

در این پروژه، از یک پایگاه داده شامل تصاویر برگ ها و ماسک های متناظر آن ها استفاده می شود. هدف از این پروژه، سگمنت بندی تصاویر برگ است، یعنی تفکیک برگ از سایر بخش های تصویر مانند پس زمینه یا اطراف. این فرایند، به ما کمک می کند تا تمرکز خود را بر روی برگ قرار داده و آن را از قسمت های دیگر تصویر جدا کنیم.

برای سگمنت بندی تصاویر برگ از پس زمینه، روش های مختلفی وجود دارند. این روش ها شامل الگوریتم های پردازش تصویر مبتنی بر رنگ و مورفولوژی، لبه یابی، روش های مبتنی بر بینایی ماشین و یا شبکه های عصبی عمیق می شوند. با استفاده از این روش ها، قسمت های مربوط به پس زمینه از برگ تفکیک شده و برگ با دقتی از تصویر استخراج می شود.

در این پروژه، از شبکه های عصبی عمیق برای سگمنت بندی تصاویر استفاده شده است. در ادامه هر یک از سلول های کد در ژوپیتتر را به صورت مجزا با خروجی بررسی می کنیم.

بررسی کد:

در سلول زیر کتابخانه های مورد نیاز را `import` کردیم. در ادامه به طور خلاصه کاربرد هایی که از آن ها در این پروژه استفاده شد را بررسی می کنیم.

از `os` برای ارتباط با سیستم عامل برای دسترسی به فایل ها و پوشه ها، از `zipfile` برای اکسترکت فایل ها از یک فایل زیپ، از `shutil` برای کپی، حذف و جا به جایی فایل و پوشه، از `PIL` و `Image` برای بارگذاری و ذخیره تصویر، از `matplotlib` برای ترسیم نمودار، از `numpy` برای تولید آرایه های چند بعدی و عملیات جبری، از `cv2` برای استفاده از ابزار های `OpenCV` خواندن و نمایش تصویر و اعمال فیلتر های تصویری استفاده کردیم.

`tensorflow` یک کتابخانه محاسبات عددی را برای آموزش و استفاده از شبکه های عصبی فراهم می کند.

`ImageDataGenerator` داده های تصویری تغییر یافته را برای آموزش شبکه عصبی فراهم می کند مانند چرخش، زوم و نمونه برداری تصادفی.

`Model` از `tensorflow` مدل شبکه عصبی را تعریف و ساختار آن را تعیین می کند.

های شبکه عصبی در tensorflow استفاده می‌کند مانند ورودی، لایه های کانولوشن، لایه های pooling و لایه های اتصال و upsample

از ماژول Adam در tensorflow استفاده می‌شود که یک بهینه ساز برای آموزش مدل شبکه عصبی را فراهم می‌کند.

از ماژول Callback در tensorflow استفاده می‌شود که کالباک های مختلفی را برای استفاده در آموزش شبکه عصبی فراهم می‌کند، مانند کالباک های ذخیره سازی مدل و پیگیری عملکرد مدل.

```
import os
import zipfile
import shutil
from PIL import Image
import random
import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np
import cv2
import tensorflow as tf
from tensorflow.keras.preprocessing.image import ImageDataGenerator
from tensorflow.keras.models import Model
from tensorflow.keras.layers import Input, Conv2D, MaxPooling2D, UpSampling2D, concatenate
from tensorflow.keras.optimizers import Adam
from tensorflow.keras.callbacks import Callback
```

در سلول زیر با استفاده از دستور `wget` ، فایل پایگاه داده ما از این آدرس از اینترنت دریافت می‌شود و در مسیر مشخص شده ذخیره می‌شود.

```
✓ 11s !wget -P /content/leaf-segmentation/raw-dataset http://liris.univ-lyon2.fr/revs/documents/Extrait_PL@ntLeaveI_segmente_manuellement.zip
--2023-06-11 22:30:31-- http://liris.univ-lyon2.fr/revs/documents/Extrait_PL@ntLeaveI_segmente_manuellement.zip
Resolving liris.univ-lyon2.fr (liris.univ-lyon2.fr)... 159.84.143.100
Connecting to liris.univ-lyon2.fr (liris.univ-lyon2.fr)|159.84.143.100|:80... connected.
HTTP request sent, awaiting response... 200 OK
Length: 42226533 (40M) [application/zip]
Saving to: '/content/leaf-segmentation/raw-dataset/Extrait_PL@ntLeaveI_segmente_manuellement.zip'

Extrait_PL@ntLeaveI 100%[=====] 40.27M 4.95MB/s in 10s
```

سلول زیر، یک فایل زیپ را اکسترکت می‌کند و محتویات آن را در دایرکتوری مشخص شده ذخیره می‌کند. Path فایل را داریم یک path برای اکسترکت تعیین می‌کنیم که پارامتر exist_ok=True باعث می‌شود که

اگر دایرکتوری از قبل وجود داشته باشد، خطا ایجاد نشود.
به طور خلاصه، این کد فایل زیپ را اکسترکت کرده و محتویات آن را در دایرکتوری مورد نظر ذخیره می‌کند.

```
zip_file_path = "/content/leaf-segmentation/raw-dataset/Extrait_Pl@ntLeaveI_segmente_manuellement.zip"

destination_directory = "/content/leaf-segmentation/raw-dataset/"

# Create the extract directory if it doesn't exist
os.makedirs(destination_directory, exist_ok=True)

# Extract the contents of the zip file
with zipfile.ZipFile(zip_file_path, 'r') as zip_ref:
    zip_ref.extractall(destination_directory)

print("Extraction completed successfully.")
```

Extraction completed successfully.

سلول زیر، پیش پردازش و سازماندهی داده های موجود در دایرکتوری مورد نظر را انجام می‌دهد. به منظور جدا سازی تصاویر و ماسک ها دایرکتوری هایی برای آن ها تعریف شد و در صورتی که قبلا وجود نداشته باشند ایجاد می‌شوند.
در متغیر های `image_files` و `mask_files` لیستی از فایل های تصویر و ماسک نگهداری می‌شود و تعداد آن ها را به دست می‌آوریم.

به طور خلاصه، این سلول، فایل های تصویر و ماسک موجود در یک دایرکتوری را به دایرکتوری های مجزا منتقل می‌کند و سایر فایل ها و دایرکتوری ها را از دایرکتوری اصلی حذف می‌کند. سپس، تعداد تصاویر و ماسک ها را چاپ می‌کند.

```

▶ # Set the paths
raw_dataset_folder = "/content/leaf-segmentation/raw-dataset"
images_folder = os.path.join(raw_dataset_folder, "images")
masks_folder = os.path.join(raw_dataset_folder, "masks")

# Create the "images" and "masks" folders
os.makedirs(images_folder, exist_ok=True)
os.makedirs(masks_folder, exist_ok=True)

# Get the path of the "Extrait_Pl@ntLeaveI_segmente_manuellement" folder
extrait_folder = os.path.join(raw_dataset_folder, "Extrait_Pl@ntLeaveI_segmente_manuellement")

# Get the list of image files
image_files = []
mask_files = []
for file_name in os.listdir(extrait_folder):
    if file_name.endswith(".jpg"):
        mask_files.append(file_name)
    elif file_name.endswith(".png"):
        image_files.append(file_name)

# Move image files to the "images" folder
for image_file in image_files:
    image_src = os.path.join(extrait_folder, image_file)
    image_dest = os.path.join(images_folder, image_file)
    shutil.copy(image_src, image_dest)

# Move mask files to the "masks" folder

```

```

▶ # Move mask files to the "masks" folder
for mask_file in mask_files:
    mask_src = os.path.join(extrait_folder, mask_file)
    mask_dest = os.path.join(masks_folder, mask_file)
    shutil.copy(mask_src, mask_dest)

print("Copying images and masks completed successfully.")

# Remove all files and folders inside the "raw_dataset" directory, except for "images", "masks", and "Extrait_Pl@ntLeaveI_segmente_manuellement.zip"
for file_name in os.listdir(raw_dataset_folder):
    file_path = os.path.join(raw_dataset_folder, file_name)
    if file_name != "images" and file_name != "masks" and file_name != "Extrait_Pl@ntLeaveI_segmente_manuellement.zip":
        if os.path.isfile(file_path):
            os.remove(file_path)
        elif os.path.isdir(file_path):
            shutil.rmtree(file_path)

print("Unnecessary files and folders removed.")

# Print the number of images and masks
num_images = len(os.listdir(images_folder))
num_masks = len(os.listdir(masks_folder))
print(f"Number of images: {num_images}")
print(f"Number of masks: {num_masks}")

```

Copying images and masks completed successfully.
 Unnecessary files and folders removed.
 Number of images: 233
 Number of masks: 233

در سلول زیر، اندازه های حداکثر و حداقل تصاویر محاسبه می شود.

