемная лаборатория вычислительной биологии](#)
[Санкт-Петербургский академический университет НОЦНТ РАН](#)
Младший научный сотрудник
февраль 2011–настоящее время

БИОГРАФИЧЕСКИЕ ДАННЫЕ

Дата Рождения: 8 марта 1989
Гражданство: РФ
Семейное положение: Холост

ОБРАЗОВАНИЕ

[Санкт-Петербургский Академический университет НОЦНТ РАН](#)
Аспирант с 2011 года. Ожидаемая степень: кандидат физ-мат. наук

- Научный руководитель: [П.А. Певзнер](#)
- Тематика работы: вычислительная геномика

[Санкт-Петербургский государственный университет, Математико-механический факультет, спец. Мат. обеспечение и администрирование информационных систем](#)
Специалист, 2006–2011

- Тема диплома: “Разработка алгоритмов обработки графа де Брюина в задаче геномного ассемблирования” (Руководитель: [Н.И. Вяххи](#))
- Диплом с отличием

Физико-математический лицей #239, средний балл 5.0 (2002–2006)

ДОПОЛНИТЕЛЬНОЕ ОБРАЗОВАНИЕ

[Академия современного программирования](#)
Студент
2008–2010

НАУЧНЫЕ ИНТЕРЕСЫ

- биоинформатика
- вычислительная геномика
- разработка алгоритмов
- разработка программного обеспечения

НАУЧНЫЕ СТАТЬИ

- Sergey Nurk, Anton Bankevich et al.
“Assembling Single-Cell Genomes and Mini-Metagenomes From Chimeric MDA Products”.
Journal of Computational Biology 20(10), 2013
- Sergey Nurk, Anton Bankevich et al.
“Assembling Genomes and Mini-metagenomes from Highly Chimeric Reads”.
Proceedings of the 17th Annual International Conference on Research in Computational Molecular Biology, Lecture Notes in Computer Science 7821 (2013).

- McLean JS, Lombardo MJ, Ziegler M, Novotny M, Yee-Greenbaum J, Badger JH, Tesler G, Nurk S, Lesin V, Bami D, Hall AP, Edlund A, Allen LZ, Durkin S, Reed S, Torriani F, Pevzner PA, Friedman R, Venter JC, Lasken RS.
“Genome of the pathogen *Porphyromonas gingivalis* recovered from a biofilm in a hospital sink using a high-throughput single cell genomic platform”.
Genome Research 23:867-877 2013
- Anton Bankevich, Sergey Nurk et al.
“SPAdes: a New Genome Assembler and its Applications to Single Cell Sequencing”.
Journal of Computational Biology 19(5), 2012
- С. Нурк
“ $O(2^{0.4058m})$ Верхняя оценка для *Circuit SAT*.”
Препринт ПОМИ 10/2009, 2009

УЧАСТИЕ В
КОНФЕРЕНЦИЯХ И
СТУДЕНЧЕСКИХ
ШКОЛАХ

- Microsoft School on Algorithms for Massive Data (ALMADA).
Moscow, Russia, 2013
- 17th Conference on Research in Computational Molecular Biology.
Beijing, China, 2013.
- 16th Conference on Research in Computational Molecular Biology.
Barcelona, Spain, 2012.
- 10th European Conference on Computational Biology.
Vienna, Austria, 2011.
- Russian Summer School in Information Retrieval (RuSSIR).
Voronezh, Russia, 2010
- Microsoft Data Structures and Algorithms School (MIDAS).
Saint-Petersburg, Russia, 2010
- NoNA Summer School on Complexity Theory.
Saint-Petersburg, Russia, 2009
- Joint Advanced Student School (JASS).
Saint-Petersburg, Russia, 2009.
Topic: Propositional Proof Complexity

ДОКЛАДЫ И
ПОСТЕРЫ

- Доклад “Графы де Брюина и алгоритмы сборки геномов”
Летняя биоинформатическая школа
Москва, Россия, 2013
- Доклад “Assembling Genomes and Mini-metagenomes from Highly Chimeric Reads”
17th Conference on Research in Computational Molecular Biology.
Beijing, China, 2013.
- Постер “Expandable de novo genome assembler for short-read sequence data.”
ISMB/ECCB, совместная работа с Н.Вяххи, А.Банкевичем, М.Алексеевым и П.Певзнером.
Vienna, Austria, 2011
- Доклад об инструменте для сбора информации с веб страниц, разработанного в моем отделе в компании Яндекс
Yet Another Conference (YaC’2010)
Москва, Россия, 2010
- Доклад “Upper bound for Circuit SAT”
Estonian Theory Days 2009
Palmse, Estonia, 2009
- Доклад “Lower bounds for $k - DNF$ resolution on random 3 – CNFs”

Joint Advanced Student School (JASS'2009)
Санкт-петербург, Россия, 2009

ОПЫТ РАБОТЫ

[Компания Яндекс](#)

Отдел сбора структурированных данных

- Разработчик ПО (Java)
2009–2011
- стажер
лето 2009

ОПЫТ
ПРЕПОДАВАНИЯ

Курс языка Java в Санкт-Петербургском Академическом университете
ассистент
2012 – 2013

РЕЛЕВАНТНЫЕ
НАВЫКИ

- Java
- C++
- C#
- SQL, XML
- \LaTeX , bash, vim

ЯЗЫКИ

- Русский: родной
- Английский: разговорный