

## **Module ED : « Barcode ADN et taxonomie moléculaire »**

**Date : du 7 au 11 janvier 2008**

**Responsable : Sarah Samadi, IRD**

Muséum National d'Histoire Naturelle  
UMR 7138 CNRS-IRD-MNHN-UPMC (USM 603)  
Département Systématique et Evolution  
Case postale 26, 57 Rue Cuvier  
F-75231 PARIS CEDEX 05

*adresse bureau: 43 rue Cuvier, 3ième étage*

*e-mail : sarah@mnhn.fr      tel : 33 1 40 79 37 59      fax : 33 140 79 38 44*

**Lieu : Bâtiment de la Baleine Salle de cours – Baleine3**

---

**7 janvier 2008**

**A – Qu'est-ce que le « barcoding » : 10h – 12h30**

Sarah Samadi.

10h – Introduction : exploration et conservation de la biodiversité au 21<sup>ème</sup> siècle : enjeux et obstacles.

11h30 – Eric Pasquet.

Le consortium barcode of life et les initiatives associées.

**B – Les concepts et méthodes sous-jacentes aux projets de Barcoding : 14h – 16h**

Sarah Samadi

a) Le concept d'espèces et les méthodes de délimitations des espèces.

b) Lien entre recherche taxonomique et expertise taxonomique.

---

**8 janvier 2008**

**A – Les Standards du Barcoding : 10h – 13h**

10h – Line Legall

Les « standards » du Barcode. I – Choix des gènes.

11h30 – Nicolas Puillandre.

Les « standards » du Barcode. II – Lier les caractères moléculaires aux spécimens  
(Base de données et standard de récoltes)

**B – les méthodes d'analyses : 14h – 17h**

14h – Frédéric Austerlitz

Comparaison des méthodes phylogénétiques et de classification automatique pour le code-barre ADN.

15h30 – Raphaël Leblois

Généraliser les approches de génétique des populations aux espèces.

**9 janvier 2008****Les initiatives du Barcode of Life (IBOL) : 10h – 12h30 / 14h – 17h**

10h – Eric Pasquet.

ABBI et lien avec les questions appliquées.

11h – Jean-Yves Rasplus.

Barcoding chez les insectes et questions appliquées.

14h – Line Legall.

Barcoding chez les algues.

15h30 – Guillaume Lecointre.

FishBol et ses applications.

---

---

**10 janvier 2008****Barcoding et alpha-taxonomie 10h – 13h / 14h30 – 17h**

10h – Christophe Douady

Apports des approches moléculaires à la phylogéographie et à délimitation d'espèces de crustacés aquatiques sous-terrains.

11h30 – Stéphane Grosjean

Lier les phases des cycles de vie, exemples chez les amphibiens.

14h30 – Nicolas Puillandre, Julien Lorion & Magalie Castelin :

Le Barcode, un outil d'aide à la production des données en alpha-taxonomie : exemples chez les mollusques.

---

---

**11 janvier 2008****A – Analyses des données du Barcode et ressources internet. 10h – 13h**

10h – Line Legall

La base de données BOLD et les outils d'identifications.

**B – Les perspectives ouvertes par le Barcoding. 14h – 17h**

14h – Anouk Barberousse

Projet exploratoire et idées nouvelles en science : cas du séquençage des génomes complets.

15h30 – Discussion.