`calculate_max_min_dims(directory)` این تابع، بر اساس مسیر داده شده، اندازه های حداکثر و حداقل تصاویر را محاسبه می کند و آنها را به صورت یک تاپل برمی گرداند.

```
[ ] def calculate_max_min_dims(directory):
    max_w_dim = 0
    max_h_dim = 0
    min_w_dim = 10000
    min_h_dim = 10000

    # Iterate over the images in the directory
    for image_name in os.listdir(directory):
        image_path = os.path.join(directory, image_name)
        img = Image.open(image_path)
        width, height = img.size
        max_w_dim = max(max_w_dim, width)
        max_h_dim = max(max_h_dim, height)
        min_w_dim = min(min_w_dim, width)
        min_h_dim = min(min_h_dim, height)

    sizes = (max_w_dim, max_h_dim, min_w_dim, min_h_dim)
    return sizes
```

سلول زیر، اندازه های حداکثر و حداقل تصاویر در دایرکتوری داده شده را با تابع سلول بالا محاسبه می کند و پرینت می گیرد.

```
✓ 0s ▶ images_dir = '/content/leaf-segmentation/raw-dataset/images'
print(f'max_w_dim, max_h_dim, min_w_dim, min_h_dim for images are: {calculate_max_min_dims(images_dir)}')
```

max_w_dim, max_h_dim, min_w_dim, min_h_dim for images are: (800, 800, 161, 173)

سلول زیر، تقسیم بندی مجموعه داده برای آموزش، اعتبارسنجی و آزمون را انجام می دهد. به این منظور دایرکتوری های مورد نیاز را ایجاد می کند.

تصاویر و ماسک ها با شماره های مشخص شده برای تست جدا می شوند (برای من از 3977 تا 4903 بود) سپس بقیه تصاویر و ماسک ها به طور تصادفی به دو مجموعه `train` و `dev` تقسیم شدند و در نهایت، تعداد تصاویر و ماسک ها در هر دایرکتوری چاپ می شود.

از مجموعه داده‌ی **train** برای آموزش مدل شبکه عصبی استفاده می‌شود. شبکه عصبی با استفاده از این مجموعه داده آموزش می‌بیند و وزن‌ها و پارامترهای خود را تنظیم می‌کند تا بتواند بر روی داده‌های جدید دقت مناسبی داشته باشد.

از مجموعه داده‌ی **dev** به عنوان مجموعه اعتبار سنجی برای تنظیم و انتخاب بهترین پارامترهای مدل استفاده می‌شود. با استفاده از این داده‌ها، مدل با پارامترهای مختلف آموزش می‌بیند و روی مجموعه اعتبارسنجی ارزیابی می‌شود. این کار به ما کمک میکند تا بهترین پارامترها را انتخاب کنیم و از پدیده‌هایی مانند **overfitting** جلوگیری کنیم.

از داده‌های **test** برای ارزیابی نهایی مدل استفاده می‌شود. از این داده‌ها معمولاً از دسته بندی مدل جدید در شرایط واقعی و روی داده‌های جدید استفاده می‌شوند. با ارزیابی مدل بر روی این داده‌ها، می‌توانیم دقت نهایی و عملکرد مدل را ارزیابی کنیم.

تفاوت اصلی بین داده‌های **test** و **dev** در استفاده از آن‌ها در فرآیند ارزیابی مدل است. در کل، دسته **dev** برای تنظیم بهتر پارامترها و دسته **test** برای ارزیابی نهایی و عملکرد نهایی مدل استفاده می‌شود.

تفاوت داده‌های **dev** و **train** هم در این است که از دسته **dev** برای ارزیابی مدل بین دوره‌های آموزش استفاده می‌شود و عملکرد مدل بر روی این دسته داده‌ها نمایش داده می‌شود.

```
# Set the paths
leaf_segmentation_folder = "/content/leaf-segmentation"
dataset_folder = os.path.join(leaf_segmentation_folder, "dataset")
raw_dataset_folder = os.path.join(leaf_segmentation_folder, "raw-dataset")
train_folder = os.path.join(dataset_folder, "train")
dev_folder = os.path.join(dataset_folder, "dev")
test_folder = os.path.join(dataset_folder, "test")

# Remove existing train, dev, and test folders if they exist
shutil.rmtree(train_folder, ignore_errors=True)
shutil.rmtree(dev_folder, ignore_errors=True)
shutil.rmtree(test_folder, ignore_errors=True)

# Create the train, dev, and test folders
os.makedirs(train_folder, exist_ok=True)
os.makedirs(dev_folder, exist_ok=True)
os.makedirs(test_folder, exist_ok=True)

# Set the paths for train, dev, and test images and masks
train_images_folder = os.path.join(train_folder, "images", "img")
train_masks_folder = os.path.join(train_folder, "masks", "img")
dev_images_folder = os.path.join(dev_folder, "images", "img")
dev_masks_folder = os.path.join(dev_folder, "masks", "img")
test_images_folder = os.path.join(test_folder, "images", "img")
test_masks_folder = os.path.join(test_folder, "masks", "img")

# Create images and masks folders within train, dev, and test directories
```

```

# Create images and masks folders within train, dev, and test directories
os.makedirs(train_images_folder, exist_ok=True)
os.makedirs(train_masks_folder, exist_ok=True)
os.makedirs(dev_images_folder, exist_ok=True)
os.makedirs(dev_masks_folder, exist_ok=True)
os.makedirs(test_images_folder, exist_ok=True)
os.makedirs(test_masks_folder, exist_ok=True)

# Copy images and masks to the test set
test_start_index = 3977
test_end_index = 4903
for i in range(test_start_index, test_end_index + 1):
    image_filename = str(i) + ".jpg"
    mask_filename = str(i) + "s.jpg"
    image_src = os.path.join(raw_dataset_folder, "images", image_filename)
    mask_src = os.path.join(raw_dataset_folder, "masks", mask_filename)
    image_dest = os.path.join(test_images_folder, image_filename)
    mask_dest = os.path.join(test_masks_folder, mask_filename)
    if os.path.exists(image_src):
        shutil.copy(image_src, image_dest)
        shutil.copy(mask_src, mask_dest)

# Obtain the remaining images (excluding the ones copied to the test set)
remaining_images = []
for image in os.listdir(os.path.join(raw_dataset_folder, "images")):
    image_filename = image[:-4]
    if int(image_filename) < test_start_index or int(image_filename) > test_end_index:
        remaining_images.append(image)

```

```

# Randomly split the remaining images into train and dev sets
random.shuffle(remaining_images)
num_train = int(0.9 * len(remaining_images))
train_images = remaining_images[:num_train]
dev_images = remaining_images[num_train:]

# Copy train images and masks to the train set
for image in train_images:
    image_src = os.path.join(raw_dataset_folder, "images", image)
    mask_src = os.path.join(raw_dataset_folder, "masks", image[:-4] + "s.jpg")
    image_dest = os.path.join(train_images_folder, image)
    mask_dest = os.path.join(train_masks_folder, image[:-4] + "s.jpg")
    shutil.copy(image_src, image_dest)
    shutil.copy(mask_src, mask_dest)

# Move dev images and masks to the dev set
for image in dev_images:
    image_src = os.path.join(raw_dataset_folder, "images", image)
    mask_src = os.path.join(raw_dataset_folder, "masks", image[:-4] + "s.jpg")
    image_dest = os.path.join(dev_images_folder, image)
    mask_dest = os.path.join(dev_masks_folder, image[:-4] + "s.jpg")
    shutil.copy(image_src, image_dest)
    shutil.copy(mask_src, mask_dest)

print("Images and masks copied to train, dev, and test sets successfully.")

