

# СЕКВЕНИРОВАНИЕ NGS

АНАЛИЗ	Цена	Код	Срок
<b>СЕКВЕНИРОВАНИЕ NGS</b> <b>всех генов указанной группы генов на оборудовании Illumina</b>			
<b>Полноэкзомное секвенирование ДНК со средней кратностью покрытия от 30x и верификацией по Сэнгеру,</b> в том числе скрининг на моногенные заболевания, анализ предрасположенностей на основе анкеты, консультация врача-генетика до и после теста	<b>90000</b>	<b>C7</b>	<b>60</b>
<b>Полноэкзомное секвенирование ДНК со средней кратностью покрытия от 30x и верификацией по Сэнгеру,</b> анализ целевого заболевания. Направление от врача с указанием интересующего заболевания или генов обязательно	<b>70000</b>	<b>C8</b>	<b>60</b>
<b>Полногеномное секвенирование ДНК со средней кратностью покрытия от 30x и верификацией по Сэнгеру,</b> в том числе скрининг на моногенные заболевания, анализ предрасположенностей на основе анкеты, консультация врача-генетика до и после теста	<b>590000</b>	<b>C9</b>	<b>90</b>
<b>Полноэкзомное секвенирование ДНК со средней кратностью покрытия от 30x (предоставляются не обработанные данные)</b>	<b>60000</b>	<b>C10</b>	<b>60</b>
<b>Полногеномное секвенирование ДНК со средней кратностью покрытия от 25x (предоставляются не обработанные данные)</b>	<b>500000</b>	<b>C11</b>	<b>90</b>

АНАЛИЗ	Цена	Код	Срок
<b>ТАРГЕТНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ:</b> молекулярная онкология секвенирование со средней кратностью покрытия <b>от 200x</b> (анализ крови и опухоли пациента)	<b>28000</b>	<b>C16c</b>	<b>45-60</b>
<b>Комплексное генетическое исследование</b> образцов периферической венозной крови пробанда и его родителей для подтверждения диагноза наследственного заболевания <b>синдром Вильсона-Коновалова</b> путем секвенирования гена бета-полипептид медь-переносящей аденозинтрифосфатазы АТР7В и верификацией по Сэнгеру найденных мутаций	<b>50000</b>	<b>C18</b>	<b>90-120</b>
<b>Комплексное генетическое исследование</b> образцов периферической венозной крови пробанда для подтверждения диагноза наследственного заболевания <b>гиперфенилаланинемия с дефицитом тетрагидробиоптерина</b> , путем поиска мутаций в генах PTS, QDPR, GCH1, PAH и верификацией по Сэнгеру найденных мутаций	<b>50000</b>	<b>C19</b>	<b>90-120</b>
<b>Предимплантационная диагностика для носителей структурных хромосомных перестроек - VeriSeq PGS, 1 бластомер</b>	<b>26400</b>	<b>C13</b>	<b>14-21</b>
<b>Предимплантационная диагностика для носителей структурных хромосомных перестроек - VeriSeq PGS, 1 бластомер (от 24 образцов одновременно)</b>	<b>19900</b>	<b>C13b</b>	<b>28</b>

**КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. ПАНЕЛИ.**  
(верификация по Сэнгеру входит в стоимость)  
**(до 31.12.2018 все панели по 29900)**

<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Все панели</b> - секвенирование со средней кратностью покрытия от 70x и без верификации по Сэнгеру	<b>35000</b>	<b>C17</b>	<b>90-120</b>
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Гиперинсулинизм и MODY"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70x и верификацией по Сэнгеру	<b>38900</b>	<b>C12</b>	<b>90-120</b>
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ: Оценка наследственных тяжелых рецессивных заболеваний</b> (более 4000 клинически значимых генов) секвенирование со средней кратностью покрытия от 70x	<b>49000</b>	<b>C17a</b>	<b>30-45</b>
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ: Оценка наследственных тяжелых рецессивных заболеваний</b> (более 4000 клинически значимых генов) секвенирование со средней кратностью покрытия от 70x	<b>38900</b>	<b>C17b</b>	<b>60-90</b>
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ: Молекулярная онкология</b> секвенирование со средней кратностью покрытия <b>от 200x</b> (анализ крови и опухоли пациента)	<b>150000</b>	<b>C16a</b>	<b>15-30</b>
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ: Молекулярная онкология</b> секвенирование со средней кратностью покрытия <b>от 200x</b> (анализ крови и опухоли пациента)	<b>90000</b>	<b>C16b</b>	<b>30-45</b>

АНАЛИЗ	Цена	Код	Срок
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Наследственные эпилепсии"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру      Список генов см. приложение № 1 к прайс-листу	38900	C17d	90- 120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Наследственные нарушения обмена веществ"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру      Список генов см. приложение № 1 к прайс- листу	38900	C17e	90- 120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Заболевания соединительной ткани"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру      Список генов см. приложение № 1 к прайс- листу	38900	C17f	90- 120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Наследственные опухолевые синдромы"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру      Список генов см. приложение № 1 к прайс-листу	38900	C17g	90- 120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Наследственная тугоухость"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру      Список генов см. приложение № 1 к прайс- листу	38900	C17h	90- 120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Женские наследственные опухоли"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру      Список генов см. приложение № 1 к прайс- листу	38900	C17i	90- 120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Факоматозы и наследственный рак"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру      Список генов см. приложение № 1 к прайс- листу	38900	C17k	90- 120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Наследственный рак молочной железы"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру      Список генов см. приложение № 1 к прайс-листу	38900	C17L	90- 120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Наследственный рак толстой кишки"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру      Список генов см. приложение № 1 к прайс- листу	38900	C17m	90- 120

