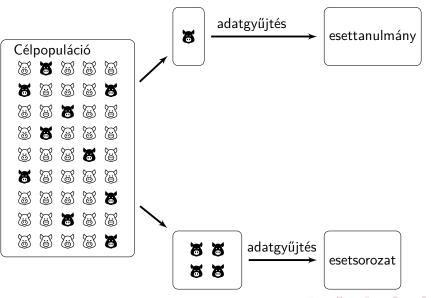
Asszociációs mértékek

Solymosi Norbert

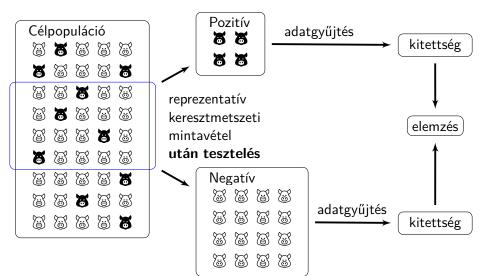
Kvantitatív állatorvosi epidemiológia Járványtani és Mikrobiológiai Tanszék Állatorvostudományi Egyetem

- leíró epidemiológia (eddig)
- analitikus epidemiológia
 - a feltételezett oksági tényező és a betegség közötti összefüggést vizsgálja a populációban
 - abszolút és relatív asszociációs mértékek segítségével fejezzük ki, hogy a kitettség milyen mértékben változtatja a betegség megjelenését
- típusai
 - klinikai vizsgálatok
 - megfigyeléses vizsgálatok
 - keresztmetszeti az egyedek kitettségi vagy egészségi állapotuktól függetlenül kerülnek a mintába
 - eset-kontroll az egyedek egészségi állapotuk alapján kerülnek a mintába
 - kohorsz az egyedek kitettségük alapján kerülnek a mintába
 - prospektív vagy retrospektív

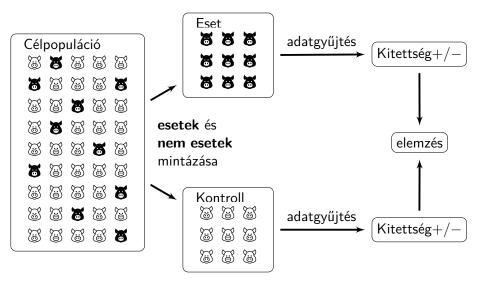
Esettanulmányok és esetsorozatok



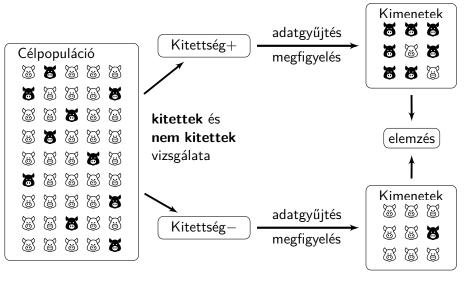
Keresztmetszeti vizsgálatok



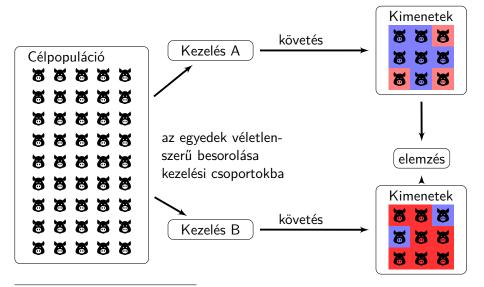
Eset-kontroll vizsgálatok



Kohorsz vizsgálatok



Randomizált klinikai (kontrollált) vizsgálatok



Összefüggés?

- Lyme borreliózis
 - fertőzött várandósok között a születési rendellenességek gyakoriságát befolyásolja-e az antibiotikum-kezelés?(Lakos and Solymosi, 2010)
 - az életkor hogyan és milyen mértékben függ össze a szeropozitivitással?(Lakos et al., 2012)
- Dirofilaria
 - a melegebb területeken nagyobb a D. immitis vagy D. repens fertőzöttség mértéke?(Farkas et al., 2020)
- Endoscopic retrograde cholangiopancreatography
 - a ERCP után kialakuló pankreatitisz esélyét milyen mértékben csökkenti az indomethacin rektális alkalmazása?(Patai et al., 2015)
- Halvaszületés
 - az első ellés során nagyobb a halvaszületés esélye?(Szenci et al., 2018)
- COVID-19
 - a COVID-19 betegek felgyógyulására van-e hatása a túlsúlynak?(Nakeshbandi et al., 2020)