```

```

# Print the number of images and masks in each folder
train_num_images = len(os.listdir(train_images_folder))
train_num_masks = len(os.listdir(train_masks_folder))
dev_num_images = len(os.listdir(dev_images_folder))
dev_num_masks = len(os.listdir(dev_masks_folder))
test_num_images = len(os.listdir(test_images_folder))
test_num_masks = len(os.listdir(test_masks_folder))

print(f"Train set - Number of images: {train_num_images}, Number of masks: {train_num_masks}")
print(f"Dev set - Number of images: {dev_num_images}, Number of masks: {dev_num_masks}")
print(f"Test set - Number of images: {test_num_images}, Number of masks: {test_num_masks}")

```

Images and masks copied to train, dev, and test sets successfully.

Train set - Number of images: 177, Number of masks: 177

Dev set - Number of images: 20, Number of masks: 20

Test set - Number of images: 36, Number of masks: 36

در سلول زیر تابع اول، تصویر و ماسک را در کنار هم نمایش می‌دهد. برای این منظور، ابتدا یک **figure** جدید با دو **subplots** در نظر گرفته می‌شود. و تابع دوم، تصویر اصلی به همراه ماسک واقعی و ماسک پیش بینی شده را در کنار هم نمایش می‌دهد. برای این منظور، ابتدا **figure** جدید با سه **subplots** در نظر گرفته شد و **title** مناسب برای هر کدام در نظر گرفته شد.

```
def display_image_with_mask(image, mask):  
    fig, (ax1, ax2) = plt.subplots(1, 2, figsize=(10, 5))  
    ax1.imshow(image)  
    ax1.set_title('Image')  
    ax1.axis('off')  
    ax2.imshow(mask, cmap='gray')  
    ax2.set_title('Mask')  
    ax2.axis('off')  
    plt.show()  
  
def display_image_with_true_and_predicted_masks(image, true_mask, predicted_mask):  
    fig, (ax1, ax2, ax3) = plt.subplots(1, 3, figsize=(15, 5))  
    ax1.imshow(image)  
    ax1.set_title('Image')  
    ax1.axis('off')  
    ax2.imshow(true_mask, cmap='gray')  
    ax2.set_title('True Mask')  
    ax2.axis('off')  
    ax3.imshow(predicted_mask, cmap='gray')  
    ax3.set_title('Predicted Mask')  
    ax3.axis('off')  
    plt.show()
```

در تابع زیر، تصاویر تست را به همراه ماسک های واقعی و پیش بینی شده در کنار هم نمایش می‌دهد. برای این منظور، ابتدا تعداد تصاویر مورد نظر را محاسبه می‌کند و سپس تعداد سطر ها و ستون ها در نمودار را محاسبه می‌کند که در اینجا تعداد ستون ها ثابت است و برابر با ۳ است. سپس یک **figure** جدید با **subplots** به تعداد تصاویر ساخته می‌شود.

در ادامه، برای هر تصویر و ماسک متناظر، **axes** مربوطه را دریافت می‌کند. سپس تصویر اصلی را در **ax1** نمایش می‌دهد و عنوان **Image** را برای آن تعیین می‌کند. همچنین، ماسک واقعی را در **ax2** و ماسک پیش‌بینی شده را در **ax3** نمایش می‌دهد. عنوان **True Mask** و **Predicted Mask** به ترتیب برای آنها تعیین می‌شود.


```

def display_images_with_masks(images, true_masks, predicted_masks, titles=None):
    num_images = len(images)

    # Calculate the number of rows and columns in the plot
    num_rows = num_images
    num_cols = 3

    # Create the plot with subplots
    fig, axes = plt.subplots(num_rows, num_cols, figsize=(15, 5*num_images))

    # Iterate over each image and its corresponding masks
    for i in range(num_images):
        image = images[i]
        true_mask = true_masks[i]
        predicted_mask = predicted_masks[i]

        # Get the corresponding axes for the current row
        if num_rows > 1:
            ax1, ax2, ax3 = axes[i]
        else:
            ax1, ax2, ax3 = axes

        # Display the image
        ax1.imshow(image)
        ax1.set_title('Image')

        # Display the true mask
        ax2.imshow(true_mask, cmap='gray')
        ax2.set_title('True Mask')

        # Display the predicted mask

```

```

        # Display the true mask
        ax2.imshow(true_mask, cmap='gray')
        ax2.set_title('True Mask')

        # Display the predicted mask
        ax3.imshow(predicted_mask, cmap='gray')
        ax3.set_title('Predicted Mask')

        # Turn off the axis labels
        ax1.axis('off')
        ax2.axis('off')
        ax3.axis('off')

        # Set the title for the current row if provided
        if titles is not None:
            ax1.set_title(titles[i])

    # Adjust the spacing between subplots
    plt.tight_layout()

    # Show the plot
    plt.show()

```

تابع زیر، `accuracy` ماسک های واقعی و پیش بینی شده را محاسبه می کند و نمایش می دهد. ابتدا یک لیست برای ذخیره دقت تصویر ایجاد می شود.

سپس یک نمونه از `tf.keras.metrics.Accuracy` ایجاد می شود. در هر دوره از حلقه، برای هر ماسک واقعی و پیش بینی شده، دقت با استفاده از متدهای `update_state` ورودی های واقعی و پیش بینی شده را به روزرسانی می کند. سپس با استفاده از `numpy`، مقدار دقت را دریافت می کند و به لیست دقت ها اضافه می کند.

پس از پایان حلقه، `overall accuracy` محاسبه می شود با استفاده از `np.mean(accuracies)` که میانگین دقت همه تصاویر است. سپس دقت کلی را چاپ می کند.

پس از آن برای رسم نمودار دقت ها، ابتدا یک `figure` مشخص ایجاد می شود. سپس با استفاده از `plt.bar`، نمودار میله ای دقت برای هر تصویر را نمایش می دهد.

```
def plot_accuracies(true_masks, preds_masks):
    ... # Calculate accuracy for each image
    ... accuracies = []

    ... # Create an instance of tf.keras.metrics.Accuracy
    ... accuracy_metric = tf.keras.metrics.Accuracy()
    ... for i in range(len(true_masks)):
    ...     true_mask = true_masks[i]
    ...     pred_mask = preds_masks[i]

    ...     # Update the metric with the true and predicted labels
    ...     accuracy_metric.update_state(true_mask, pred_mask)
    ...     # Get the accuracy value
    ...     accuracy = accuracy_metric.result().numpy()

    ...     accuracies.append(accuracy)
    ...     print(f"Accuracy for image {i+1}: {round(accuracy*100, 2)}%")

    ... # Calculate the overall accuracy
    ... overall_accuracy = np.mean(accuracies)
    ... print(f"Overall accuracy: {round(overall_accuracy*100, 2)}%")

    ... # Plotting
    ... plt.figure(figsize=(8, 6))
    ... plt.bar(range(1, len(accuracies) + 1), accuracies)
    ... plt.axhline(overall_accuracy, color='red', linestyle='--', label=f'Overall Accuracy: {round(overall_accuracy*100, 2)}%')
    ... plt.xlabel('Image')
    ... plt.ylabel('Accuracy')
    ... plt.title('Accuracy for Each Image')
    ... plt.legend()
    ... plt.show()
```

تابع زیر، یک تصویر و یک ماسک را به عنوان ورودی دریافت می کند و تصویری را نشان می دهد که حاوی یک خط قرمز دور برگ است.

