

@HD VN:1.4  
@SQ SN:4 LN:191154276  
@SQ SN:7 LN:159138663  
@SQ SN:12 LN:133851895  
@SQ SN:17 LN:81195210  
@PG ID:STAR PN:STAR VN:STAR\_2.5.1b CL:STAR --genomeDir /share/data/compngen2016/  
day45\_Intro2Seq\_VarCalling/genomes/H.Sapiens/b37\_h1/index/star/NoGTF --readFilesIn /share/data/compngen2016/  
day45\_Intro2Seq\_VarCalling/Labs/2\_Mapping/data/gencodeTest2\_Q30\_1\_R1.fastq.gz /share/data/compngen2016/  
day45\_Intro2Seq\_VarCalling/Labs/2\_Mapping/data/gencodeTest2\_Q30\_1\_R2.fastq.gz --readFilesCommand gzc  
@CO user command line: STAR --genomeDir /share/data/compngen2016/day45\_Intro2Seq\_VarCalling/genomes/  
H.Sapiens/b37\_h1/index/star/NoGTF --readFilesIn /share/data/compngen2016/day45\_Intro2Seq\_VarCalling/Labs/  
2\_Mapping/data/gencodeTest2\_Q30\_1\_R1.fastq.gz /share/data/compngen2016/day45\_Intro2Seq\_VarCalling/Labs/2\_Mapping/  
data/gencodeTest2\_Q30\_1\_R2.fastq.gz --readFilesCommand gzc  
ENST00000000233.5\_540\_1027\_0:0:0\_0:0:0\_0 163 7 127231072 255 71M4S =  
127231609 612  
ACATGCCCAACGCCATGCCCGTGAGCGAGCTGACTGACAAGCTGGGGCTACAGCACTTACGCAGCCGCACGTGGT ?????????????????????????????????  
???????????????????????????????????????????? NH:i:1 HI:i:1 AS:i:144 nM:i:0  
ENST00000000233.5\_540\_1027\_0:0:0\_0:0:0\_0 83 7 127231609 255 75M =  
127231072 -612  
AGAGGAGGAGCAGGGATCTGGGTTTCCTTTTTTTTTTCTGTTTTGGGTGTACTCTAGGGGCCAGGTTGGGAGGGG ?????????????????????????????????  
???????????????????????????????????????????? NH:i:1 HI:i:1 AS:i:144 nM:i:0  
ENST00000000233.5\_536\_1088\_0:0:0\_1:0:0\_1 99 7 127231068 255 75M =  
127231670 677  
CAGGACATGCCCAACGCCATGCCCGTGAGCGAGCTGACTGACAAGCTGGGGCTACAGCACTTACGCAGCCGCACG ?????????????????????????????????  
???????????????????????????????????????????? NH:i:1 HI:i:1 AS:i:146 nM:i:1  
ENST00000000233.5\_536\_1088\_0:0:0\_1:0:0\_1 147 7 127231670 255 75M =  
127231068 -677 CAGGTTGGGAGGGGGAAGGTGAGGGCTTCGGGTGGTGCTTTAATGTGGCACTGGATCTTGAGTAATAAATTTGCT