Kitettség

- Lyme borreliózis
 - fertőzött várandósok között a születési rendellenességek gyakoriságát befolyásolja-e az antibiotikum-kezelés?
 - az életkor hogyan és milyen mértékben függ össze a szeropozitivitással?
- Dirofilaria
 - a melegebb területeken nagyobb a D. immitis vagy D. repens fertőzöttség mértéke?
- Endoscopic retrograde cholangiopancreatography
 - a ERCP után kialakuló pankreatitisz esélyét milyen mértékben csökkenti az indomethacin rektális alkalmazása?
- Halvaszületés
 - az első ellés során nagyobb a halvaszületés esélye?
- COVID-19
 - a COVID-19 betegek felgyógyulására van-e hatása a túlsúlynak?

Kimenet

- Lyme borreliózis
 - fertőzött várandósok között a születési rendellenességek gyakoriságát befolyásolja-e az antibiotikum-kezelés?
 - az életkor hogyan és milyen mértékben függ össze a szeropozitivitással?
- Dirofilaria
 - a melegebb területeken nagyobb a D. immitis vagy D. repens fertőzöttség mértéke?
- Endoscopic retrograde cholangiopancreatography
 - a ERCP után kialakuló pankreatitisz esélyét milyen mértékben csökkenti az indomethacin rektális alkalmazása?
- Halvaszületés
 - az első ellés során nagyobb a halvaszületés esélye?
- COVID-19
 - a COVID-19 betegek felgyógyulására van-e hatása a túlsúlynak?

- Lyme borreliózis
 - fertőzött várandósok között a születési rendellenességek gyakoriságát befolyásolja-e az antibiotikum-kezelés?
 - az életkor hogyan és milyen mértékben függ össze a szeropozitivitással?
- Dirofilaria
 - a melegebb területeken nagyobb a D. immitis vagy D. repens fertőzöttség mértéke?
- Endoscopic retrograde cholangiopancreatography
 - a ERCP után kialakuló pankreatitisz esélyét milyen mértékben csökkenti az indomethacin rektális alkalmazása?
- Halvaszületés
 - az első ellés során nagyobb a halvaszületés esélye?
- COVID-19
 - a COVID-19 betegek felgyógyulására van-e hatása a túlsúlynak?
- ha azonosítani tudunk a kimenettel kapcsolatba hozható tényezőket, az támpontot jelenthet további vizsgálatok irányába (még ha nem is ismertük meg a pontos oktant)
- ha a kockázatot tudjuk kezelni, a betegség kezelésére is van esélyünk

	Betegség+	Betegség–	Σ
Kitettség+	a	b	a + b
Kitettség-	c	d	c+d
Σ	a+c	b+d	a+b+c+d

	Betegség+	Betegség-	\sum
Kitettség+	a	b	a+b
Kitettség–	c	d	c+d
Σ	a + c	b+d	a+b+c+d

A betegség kockázata a kitett csoportban:

$$R_{E+} = \frac{a}{a+b}$$

	Betegség+	Betegség-	\sum
Kitettség+	a	b	a + b
Kitettség–	c	d	c+d
Σ	a + c	b+d	a+b+c+d

A betegség kockázata a nem kitett csoportban:

$$R_{E-} = \frac{c}{c+d}$$

	Betegség+	Betegség-	\sum
Kitettség+	a	b	a+b
Kitettség–	c	d	c+d
Σ	a+c	b+d	a+b+c+d

A betegség kockázata a teljes populációban:

$$R_T = \frac{a+c}{a+b+c+d}$$

Nakeshbandi et al. (2020) a túlsúlynak a COVID-19 kimenetre vonatkozó hatását vizsgálta (kohorsz).

- a 139 normál testsúlyú beteg közül 51 halt meg
- a 150 túlsúlyos beteg közül 81 halt meg
- van kapcsolat a túlsúly és a halálozás között?
- ha van, akkor milyen erősségű?

Nakeshbandi et al. (2020) a túlsúlynak a COVID-19 kimenetre vonatkozó hatását vizsgálta (kohorsz).

- a 139 normál testsúlyú beteg közül 51 halt meg
- a 150 túlsúlyos beteg közül 81 halt meg
- van kapcsolat a túlsúly és a halálozás között?
- ha van, akkor milyen erősségű?