ابتدا تبدیل ماسک به سطح خاکستری با `np.uint8(mask)` را داریم. پس از آن تابع `gossi` را برای

هموارسازی اعمال می‌کنیم با Gaussian blur، سپس Laplacian اعمال می‌کنیم برای تشخیص لبه ها و dilation روی لبه ها اعمال می‌کنیم. dilation روی لبه های عکس به منظور تقویت و گسترش لبه ها انجام می‌شود. بعد از آن با استفاده از cv2.cvtColor تصویر RGB را از تصویر سطح خاکستری خطوط ترسیم شده ایجاد می‌کنیم و سپس برای پیکسل های غیر صفر خطوط ترسیم شده رنگ قرمز را تخصیص می‌دهیم. سپس تصویر dilated_edges_rgb را به نوع داده مانند تصویر اصلی تبدیل می‌کنیم و آن را به تصویر اصلی اضافه می‌کنیم و در آخر برگ با مرز ها و لبه های قرمز را نمایش می‌دهیم.

```
def display_masked_image_object_detection_style(image, mask):  
    ... '''This function draws a red line around the leaf'''  
    ... # Convert the mask to grayscale  
    ... mask = np.uint8(mask)  
  
    ... # Apply Gaussian blur to the mask to get smooth edges  
    ... blurred = cv2.GaussianBlur(mask, (5, 5), 0)  
  
    ... # Apply the Laplacian edge detection on the blurred mask  
    ... edges = cv2.Laplacian(blurred, cv2.CV_8U)  
  
    ... # Perform dilation on the edges  
    ... dilated_edges = cv2.dilate(edges, None, iterations=1)  
  
    ... # Create an RGB image from the dilated edges  
    ... dilated_edges_rgb = cv2.cvtColor(dilated_edges, cv2.COLOR_GRAY2RGB)  
    ... dilated_edges_rgb[dilated_edges > 0] = (255, 0, 0)  
  
    ... # Convert the dilated_edges_rgb to the same data type as image  
    ... dilated_edges_rgb = dilated_edges_rgb.astype(image.dtype)  
  
    ... # Add the dilated_edges_rgb image to the original image  
    ... output_image = cv2.addWeighted(image, 1, dilated_edges_rgb, 1, 0)  
  
    ... # Display the masked image  
    ... plt.imshow(output_image)  
    ... plt.axis('off')  
    ... plt.show()
```

در سلول زیر، انواع تنظیمات و هایپرپارامترهایی را که برای آموزش مدل استفاده می‌شوند، از جمله مسیر داده، اندازه ورودی، اندازه دسته، تعداد تکرارها، نرخ یادگیری و سایر پارامترهای مربوط به استفاده از Callback ها مشخص شد.

ابتدا مسیر داده های آموزش، اعتبارسنجی و تست را مشخص کردیم. این مسیر ها به پوشه هایی اشاره می‌کنند که داده های متناظر در آن قرار دارند. سپس اندازه تصاویر ورودی را مشخص کردیم که 256 در 256 پیکسل بود. BATCH_SIZE را 8 قرار دادیم که یعنی تعداد نمونه هایی که هر بار در طول آموزش به مدل داده

می‌شود. در اینجا، هر دسته شامل 8 تصویر است. $SEED = 42$ قرار دادیم که برای تولید اعداد تصادفی تنظیم می‌کند. $EPOCHS = 250$ که تعداد تکرار های کامل آموزش مدل را مشخص می‌کند و هر epoch شامل یک بار گذر کامل از داده های آموزش است. $STEPS_PER_EPOCH = 23$ که تعداد steps در هر تکرار را مشخص می‌کند. $LR = 0.0002$ قرار دادیم این مقدار نشان می‌دهد که چقدر یادگیری پارامترهای مدل در هر مرحله بهبود یابد.

$HIGHEST_ACC_FOR_CALL_BACK = 0.98$ قرار دادیم که بهترین accuracy مدل در هر آموزش را نشان می‌دهد.

```
TRAIN_PATH = '/content/leaf-segmentation/dataset/train'
DEV_PATH = '/content/leaf-segmentation/dataset/dev'
TEST_PATH = '/content/leaf-segmentation/dataset/test'
INPUT_SIZE = (256, 256)
BATCH_SIZE = 8
SEED = 42

EPOCHS = 250
STEPS_PER_EPOCH = 23
LR = 0.0002
HIGHEST_ACC_FOR_CALL_BACK = 0.98
```

در سلول زیر، data generator برای تبدیل تصاویر و ماسک ها به فرمت مناسب برای آموزش، اعتبارسنجی و تست مدل آماده شدند. علاوه بر آن، با استفاده از پارامترهای اضافی مانند horizontal_flip و vertical_flip، تصاویر و ماسک ها می‌توانند تغییرات جانبی مثل برگرداندن افقی یا عمودی را دریافت کنند که برای افزایش تنوع داده و بهبود عملکرد مدل مفید هست. همچنین، مقیاس دهی مقادیر پیکسل با استفاده از rescale به نرمال سازی داده ها کمک می‌کند تا مقیاس مقادیر پیکسل بین 0 و 1 قرار بگیرد.

```

# Create the ImageDataGenerator for train, dev, and test images and masks
train_image_data_gen = ImageDataGenerator(
    rescale=1.0 / 255.0,
    horizontal_flip=True,
    vertical_flip=True
)
train_mask_data_gen = ImageDataGenerator(
    rescale=1.0 / 255.0,
    horizontal_flip=True,
    vertical_flip=True
)
dev_image_data_gen = ImageDataGenerator(rescale=1.0 / 255.0)
dev_mask_data_gen = ImageDataGenerator(rescale=1.0 / 255.0)
test_image_data_gen = ImageDataGenerator(rescale=1.0 / 255.0)
test_mask_data_gen = ImageDataGenerator(rescale=1.0 / 255.0)

```

در ادامه، تنظیم تولیدکننده های داده برای آموزش، اعتبار سنجی و آزمون مدل است. این تولیدکننده ها، داده های تصویر و ماسک را از پوشه های مربوطه می خوانند و آنها را به صورت دسته هایی با اندازه و تنظیمات مشخص تبدیل می کنند. این دسته های تولید شده می توانند به عنوان ورودی به مدل آموزش داده شوند.

برای داده های train، shuffle تنظیم می شود تا برای تصادفی کردن ترتیب داده ها و ماسک ها grayscale تبدیل می شوند.

برای داده های تست نیازی به shuffle کردن نیست.

در ادامه ماسک های train و dev را باینری می کنیم. با تابع preprocess_mask به طوری که مقادیر بزرگ تر از 0 را یک می کنیم سپس به طور بولی آن را not می کنیم که یعنی محدوده مشکی و سفید آن برعکس می شوند.

سپس از توابع zip به منظور ایجاد ترکیبی از تصاویر و ماسک ها به صورت tuple استفاده می شود. هر tuple شامل یک تصویر و ماسک متناظر است.

```

▶ # Use the target size and class mode in the ImageDataGenerator for train images and masks
train_image_generator = train_image_data_gen.flow_from_directory(
    directory=os.path.join(TRAIN_PATH, 'images'),
    target_size=INPUT_SIZE,
    batch_size=BATCH_SIZE,
    class_mode=None,
    shuffle=True,
    seed=42
)

train_mask_generator = train_mask_data_gen.flow_from_directory(
    directory=os.path.join(TRAIN_PATH, 'masks'),
    target_size=INPUT_SIZE,
    batch_size=BATCH_SIZE,
    class_mode=None,
    color_mode='grayscale',
    shuffle=True,
    seed=42
)

# Use the target size and class mode in the ImageDataGenerator for dev images and masks
dev_image_generator = dev_image_data_gen.flow_from_directory(
    directory=os.path.join(DEV_PATH, 'images'),
    target_size=INPUT_SIZE,
    batch_size=BATCH_SIZE,
    class_mode=None,
    shuffle=True,
    seed=42
)

dev_mask_generator = dev_mask_data_gen.flow_from_directory(

