@HD	VN:1.4										
@SQ	SN:4	LN:19115427	76								
@SQ	SN:7	LN:15913866	53								
@SQ	SN:12	LN:13385189	95								
@SQ	SN:17	LN:81195210	3								
@PG		PN:STAR VN:	:STAR 2.5.	1b CL:STAR	gen	omeDir /	share/data/comp	gen2016/			
							NoGTFreadF		hare/dat	a/compgen201	L6/
							1_R1.fastq.gz				- /
		_					1_R2.fastq.gz				
@CO		_					 2016/day45_Intr				
							pgen2016/day45_				
							en2016/day45_In				ning/
				readFiles(.8/ -400/	7 67
		5_540_1027_			163	7	127231072	255	71M4S	=	
1272316		612				-					
ACATGCC	CAACGCCA	GCCCGTGAGC	GAGCTGACTG	iACAAGCTGGGG(CTACAGCA	CTTACGCA	GCCGCACGTGGT	???????	???????	,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,	?????
		,,,,,,,,,,,,,			NH:i:1	HI:i:1		nM:i:0			
ENST000	00000233	E E/O 1007					A5:1:144	111111111			
		3 340 IUZ/	0:0:0 0:0	1:00	83	7	AS:1:144 127231609	255	75M		
1272310	72	-612	_0:0:0_0:0	0:0_0	83				75M		
	_	-612		_		7		255		=	??????
AGAGGAG	GAGCAGGG/	-612	 СТТТТТТТТТ	TCTGTTTTGGG		7 AGGGGCCA	127231609	255			??????
AGAGGAG	GAGCAGGGA	-612 \TCTGGGTTTC(- CTTTTTTTT ??????????	TCTGTTTTGGGT	rgtactct.	7 AGGGGCCA	127231609 GGTTGGGAGGGG	255 ???????			??????
AGAGGAG	GAGCAGGGA	-612 ATCTGGGTTTC	- CTTTTTTTT ??????????	TCTGTTTTGGGT	TGTACTCT	7 AGGGGCCA HI:i:1	127231609 GGTTGGGAGGGG AS:i:144	255 ??????? nM:i:0	????????	???????????????????????????????????????	??????
AGAGGAG ??????? ENST000 1272316	GGAGCAGGGA 277777777 1000000233	-612 ATCTGGGTTTCO PPRESSOR	- CTTTTTTTT ????????? _0:0:0_1:0	- TCTGTTTTGGGT ????????):0_1	TGTACTCT NH:i:1 99	7 AGGGGCCA HI:i:1 7	127231609 GGTTGGGAGGGG AS:i:144	255 ??????? nM:i:0 255	????????? 75M	???????????????????????????????????????	
AGAGGAG ??????? ENST000 1272316 CAGGACA	GGAGCAGGGA 2????????? 1000000233 170 TGCCCAAC	-612 ATCTGGGTTTCO PPRESSOR	- CTTTTTTTT ????????? _0:0:0_1:0 GAGCGAGCTG	TCTGTTTTGGGT ????????):0_1 GACTGACAAGCTC	TGTACTCT NH:i:1 99	7 AGGGGCCA HI:i:1 7	127231609 GGTTGGGAGGGG AS:i:144 127231068	255 ??????? nM:i:0 255	????????? 75M	=	
AGAGGAG ??????? ENST000 1272316 CAGGACA ???????	GGAGCAGGGA ????????? 100000233 170 TGCCCAACC	-612 ATCTGGGTTTCG ???????????? .5_536_1088_ 677 GCCATGCCCGTG	- CTTTTTTTT ????????? _0:0:0_1:0 GAGCGAGCTG ??????????	TCTGTTTTGGGT P??????? D:0_1 GACTGACAAGCTC	TGTACTCT NH:i:1 99	7 AGGGGCCA HI:i:1 7 AGCACTTA	127231609 GGTTGGGAGGGG AS:i:144 127231068 CGCAGCCGCACG	255 ??????? nM:i:0 255 ???????	????????? 75M	=	