	Halál+	Halál—	Σ
Túlsúlyos	81	69	150
Normál ———	51	88	139
\sum	132	157	289

$$R_{E+} = \frac{81}{150} = 540 \text{ eset } / 1000$$

$$R_{E-} = \frac{51}{139} = 367 \text{ eset } / \text{ 1000}$$

$$R_T = \frac{132}{289} = 457 \text{ eset } / 1000$$

Van kapcsolat a túlsúly és a halálozás között?

- a 139 normál testsúlyú beteg közül 51 halt meg
- a 150 túlsúlyos beteg közül 81 halt meg
- az incidencia-kockázat a túlsúlyos betegek között $R_{E+}=81/150=540$ eset per 1000

Van kapcsolat a túlsúly és a halálozás között?

- a 139 normál testsúlyú beteg közül 51 halt meg
- a 150 túlsúlyos beteg közül 81 halt meg
- az incidencia-kockázat a túlsúlyos betegek között $R_{E+}=81/150=540$ eset per 1000
- Ha az R_{E+} , R_{E-} és R_T értékeket meghatároztuk, különböző asszociációs mértékeket számolhatunk ki
- Fő típusaik:
 - hatásmértékek
 - összhatás-mértékek
 - terápiás hatás mértékei
 - az összefüggés erősségének mértékei

Felróható kockázat: a kitettek közötti incidencia-kockázatnak az a része, ami a kitettségnek tulajdonítható

$$AR = R_{E+} - R_{E-}$$

Felróható kockázat: a kitettek közötti incidencia-kockázatnak az a része, ami a kitettségnek tulajdonítható

$$AR = R_{E+} - R_{E-}$$

	Halál+	Halál—	\sum	. 81
Túlsúlyos	81	69	150	$R_{E+} = rac{31}{150} = 540 ext{ eset } / ext{ 1000}$
Normál	51	88	139	
Σ	132	157	289	$R_{E-} = \frac{51}{139} = 367 \text{ eset } / 1000$
				100

$$AR = 540 - 367 = 173 \ {\rm eset} \ / \ 1000$$

Felróható kockázat: a kitettek közötti incidencia-kockázatnak az a része, ami a kitettségnek tulajdonítható

$$AR = R_{E+} - R_{E-}$$

	Halál+	Halál—	\sum	. 81
Túlsúlyos	81	69	150	$R_{E+} = \frac{61}{150} = 540 \text{ eset } / 1000$
Normál	51	88	139	
Σ	132	157	289	$R_{E-} = rac{51}{139} = 367 \; { m eset} \; / \; 1000$

$$R_{E-} = \frac{139}{139} = 367 \text{ eset } / 1000$$

$$AR = 540 - 367 = 173 \text{ eset } / 1000$$

- a COVID-19 betegek között a túlsúlynak tulajdonítható (1000 főre vonatkoztatott) 173 haláleset
- a betegség kitettségnek megfeleltethető esetszám-növekményének abszolút értékét adja meg

attributable risk, AR QEpi (2023)

Felróható hányad: a kitettségnek felróható betegek részaránya a kitettek között

$$AF = \frac{R_{E+} - R_{E-}}{R_{E+}}$$

Felróható hányad: a kitettségnek felróható betegek részaránya a kitettek között

$$AF = \frac{R_{E+} - R_{E-}}{R_{E+}}$$

	Halál+	Halál—	\sum	. 81
Túlsúlyos	81	69	150	$R_{E+} = \frac{81}{150} = 540 \text{ eset } / \text{ 1000}$
Normál	51	88	139	
Σ	132	157	289	$R_{E-} = rac{51}{139} = 367 \; { m eset} \; / \; 1000$
		AF =	$\frac{540 - }{540}$	$\frac{367}{0} = 0.32$

Felróható hányad: a kitettségnek felróható betegek részaránya a kitettek között

$$AF = \frac{R_{E+} - R_{E-}}{R_{E+}}$$

	Halál+	Halál—	Σ	81
Túlsúlyos	81	69	150	$R_{E+} = \frac{51}{150} = 540 \text{ eset } / 1000$
Normál	51	88	139	
Σ	132	157	289	$R_{E-} = \frac{51}{139} = 367 \text{ eset } / 1000$

$$AF = \frac{540 - 367}{540} = 0.32$$

- a kitett betegek kitettségből származtatható részaránya
- a túlysúlyosak közti halálozás 32%-a tulajdonítható a túlsúlynak