```

```

▶ dev_mask_generator = dev_mask_data_gen.flow_from_directory(
    directory=os.path.join(DEV_PATH, 'masks'),
    target_size=INPUT_SIZE,
    batch_size=BATCH_SIZE,
    class_mode=None,
    color_mode='grayscale',
    shuffle=True,
    seed=42
)

# Use the target size and class mode in the ImageDataGenerator for test images and masks
test_image_generator = test_image_data_gen.flow_from_directory(
    directory=os.path.join(TEST_PATH, 'images'),
    target_size=INPUT_SIZE,
    batch_size=36,
    class_mode=None,
    shuffle=False # No need to shuffle test data
)

test_mask_generator = test_mask_data_gen.flow_from_directory(
    directory=os.path.join(TEST_PATH, 'masks'),
    target_size=INPUT_SIZE,
    batch_size=36,
    class_mode=None,
    color_mode='grayscale',
    shuffle=False # No need to shuffle test data
)

def preprocess_mask(mask):
    mask[mask > 0] = 1
    mask = np.logical_not(mask).astype(mask.dtype)
    return mask

```

```
def preprocess_mask(mask):
    mask[mask > 0] = 1
    mask = np.logical_not(mask).astype(mask.dtype)
    return mask

train_mask_generator = (preprocess_mask(mask) for mask in train_mask_generator)
dev_mask_generator = (preprocess_mask(mask) for mask in dev_mask_generator)

# Create the train, dev, and test generators
train_generator = zip(train_image_generator, train_mask_generator)
dev_generator = zip(dev_image_generator, dev_mask_generator)
test_generator = zip(test_image_generator, test_mask_generator)

Found 177 images belonging to 1 classes.
Found 177 images belonging to 1 classes.
Found 20 images belonging to 1 classes.
Found 20 images belonging to 1 classes.
Found 36 images belonging to 1 classes.
Found 36 images belonging to 1 classes.
```

در سلول زیر، ابتدا یک دسته تصادفی از تصاویر و ماسک ها از `train_generator` به دست می آید. سپس یک شماره اندیس تصادفی از تصاویر و ماسک ها در این دسته را انتخاب می کند. در نهایت، تصویر و ماسک متناظر با این شماره اندیس را از دسته تصادفی بدست می آورد.

```
# Get a random batch of images and masks from the train generator
images, masks = next(train_generator)

# Choose a random index from the batch
random_index = np.random.randint(0, len(images))

# Get the random image and its mask
image = images[random_index]
mask = masks[random_index]
```

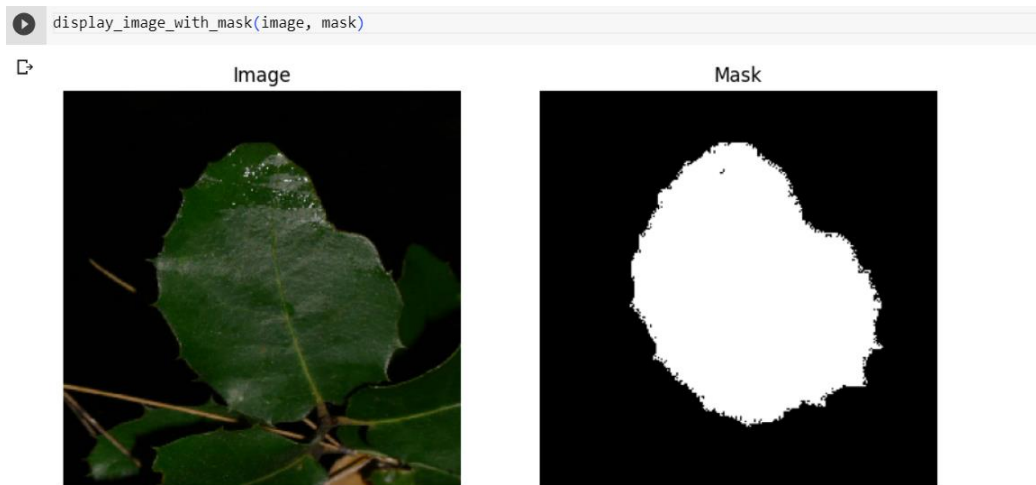
در سلول زیر، دو متغیر `image` و `mask` به ترتیب اندازه تصویر و ماسک را نشان می دهند.

خروجی این کد به صورت `(256,256,3)` این بدان معنی است که تصویر دارای ابعاد `256` در `256` پیکسل و با `3` کانال رنگ `RGB` است، در حالی که ماسک ابعاد `256` در `256` پیکسل را دارد و تنها دارای یک کانال (سطح خاکستری) است.

```
[ ] image.shape, mask.shape
```

```
((256, 256, 3), (256, 256, 1))
```

در سلول زیر با تابعی که پیشتر توضیح دادیم تصویر و ماسک باینری معکوس شده ی متناظر با آن را نشان می دهیم.



در سلول زیر با تابعی که پیشتر توضیح دادیم لبه های برگ را با رنگ قرمز مشخص کردیم.



در این پروژه از معماری U-net استفاده کردیم. معماری U-Net یک Convolutional Neural Network برای مسائل دسته بندی تصویر و تشخیص الگو است. این معماری از ساختاری با دو بخش اصلی تشکیل شده است Encoder و Decoder. در این معماری، اطلاعات تصویر از طریق لایه های کانولوشنال به سمت پایین جریان می یابد (Encoder) و سپس از طریق لایه های Transpose به سمت بالا جریان می یابد (Decoder). این ساختار نیرومند به شبکه اجازه می دهد تا اطلاعات دقیق مکانی تصویر را در فرآیند تشخیص الگو حفظ کند.

در سلول زیر، مدل U-Net را ایجاد می کنیم. ابتدا ابعاد ورودی را برای لایه ی ورودی مشخص می کنیم. در ساختار Encoder اعمال لایه های کانولوشن با 64 فیلتر و 128 فیلتر و 512 و 1024 فیلتر 3 در 3، روی لایه های قبلی با padding های متناظر و تابع فعالسازی ReLU را داریم و همچنین در لایه های MaxPooling را در ابعاد 2 در 2 اعمال کردیم.

در بخش Decoder لایه ها را concatenate می‌کنیم در هر مرحله تا آخر. عملیات upsample را در جهت عکس قبلی ادامه می‌دهیم.

به طور خلاصه، در سلول زیر مدل U-Net را تعریف کردیم که شامل لایه های کانولوشنال، لایه های حذف نمونه ها، لایه های upsample و لایه های ادغام است. خروجی نهایی آن با استفاده از تابع فعالسازی Sigmoid اعمال می‌شود.

