@HD	VN:1.4								
@SQ	SN:4	LN:191154276							
@SQ	SN:7	LN:159138663							
@SQ	SN:12	LN:133851895							
	SN:17	LN:81195210							
@PG	ID:STAR	PN:STAR VN:STAR_2	2.5.1b CL:STAR	gen	omeDir /s	share/data/compge	en2016/		
		VarCalling/genome						hare/dat	:a/compgen2016/
		VarCalling/Labs/							
		VarCalling/Labs/							. —
		mand line: STAR							
_		/index/star/NoGT							
									g/Labs/2 Mapping/
		2_Q30_1_R2.fastq							
		5_540_1027_0:0:0		163	7	127231072	255	71M4S	=
12723160		612							
ACATGCCC	CAACGCCAT	GCCCGTGAGCGAGCTGA	ACTGACAAGCTGGGG	CTACAGCA	CTTACGCAC	GCCGCACGTGGT	???????	???????	,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,
222222	,,,,,,,,,	777777777777777777777777777777777777777	,,,,,,,,,,	MILL 2 . 4					
11111111			rrrrrrrrr	NH:i:1	HI:i:1	AS:i:144	nM:i:0		
		5_540_1027_0:0:0		NH:1:1	HI:i:1 7	AS:i:144 127231609	nM:i:0 255	75M	=
	00000233.							75M	=
ENST0000	00000233. 72	5_540_1027_0:0:0	_0:0:0_0	83	7	127231609	255		=
ENST0006 12723107 AGAGGAGG	00000233. 72 GAGCAGGGA	5_540_1027_0:0:0 -612	_0:0:0_0	83 TGTACTCTA	7 AGGGGCCAG	127231609 GGTTGGGAGGGG	255		
ENST0006 12723107 AGAGGAGG	00000233. 72 GAGCAGGGA	5_540_1027_0:0:0 -612 .TCTGGGTTTCCTTTTT	_0:0:0_0 TTTTTCTGTTTTGGG <sup>*</sup> ???????????	83 TGTACTCTA	7 AGGGGCCAG	127231609 GGTTGGGAGGGG	255		
ENST0006 12723107 AGAGGAGG	00000233. 72 GAGCAGGGA ???????? 00000233.	5_540_1027_0:0:0 -612 .TCTGGGTTTCCTTTTT ??????????????	_0:0:0_0 TTTTTCTGTTTTGGG <sup>*</sup> ???????????	83 TGTACTCTA	7 AGGGGCCAC	127231609 GGTTGGGAGGGG AS:i:144	255 ??????? nM:i:0	????????	777777777777777777777777777777777777777
ENST0000 12723107 AGAGGAGG ???????? ENST0000 12723167	00000233. 72 GAGCAGGGA ???????? 00000233.	5_540_1027_0:0:0 -612 TCTGGGTTTCCTTTTT ??????????????? 5_536_1088_0:0:0	_0:0:0_0 TTTTTCTGTTTTGGG <sup>*</sup> ??????????? _1:0:0_1	83 TGTACTCTA NH:i:1 99	7 AGGGGCCAO HI:i:1	127231609 GGTTGGGAGGGG AS:i:144 127231068	255 ???????? nM:i:0 255	75M	777777777777777777777777777777777777777
ENST0006 12723107 AGAGGAGG ???????? ENST0006 12723167 CAGGACAT	00000233. 72 GAGCAGGGA ???????? 00000233. 70 TGCCCAACG	5_540_1027_0:0:0 -612 TCTGGGTTTCCTTTTT ????????????? 5_536_1088_0:0:0 677	_0:0:0_0  ITTTTCTGTTTTGGG  ????????? _1:0:0_1  GCTGACTGACAAGCT	83 TGTACTCTA NH:i:1 99 GGGGCTACA	7 AGGGGCCAC HI:i:1 7 AGCACTTAC	127231609 GGTTGGGAGGGG AS:i:144 127231068	255 ???????? nM:i:0 255	75M	=
ENST0006 12723107 AGAGGAGG ???????? ENST0006 12723167 CAGGACAT ????????	00000233. 72 GAGCAGGGA ????????? 00000233. 70 TGCCCAACG	5_540_1027_0:0:0 -612 TCTGGGTTTCCTTTTT ?????????????? 5_536_1088_0:0:0 677 CCATGCCCGTGAGCGAG	_0:0:0_0  ITTTTCTGTTTTGGG  ?????????? _1:0:0_1  GCTGACTGACAAGCT0 ?????????	83 TGTACTCTA NH:i:1 99 GGGGCTACA	7 AGGGGCCAC HI:i:1 7 AGCACTTAC	127231609  GGTTGGGAGGGG AS:i:144 127231068  CGCAGCCGCACG	255 ???????? nM:i:0 255 ???????	75M	=