dendrograma teste

```
library(ggplot2)
library(ggdendro)

source("D:/Documents/Trabalhos_Mensuracao/nativas/matrizSimilaridade.R")

inv <- read.csv("D:/Documents/Trabalhos_Mensuracao/nativas/cauaxi_parc10000m2.csv")

ms1 <- as.data.frame(m.similaridade(inv, "nome.cient", "transecto")[[1]])

# coloquei as parcelas como nome da matriz de similaridade,
# para que as parcelas apareçam no dendrograma
names(ms1) <- levels( inv[,"transecto"] )

ms1_hclust <- hclust(as.dist(ms1) ) #?

ggdendrogram(ms1_hclust)</pre>
```