АНАЛИЗ	Цена	Код	Срок
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Первичный иммунодефицит и наследственные анемии"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру Список генов см. приложение № 1 к прайс-листу	38900	C17n	90-120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Умственная отсталость и расстройства аутистического спектра"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру Список генов см. приложение № 1 к прайс-листу	38900	C17o	90-120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Нервно-мышечные заболевания"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру Список генов см. приложение № 1 к прайс-листу	38900	C17p	90-120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Нейродегенеративные заболевания"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру Список генов см. приложение № 1 к прайс-листу	38900	C17q	90-120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Наследственные заболевания глаз"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру Список генов см. приложение № 1 к прайс-листу	38900	C17r	90-120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Наследственные заболевания почек"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру Список генов см. приложение № 1 к прайс-листу	38900	C17s	90-120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Наследственные заболевания сердца"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру Список генов см. приложение № 1 к прайс-листу	38900	C17t	90-120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Наследственные нарушения репродуктивной системы"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру Список генов см. приложение № 1 к прайс-листу	38900	C17u	90-120
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Наследственные заболевания желудочно-кишечного тракта"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от 70х и верификацией по Сэнгеру Список генов см. приложение № 1 к прайс-листу	38900	C17v	90-120



АНАЛИЗ	Цена	Код	Срок
<b>КЛИНИЧЕСКИЙ ЭКЗОМ. Панель "Генетической предрасположенности к развитию наследственных кардиомиопатий"</b> секвенирование со средней кратностью покрытия от <b>70x</b> и верификацией по Сэнгеру. Список генов см. приложение № 1 к прайс-листу	<b>38900</b>	<b>C18b</b>	<b>90-120</b>
<b>ВЕРИФИКАЦИЯ ПО СЭНГЕРУ ПОСЛЕ NGS</b>			
Поиск выявленной в данной семье <b>одной</b> мутации у родственника (после NGS в нашей лаборатории) ( <b>1-2 человека</b> )	<b>3000</b>	<b>BC1</b>	<b>14</b>
Поиск выявленной в данной семье <b>одной</b> мутации у родственника (после NGS в нашей лаборатории) (Дополнительно к услуге <b>BC1</b> за <b>каждого следующего</b> человека)	<b>1500</b>	<b>BC1a</b>	<b>28</b>
Поиск выявленной в данной семье <b>одной</b> мутации у родственника (после NGS, данные <b>из любой</b> лаборатории) (1-2 человека)	<b>5000</b>	<b>BC2</b>	<b>28</b>
Поиск выявленной в данной семье <b>одной</b> мутации у родственника (после NGS, данные <b>из любой</b> лаборатории) (Дополнительно к услуге <b>BC2</b> за <b>каждого следующего</b> человека)	<b>2500</b>	<b>BC2a</b>	<b>28</b>
Пренатальная ДНК-диагностика 1 мутации в семье (после NGS в нашей лаборатории) (1-3 человека)	<b>5000</b>	<b>BC3</b>	<b>14</b>
Пренатальная ДНК-диагностика 1 мутации в семье (после NGS данные <b>из любой</b> лаборатории) (1-3 человека)	<b>8000</b>	<b>BC4</b>	<b>28</b>
<b>Биоинформатический анализ данных Лабораторией клинической биоинформатики ClinBio под руководством Федора Коновалова</b>			
Экспертный анализ данных секвенирования полного экзоста, клинического экзоста или геномной панели Лабораторией клинической биоинформатики ClinBio под руководством Федора Коновалова. Для исследования необходимы данные в формате FASTQ, а также обезличенная клиническая информация. Анализ качества данных включен (Не включает в себя клиническую интерпретацию врачом клиническим генетиком).	<b>7500</b>	<b>БИ1</b>	<b>14-21</b>
Панель «Клинический экзом» с биоинформатической обработкой данных секвенирования экспертного уровня Лабораторией клинической биоинформатики ClinBio под руководством Федора Коновалова.	<b>38900</b>	<b>C17+ БИ1</b>	<b>90-120</b>
<b>Биоинформатика и клиническая интерпретация данных секвенирования в нашей лаборатории</b>			
Биоинформатическая обработка и клиническая интерпретация данных секвенирования в формате FASTQ, полученных методами MPS (NGS) в <b>других</b> лабораториях.	<b>7500</b>	<b>БИ+ ИТ</b>	<b>21</b>
Клиническая интерпретация данных секвенирования после биоинформатической обработки врачом клиническим генетиком.	<b>2000</b>	<b>ИТ</b>	<b>10-14</b>