تابع سیگموئید باعث تنظیم خروجی لایه های عصبی بین 0 و 1 می‌شود. وقتی ورودی تابع به مقدار بزرگی میل کند، خروجی نزدیک به 1 می‌شود، و وقتی ورودی به مقدار کوچکی میل کند، خروجی نزدیک به 0 می‌شود. این ویژگی باعث میشود تا تابع سیگموئید مناسب برای مسائل دسته‌بندی دو کلاسه و تبدیل خروجی به احتمال بین 0 و 1 باشد.

```
# Define the U-Net model
def unet(input_size):
    # Input layer
    inputs = Input(shape=input_size)

    # Encoder
    conv1 = Conv2D(64, 3, activation='relu', padding='same')(inputs)
    conv1 = Conv2D(64, 3, activation='relu', padding='same')(conv1)
    pool1 = MaxPooling2D(pool_size=(2, 2))(conv1)

    conv2 = Conv2D(128, 3, activation='relu', padding='same')(pool1)
    conv2 = Conv2D(128, 3, activation='relu', padding='same')(conv2)
    pool2 = MaxPooling2D(pool_size=(2, 2))(conv2)

    conv3 = Conv2D(256, 3, activation='relu', padding='same')(pool2)
    conv3 = Conv2D(256, 3, activation='relu', padding='same')(conv3)
    pool3 = MaxPooling2D(pool_size=(2, 2))(conv3)

    conv4 = Conv2D(512, 3, activation='relu', padding='same')(pool3)
    conv4 = Conv2D(512, 3, activation='relu', padding='same')(conv4)
    pool4 = MaxPooling2D(pool_size=(2, 2))(conv4)

    conv5 = Conv2D(1024, 3, activation='relu', padding='same')(pool4)
    conv5 = Conv2D(1024, 3, activation='relu', padding='same')(conv5)

    # Decoder
    up6 = UpSampling2D(size=(2, 2))(conv5)
    up6 = Conv2D(512, 2, activation='relu', padding='same')(up6)
    merge6 = concatenate([conv4, up6], axis=3)
    conv6 = Conv2D(512, 3, activation='relu', padding='same')(merge6)
    conv6 = Conv2D(512, 3, activation='relu', padding='same')(conv6)

    up7 = UpSampling2D(size=(2, 2))(conv6)
```

```

up7 = UpSampling2D(size=(2, 2))(conv6)
up7 = Conv2D(256, 2, activation='relu', padding='same')(up7)
merge7 = concatenate([conv3, up7], axis=3)
conv7 = Conv2D(256, 3, activation='relu', padding='same')(merge7)
conv7 = Conv2D(256, 3, activation='relu', padding='same')(conv7)

up8 = UpSampling2D(size=(2, 2))(conv7)
up8 = Conv2D(128, 2, activation='relu', padding='same')(up8)
merge8 = concatenate([conv2, up8], axis=3)
conv8 = Conv2D(128, 3, activation='relu', padding='same')(merge8)
conv8 = Conv2D(128, 3, activation='relu', padding='same')(conv8)

up9 = UpSampling2D(size=(2, 2))(conv8)
up9 = Conv2D(64, 2, activation='relu', padding='same')(up9)
merge9 = concatenate([conv1, up9], axis=3)
conv9 = Conv2D(64, 3, activation='relu', padding='same')(merge9)
conv9 = Conv2D(64, 3, activation='relu', padding='same')(conv9)

# Output layer
conv10 = Conv2D(1, 1, activation='sigmoid')(conv9)

# Create the model
model = Model(inputs=inputs, outputs=conv10)

return model

```

سلول زیر، مدل U-Net را ایجاد میکند با ورودی به اندازه INPUT_SIZE به همراه ۳ کانال برای تصاویر رنگی. تابع unet از قبل تعریف شده است و با دادن اندازه ورودی به آن، مدل U-Net را ساخته و بازگردانده میشود.

```

model = unet((INPUT_SIZE + (3,)))

```

در ادامه، تابع model.summary در Keras استفاده می‌شود تا جمع بندی جزئیات معماری مدل را نمایش دهد. خروجی این تابع شامل اطلاعات مربوط به هر لایه از مدل است و ترتیب اعمال آن ها و خروجی هر یک از این لایه ها است. در کل، مدل U-Net ما شامل ۲۲ لایه Conv2D، ۶ لایه UpSampling2D و ۴ لایه Concatenate است. تعداد کل پارامترهای قابل آموزش در مدل ۳۱,۰۳۱,۷۴۵ است.

```

model.summary()

```

خروجی سلول و شرح مختصر لایه ها:

Model: "model"

Layer (type)	Output Shape	Param #	Connected to
input_1 (InputLayer)	[(None, 256, 256, 3)]	0	[]
conv2d (Conv2D)	(None, 256, 256, 64)	1792	['input_1[0][0]']
conv2d_1 (Conv2D)	(None, 256, 256, 64)	36928	['conv2d[0][0]']
max_pooling2d (MaxPooling2D)	(None, 128, 128, 64)	0	['conv2d_1[0][0]']
conv2d_2 (Conv2D)	(None, 128, 128, 12 8)	73856	['max_pooling2d[0][0]']
conv2d_3 (Conv2D)	(None, 128, 128, 12 8)	147584	['conv2d_2[0][0]']
max_pooling2d_1 (MaxPooling2D)	(None, 64, 64, 128)	0	['conv2d_3[0][0]']
conv2d_4 (Conv2D)	(None, 64, 64, 256)	295168	['max_pooling2d_1[0][0]']
conv2d_5 (Conv2D)	(None, 64, 64, 256)	590080	['conv2d_4[0][0]']
max_pooling2d_2 (MaxPooling2D)	(None, 32, 32, 256)	0	['conv2d_5[0][0]']
conv2d_6 (Conv2D)	(None, 32, 32, 512)	1180160	['max_pooling2d_2[0][0]']
conv2d_6 (Conv2D)	(None, 32, 32, 512)	1180160	['max_pooling2d_2[0][0]']
conv2d_7 (Conv2D)	(None, 32, 32, 512)	2359808	['conv2d_6[0][0]']
max_pooling2d_3 (MaxPooling2D)	(None, 16, 16, 512)	0	['conv2d_7[0][0]']
conv2d_8 (Conv2D)	(None, 16, 16, 1024)	4719616	['max_pooling2d_3[0][0]']
conv2d_9 (Conv2D)	(None, 16, 16, 1024)	9438208	['conv2d_8[0][0]']
up_sampling2d (UpSampling2D)	(None, 32, 32, 1024)	0	['conv2d_9[0][0]']
conv2d_10 (Conv2D)	(None, 32, 32, 512)	2097664	['up_sampling2d[0][0]']
concatenate (Concatenate)	(None, 32, 32, 1024)	0	['conv2d_7[0][0]', 'conv2d_10[0][0]']
conv2d_11 (Conv2D)	(None, 32, 32, 512)	4719104	['concatenate[0][0]']
conv2d_12 (Conv2D)	(None, 32, 32, 512)	2359808	['conv2d_11[0][0]']
up_sampling2d_1 (UpSampling2D)	(None, 64, 64, 512)	0	['conv2d_12[0][0]']
conv2d_13 (Conv2D)	(None, 64, 64, 256)	524544	['up_sampling2d_1[0][0]']
concatenate_1 (Concatenate)	(None, 64, 64, 512)	0	['conv2d_5[0][0]', 'conv2d_13[0][0]']
conv2d_14 (Conv2D)	(None, 64, 64, 256)	1179904	['concatenate_1[0][0]']

```

conv2d_14 (Conv2D)      (None, 64, 64, 256) 1179904 ['concatenate_1[0][0]']
conv2d_15 (Conv2D)      (None, 64, 64, 256) 590080 ['conv2d_14[0][0]']
up_sampling2d_2 (UpSampling2D) (None, 128, 128, 25 0) ['conv2d_15[0][0]']
conv2d_16 (Conv2D)      (None, 128, 128, 12 131200) ['up_sampling2d_2[0][0]']
concatenate_2 (Concatenate) (None, 128, 128, 25 0) ['conv2d_3[0][0]',
                          'conv2d_16[0][0]']
conv2d_17 (Conv2D)      (None, 128, 128, 12 295040) ['concatenate_2[0][0]']
conv2d_18 (Conv2D)      (None, 128, 128, 12 147584) ['conv2d_17[0][0]']
up_sampling2d_3 (UpSampling2D) (None, 256, 256, 12 0) ['conv2d_18[0][0]']
conv2d_19 (Conv2D)      (None, 256, 256, 64 32832) ['up_sampling2d_3[0][0]']
concatenate_3 (Concatenate) (None, 256, 256, 12 0) ['conv2d_1[0][0]',
                          'conv2d_19[0][0]']
conv2d_20 (Conv2D)      (None, 256, 256, 64 73792) ['concatenate_3[0][0]']
conv2d_21 (Conv2D)      (None, 256, 256, 64 36928) ['conv2d_20[0][0]']
conv2d_22 (Conv2D)      (None, 256, 256, 1) 65 ['conv2d_21[0][0]']
Total params: 31,031,745
Trainable params: 31,031,745
Non-trainable params: 0

```

در سلول زیر، مدل با استفاده از بهینه ساز Adam، تابع هزینه `binary_crossentropy` و معیار موثر بودن را بر حسب `accuracy` کامپایل می‌شود.