Populációs felróható kockázat: a kitettségnek felróható incidencia-kockázat a teljes populációban

$$PAR = R_T - R_{E-}$$

Populációs felróható kockázat: a kitettségnek felróható incidencia-kockázat a teljes populációban

$$PAR = R_T - R_{E-}$$

	Halál+	Halál—	\sum	51
Túlsúlyos	81	69	150	$R_{E-} = rac{61}{139} = 367 \; { m eset} \; / \; 1000$
Normál	51	88	139	100
Σ	132	157	289	$R_T = \frac{132}{289} = 457 \text{ eset } / 1000$

$$PAR = 457 - 367 = 90 \text{ eset } / 1000$$

Populációs felróható kockázat: a kitettségnek felróható incidencia-kockázat a teljes populációban

$$PAR = R_T - R_{E-}$$

	Halál+	Halál—	Σ	51
Túlsúlyos	81	69	150	$R_{E-} = \frac{31}{139} = 367 \text{ eset } / 1000$
Normál	51	88	139	
Σ	132	157	289	$R_T = \frac{132}{289} = 457 \text{ eset } / 1000$

$$PAR = 457 - 367 = 90 \text{ eset } / 1000$$

• a COVID-19 betegek között a halálozás kockázatából 90 eset (1000 főre vetítve) tulajdonítható a túlsúlynak (PAR=0.09)

Populációs felróható hányad: a betegség populációbeli, a kitettségnek felróható részaránya

$$PAF = \frac{R_T - R_{E-}}{R_T}$$

Populációs felróható hányad: a betegség populációbeli, a kitettségnek felróható részaránya

$$PAF = \frac{R_T - R_{E-}}{R_T}$$

	Halál+	Halál—	Σ	51
Túlsúlyos	81	69	150	$R_{E-} = \frac{31}{139} = 367 \text{ eset } / 1000$
Normál	51	88	139	100
Σ	132	157	289	$R_T = \frac{132}{289} = 457 \text{ eset } / \text{ 1000}$
			457 -	

$$PAF = \frac{457 - 367}{457} = 0.20$$

Populációs felróható hányad: a betegség populációbeli, a kitettségnek felróható részaránya

$$PAF = \frac{R_T - R_{E-}}{R_T}$$

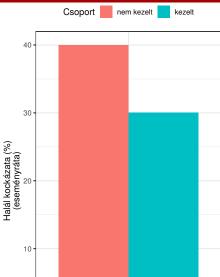
	Halál+	Halál—	Σ	51
Túlsúlyos	81	69	150	$R_{E-} = \frac{31}{139} = 367 \text{ eset } / 1000$
Normál	51	88	139	
Σ	132	157	289	$R_T = \frac{132}{289} = 457 \; { m eset} \; / \; 1000$

$$PAF = \frac{457 - 367}{457} = 0.20$$

- annak a valószínűsége, hogy a populációból véletlenszerűen kiválasztott egyed a kitettség következtében beteg
- a COVID-19 betegek között a halálozások 20%-a tulajdonítható a túlysúlynak

ロト 4月ト 4 三ト 4 三 ト 9 0 0 0

- Hogyan határozhatjuk meg egy új gyógyszer hatását?
- Eseményráta (event rate) a populációban az eseménnyel érintett egyedek részaránya
- Abszolút kockázatcsökkenés (absolute risk reduction, ARR) a kontroll és a kezelt eseményráta különbsége;
- Abszolút kockázatnövekedés (absolute risk increase, ARI) a kezelt és a kontroll eseményráta különbsége;
- Relatív kockázatcsökkenés (relative risk reduction, RRR) két csoport eseményrátáinak különbsége a nem kezelt csoport eseményráta részarányaként kifejezve
- Kezelési minimum (number needed to treat, NNT) azoknak a betegeknek a száma, akiknek részesülnie kell a kezelésben, hogy egyiküknél kedvező eredményt kapjunk (NNT=1/ARR)
- Ártalmi minimum (number needed to harm, NNH) azoknak a betegeknek a száma, akiknek részesülnie kell a kezelésben, hogy egyiküknél kedvezőtlen eredményt kapjunk (NNH=1/ARI)



Tegyük fel, hogy egy új gyógyszer hatását vizsgáljuk **magas kockázatú** (pl. idős férfiak) COVID-19 betegek között