`binary_crossentropy` یک معیار میزان خطا یا اشتباه برای مسائل دسته بندی دودویی است. این معیار برای مقایسه بین یک پیش بینی دسته بندی بین دو کلاس (مثلاً مثبت و منفی) و برچسب واقعی استفاده می‌شود. در حالت دسته بندی دودویی، برای هر نمونه داده، احتمالی بین 0 و 1 به عنوان خروجی مدل تولید می‌شود که نشان دهنده احتمال تعلق آن نمونه به یک کلاس (مثلاً کلاس مثبت) است. مقدار واقعی برچسب برای آن نمونه نیز 0 یا 1 است. برای محاسبه خطا یا اشتباه بین پیش بینی و برچسب واقعی، از `binary_crossentropy` استفاده می‌شود.

Adam در هر مرحله از آموزش مقادیر میانگین گرادیان و مقادیر مومنتوم را محاسبه می‌کند و از این دو به منظور بهبود سرعت و کیفیت بهینه سازی استفاده می‌کند. مقدار `learning rate` در Adam به صورت خودکار تطبیق می‌یابد و مقدار اولیه‌ی آن را برابر با هاپر پارامتری که تعریف کرده بودیم پیشتر قرار دادیم.

```

optimizer = Adam(learning_rate=LR)
model.compile(optimizer=optimizer, loss='binary_crossentropy', metrics=['accuracy'])

```

در سلول زیر، یک کلاس با نام `AccuracyCallback` تعریف شده که یک زیر کلاس از کلاس `Callback` در کتابخانه `Keras` است. این کلاس، یک عملکرد خاص بهینه سازی را برای استفاده در آموزش مدل تعریف می کند. در این کلاس، متد `on_epoch_end` تعریف شده است که در پایان هر اپاک آموزش فراخوانی می شود. این متد بررسی می کند که آیا دقت آموزش برابر یا بیشتر از یک مقدار ثابت به نام `HIGHEST_ACC_FOR_CALL_BACK` (پیشتر در هایپر پارامتر ها تعریف شد) است یا خیر. اگر دقت برابر یا بیشتر از این مقدار باشد، پیامی چاپ میشود که آموزش با دقت بالاتر از یک درصد به پایان رسیده است. سپس، به کمک ویژگی `stop_training` مدل، آموزش متوقف می شود.

```
class AccuracyCallback(Callback):
    def on_epoch_end(self, epoch, logs={}):
        if logs.get('accuracy') >= HIGHEST_ACC_FOR_CALL_BACK:
            print(f"\nTraining accuracy reached {HIGHEST_ACC_FOR_CALL_BACK}%!")
            self.model.stop_training = True
callback = AccuracyCallback()
```

در ادامه، آموزش مدل انجام می شود. تابع در `Keras` برای آموزش مدل با داده های آموزش و اعتبار سنجی استفاده می شود.

در این کد، متد `fit` بر روی مدل `model` فراخوانی می شود. پارامترهای ورودی آن در سلول های پیشین تا به اینجا تعریف شده و به این متد پاس داده می شود:

نتیجه اجرای تابع `fit` در متغیر `history` ذخیره می شود که شامل اطلاعاتی مانند مقادیر تابع هزینه و معیارهای عملکرد (مانند دقت) در طول آموزش و اعتبار سنجی است.

```
[ ] history = model.fit(train_generator, steps_per_epoch=STEPS_PER_EPOCH, epochs=EPOCHS, validation_data=dev_generator, validation_steps=STEPS_PER_EPOCH, verbose=1, callbacks=[callback])
23/23 [=====] - 16s 692ms/step - loss: 0.1819 - accuracy: 0.9316 - val_loss: 0.1576 - val_accuracy: 0.9372
Epoch 41/250
23/23 [=====] - 17s 763ms/step - loss: 0.1639 - accuracy: 0.9392 - val_loss: 0.1207 - val_accuracy: 0.9577
Epoch 42/250
23/23 [=====] - 17s 763ms/step - loss: 0.1611 - accuracy: 0.9415 - val_loss: 0.1417 - val_accuracy: 0.9469
Epoch 43/250
23/23 [=====] - 17s 764ms/step - loss: 0.1631 - accuracy: 0.9435 - val_loss: 0.1347 - val_accuracy: 0.9527
Epoch 44/250
23/23 [=====] - 17s 763ms/step - loss: 0.1788 - accuracy: 0.9333 - val_loss: 0.1264 - val_accuracy: 0.9589
Epoch 45/250
23/23 [=====] - 17s 765ms/step - loss: 0.1559 - accuracy: 0.9442 - val_loss: 0.1867 - val_accuracy: 0.9237
Epoch 46/250
23/23 [=====] - 16s 691ms/step - loss: 0.1785 - accuracy: 0.9330 - val_loss: 0.1486 - val_accuracy: 0.9473
Epoch 47/250
23/23 [=====] - 17s 764ms/step - loss: 0.1758 - accuracy: 0.9361 - val_loss: 0.1377 - val_accuracy: 0.9504
Epoch 48/250
23/23 [=====] - 16s 689ms/step - loss: 0.1595 - accuracy: 0.9418 - val_loss: 0.1363 - val_accuracy: 0.9477
Epoch 49/250
23/23 [=====] - 17s 761ms/step - loss: 0.1629 - accuracy: 0.9407 - val_loss: 0.1055 - val_accuracy: 0.9609
Epoch 50/250
23/23 [=====] - 17s 761ms/step - loss: 0.1708 - accuracy: 0.9300 - val_loss: 0.1274 - val_accuracy: 0.9547
```

سلول زیر، برای اتصال به سیستم فایل Google Drive در محیط Google Colab استفاده می‌شود. با استفاده از این کد، میتوانید به درایو Google خود دسترسی پیدا کنید و فایلها و دادههای موجود در آن را استفاده کنید.

```
from google.colab import drive
drive.mount('/content/drive')
```

Mounted at /content/drive

سلول زیر برای ذخیره کردن مدل آموزش دیده شده در یک فایل با فرمت H5 استفاده می‌شود. مدل آموزش دیده شده توسط `model.save` در مسیر مشخص شده (`content/drive/MyDrive/leaf-/\segmentation/model.h5`) ذخیره می‌شود و می‌توانید از آن در زمان های بعدی استفاده کنید چوت `train` کردن مدل زمان بر هست و داشتن وزن های سیو شده برای ران کردن های بعدی مفید و بهینه تر است.

```
model.save('/content/drive/MyDrive/leaf-segmentation/model.h5')
```

در سلول زیر از Google Drive وزن ها دانلود می‌شوند(بعد از اولین بار اجرا نیازی به اجرای 3 سلول قبل نیست و مستقیما از همین سلول با لینک درایو وزن ها دانلود می‌شود) و پس از آن وزن ها دانلود شده را در سلول بعدی `load` می‌کنیم.

```
[ ] !gdown --id 1-3JVZV02E-Ki00YXskkiRpxV8nLv1aCZ
/usr/local/lib/python3.10/dist-packages/gdown/cli.py:121: FutureWarning: Option '--id' was deprecated in version 4.3.1 and will be removed in 5.0. You don't need to pass it anymore to warnings.warn()
Downloading...
From: https://drive.google.com/uc?id=1-3JVZV02E-Ki00YXskkiRpxV8nLv1aCZ
To: /content/model.h5
100% 373M/373M [00:04<00:00, 75.3MB/s]

[ ] model.load_weights('/content/model.h5')
```

در سلول زیر برای بهتر شدن نتایج عملیات مورفولوژی روی ماسک های پیش بینی شده اعمال می‌کنیم. عملیات مورفولوژی برای بهبود ماسکهای باینری استفاده میشود و شامل دو مرحله اصلی است: `Opening` و `Closing`.

عملیات Morphological Opening ابتدا اجرا می‌شود. این کار با کم کردن اجزای ریز و اضافی و تمیز کردن ماسک، میتواند نویزهای کوچک را حذف کند و اجزای مهم تر را حفظ کند.