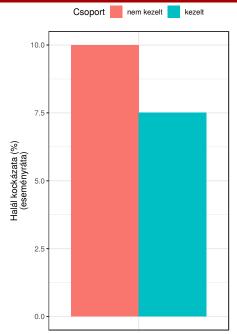
Abszolút kockázatcsökkenés:

$$0.4 - 0.3 = 0.1$$

Relatív kockázatcsökkenés:

$$\frac{0.4 - 0.3}{0.4} = \frac{0.1}{0.4} = 0.25$$

0



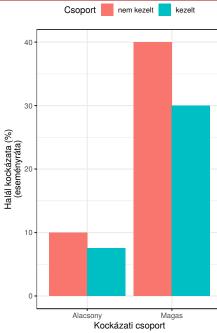
Ugyanazt a gyógyszert egy alacsonyabb kockázatú (pl. fiatal nők) csoportban is alkalmazták

Abszolút kockázatcsökkenés:

$$0.1 - 0.075 = 0.025$$

Relatív kockázatcsökkenés:

$$\frac{0.1 - 0.075}{0.1} = \frac{0.025}{0.1} = 0.25$$



Abszolút kockázatcsökkenés:

Nagyobb kockázat: 0.4-0.3=0.1

Kisebb kockázat:

0.1 - 0.075 = 0.025

Relatív kockázatcsökkenés:

Nagyobb kockázat: $\frac{0.4-0.3}{0.4}=0.25$

Kisebb kockázat: $\frac{0.1 - 0.075}{0.1} = 0.25$

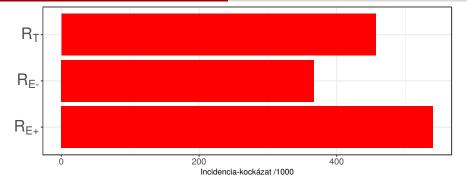
Az abszolút kockázatcsökkenés kisebb, ha az eseményráta alacsonyabb, míg a relatív kockázatcsökkenés ("kezelés hatékonysága") kevésbé érzékeny az eseményráta mértékére.

Kezelési minimum (NNT)

Nagyobb kockázat: NNT =
$$\frac{1}{0.4-0.3} = \frac{1}{0.1} = 10$$

Kisebb kockázat: NNT =
$$\frac{1}{0.1 - 0.075} = \frac{1}{0.025} = 40$$

- ha egy kezelés NNT-je 10:
 - tíz beteget kell kezelnünk ahhoz, hogy egy betegnél kedvező eredményt kapjunk
 - minden beteg esetén 1/10 annak a valószínűsége, hogy a kezelés jótékony hatású
- ha az abszolút kockázatcsökkenés nagy, akkor kevesebb beteg kezelésénél is kapunk már legalább egy kedvező eredményt
- ha az abszolút kockázatcsökkenés kicsi, akkor sok beteget kell kezelnünk ahhoz, hogy keveseknél jótékony hatást tapasztaljunk



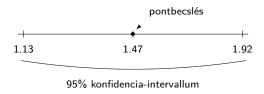
Relatív kockázat (RR): a kitett és a nem kitett csoporton belüli incidencia-kockázat hányadosa.

$$RR = \frac{R_{E+}}{R_{E-}} = \frac{540 \text{ eset } / \text{ 1000}}{367 \text{ eset } / \text{ 1000}} = 1.47$$

◆ロト ◆団 ト ◆ 豆 ト ◆ 豆 ・ り へ ○

Értelmezése: a halál bekövetkeztének kockázata 1.47-szer nagyobb a túlsúlyos betegek között, mint a normál testsúlyúak között.

Közlésének formája RR=1.47 (95% CI: 1.13 - 1.92).

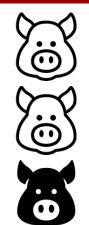


Amennyiben a kockázatban eltöltött idő is rendelkezésre áll, akkor az incidencia-ráták (IR) hányadosa: a kitettek között számított incidencia-ráta osztva a nem kitettek incidencia-rátájával.

Incidencia-kockázat (vagy incidencia-ráta) hányadosa:

- becslést ad arra vonatkozóan, hogy a kitettek között hányszor nagyobb a betegség előfordulásának kockázata, mint a nem kitettek között
- ha RR = 1:
 - a kitettek és nem kitettek között az előfordulás kockázata megegyezik
- ha RR > 1:
 - a kitettség növeli a betegség kockázatát, amennyivel nagyobb 1-nél, annál nagyobb mértékben
- ha RR < 1:
 - a kitettség (pl. kezelés) csökkenti a betegség kockázatát
- ullet nem becsülhető eset-kontroll vizsgálatokban, mivel a kontrollokra nem számítható incidencia ightarrow OR

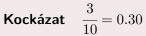












Esély
$$\frac{3}{7} = 0.43$$

 a betegség esélye a kitettek között osztva a betegség esélyével a nem kitettek között

 a betegség esélye a kitettek között osztva a betegség esélyével a nem kitettek között