سپس عملیات Morphological Closing انجام می‌شود. با انجام این عملیات، تلاش می‌شود جزئیات کوچکی که در عملیات Opening از بین رفته بودند، بازیابی شوند و ماسک بهبود یافته نقاط ناهموار را صافتر نمایش دهد.

سپس با استفاده از عملیات پرکردن fill، مناطقی که از دست رفته اند یا تخریب شده اند بهبود یافته و تکمیل می‌شوند. این کار باعث ایجاد حاشیه های یکپارچه تر و بهبود شکل ماسک می‌شود.

در نهایت، ماسک های بهبود یافته با ابعاد مشابه ماسک های اولیه برگردانده می‌شوند. این ماسک های بهبود یافته میتوانند دقت و کیفیت نتایج نهایی را افزایش دهند، به خصوص در مواردی که مدل برای شناسایی جزئیات ریز به مشکل می‌خورد یا نویزهایی در ماسک ها وجود دارد.

در کد تابع apply_morphological_operations این کار را انجام می‌دهد. ورودی این تابع ماسک های پیش بینی شده است. که یک آرایه ی چهار بعدی است با ابعاد (n, height, width, 1) که n تعداد ماسک های پیش بینی شده است.

```
def apply_morphological_operations(preds_masks):
    n = preds_masks.shape[0]
    output_masks = np.zeros_like(preds_masks)

    for i in range(n):
        pred_mask = preds_masks[i, :, :, 0]

        # Convert mask to uint8
        pred_mask = np.uint8(pred_mask)

        # Apply morphological open on the mask
        kernel = np.ones((7, 7), dtype=np.uint8)
        opened_mask = cv2.morphologyEx(pred_mask, cv2.MORPH_OPEN, kernel=kernel)
        closed_mask = cv2.morphologyEx(opened_mask, cv2.MORPH_CLOSE, kernel=kernel)

        # Fill the opened mask
        filled_mask = closed_mask.copy()
        height, width = filled_mask.shape[:2]
        seed_point = (0, 0) # Seed point for flood fill
        cv2.floodFill(filled_mask, None, seed_point, 255)

        # Set all the pixels to 1 where the filled mask has a value of 255
        filled_mask = np.where(filled_mask == 255, 1, 0)

        # Expand dimensions to match the original shape
        pred_mask_improved = np.expand_dims(filled_mask, axis=-1)

        output_masks[i] = pred_mask_improved

    return output_masks
```

در سلول زیر، برای استفاده از نتایج پیشبینی، یک آستانه **threshold** مشخص می‌شود (در اینجا 0.5). سپس مقادیر پیشبینی شده در **preds_masks** با آستانه مقایسه می‌شوند. اگر یک مقدار بزرگتر یا مساوی آستانه باشد، به آن مقدار 1 اختصاص داده می‌شود، و در غیر این صورت به آن مقدار 0 اختصاص داده می‌شود. به این ترتیب، مقادیر پیشبینی شده به صورت دودویی (بین 0 و 1) تبدیل میشوند، که به عنوان ماسک های پیش‌بینی استفاده می‌شوند.

```
# Get a batch of validation images and masks
test_images, test_masks = next(test_generator)

# Make predictions
preds_masks = model.predict(test_images)

# Threshold the predictions
threshold = 0.5
preds_masks[preds_masks >= threshold] = 1
preds_masks[preds_masks < threshold] = 0
```

2/2 [=====] - 14s 8ms/step

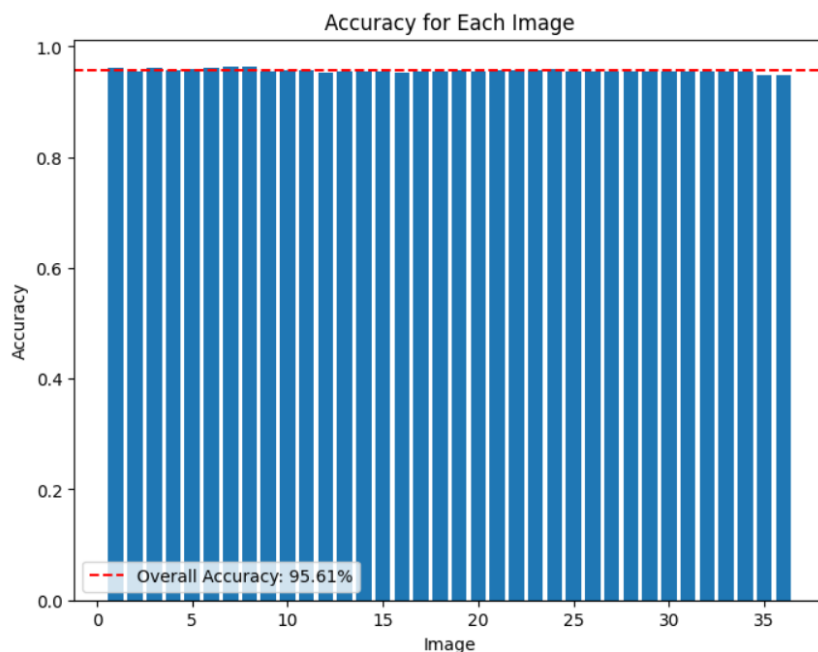
در مرحله بعد با اعمال تابعی که برای عملیات مورفولوژی بود روی ماسک های پیش بینی شده نتایج را بهتر می‌کنیم.

```
[ ] preds_masks_improved = apply_morphological_operations(preds_masks)
```

و در سلول زیر دقت را بر حسب نمودار میله‌ای نمایش می‌دهیم. (این تابع پیشتر تعریف شده بود و از آن اینجا استفاده می‌کنیم)

ابتدا دقت برای هر تصویر را رسم می‌کنیم و دقت کل با خطوط قرمز روی نمودار نشان داده شده است که

95.61% شده است.



در سلول زیر فهرستی از نامهای فایل‌های موجود در مسیر تست را دریافت می‌کنیم و آن‌ها را مرتب می‌کنیم و

در متغیر `file_names` ذخیره می‌کنیم.

```
file_names = os.listdir('/content/leaf-segmentation/dataset/test/images/img')  
file_names = sorted(file_names)
```

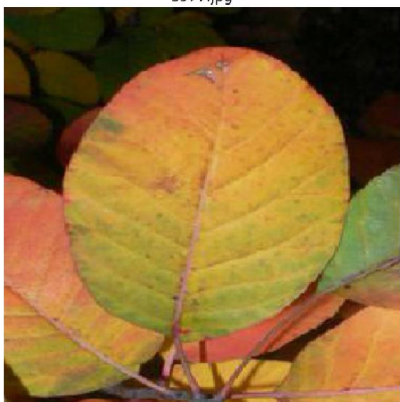
در ادامه تصاویر اصلی برای تست و ماسک‌های متناظر با آن‌ها و ماسک‌های پیش‌بینی شده برای آن‌ها را نشان

می‌دهیم که تابع این هم پیشتر تعریف شده بود.

چند تا از خروجی‌ها را در ادامه در این گزارش نمایش می‌دهیم.



3977.jpg



4015.jpg

True Mask



Predicted Mask



True Mask

Predicted Mask



4120.jpg



4131.jpg

True Mask



True Mask

Predicted Mask



Predicted Mask



4151.jpg



4144.jpg

True Mask



True Mask

Predicted Mask



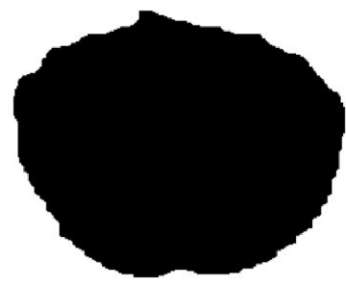
Predicted Mask



4301.jpg



True Mask



Predicted Mask



4903.jpg



True Mask



Predicted Mask



4899.jpg



True Mask



Predicted Mask



4888.jpg



True Mask



Predicted Mask



4835.jpg



True Mask



Predicted Mask

←



4635.jpg



True Mask



Predicted Mask

←



4635.jpg



True Mask



Predicted Mask