	Betegség+	Betegség-	Σ
Kitettség+	a	b	a+b
Kitettség–	c	d	c+d
Σ	a+c	b+d	a+b+c+d

A betegség esélye a kitettek között

$$O_{E+} = \frac{a}{b}$$

 a betegség esélye a kitettek között osztva a betegség esélyével a nem kitettek között

	Betegség+	Betegség-	Σ
Kitettség+	a	b	a+b
Kitettség–	c	d	c+d
Σ	a + c	b+d	a+b+c+d

A betegség esélye a nem kitettek között

$$O_{E-} = \frac{c}{d}$$

 a betegség esélye a kitettek között osztva a betegség esélyével a nem kitettek között

	Betegség+	Betegség-	\sum
Kitettség+ Kitettség-	$a \\ c$	$egin{array}{c} b \ d \end{array}$	a+b $c+d$
Σ	a + c	b+d	a+b+c+d

A betegség esélye a teljes populációban

$$O_T = \frac{a+c}{b+d}$$

 a betegség esélye a kitettek között osztva a betegség esélyével a nem kitettek között

	Betegség+	Betegség-	\sum
Kitettség+ Kitettség-	$a \\ c$	$egin{array}{c} b \ d \end{array}$	a+b $c+d$
Σ	a+c	b+d	a+b+c+d

$$OR = \frac{O_{E+}}{O_{E-}}$$

$$O_{E+} = \frac{a}{b}, O_{E-} = \frac{c}{d}$$

 a betegség esélye a kitettek között osztva a betegség esélyével a nem kitettek között

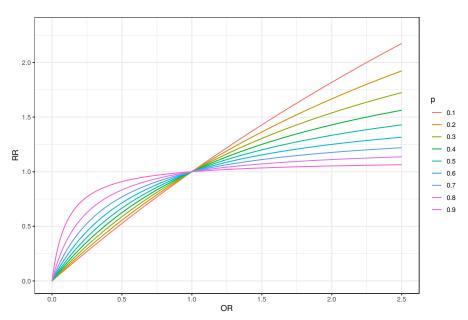
	Halál+	Halál—	Σ
Túlsúlyos Normál	81 51	69 88	150 139
$\frac{1}{\sum}$	132	157	289

$$O_{E+} = \frac{81}{69} = 1.17$$

$$O_{E-} = \frac{51}{88} = 0.58$$

$$OR = \frac{1.17}{0.58} = 2.02 \text{ (95\% CI: 1.26 - 3.24)}$$

- a betegség esélye adott kitettség mellett
- értékének értelmezése mint az RR-nél



 a kitettség esélye a betegek között osztva a kitettség esélyével a nem betegek között

 a kitettség esélye a betegek között osztva a kitettség esélyével a nem betegek között

	Betegség+	Betegség–	Σ
Kitettség+ Kitettség-	$egin{array}{c} a \ c \end{array}$	$egin{array}{c} b \ d \end{array}$	$a+b \\ c+d$
Σ	a+c	b+d	a+b+c+d

Esély a betegek között

$$O_{D+} = \frac{a}{c}$$

 a kitettség esélye a betegek között osztva a kitettség esélyével a nem betegek között

	Betegség+	Betegség–	Σ
Kitettség+ Kitettség-	$a \\ c$	$egin{array}{c} b \ d \end{array}$	a+b $c+d$
Σ	a+c	b+d	a+b+c+d

Esély a nem betegek között

$$O_{D-} = \frac{b}{d}$$

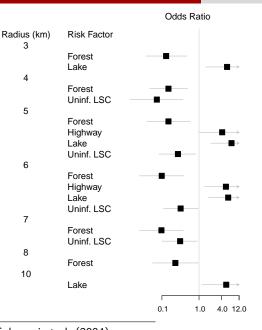
 a kitettség esélye a betegek között osztva a kitettség esélyével a nem betegek között

	Betegség+	Betegség–	Σ
Kitettség+ Kitettség-	$a \\ c$	d	a+b $c+d$
\sum	a+c	b+d	a+b+c+d

$$OR = \frac{O_{D+}}{O_{D-}}$$

$$O_{D+} = \frac{a}{c}, O_{D-} = \frac{b}{d}$$

Kohorsz	Eset-kontroll
Sorrend 1. Kitettségi státusz számbavétele 2. Egészségi státusz számbavétele	Egészségi státusz számbavétele Kitettségi státusz számbavétele
Összefüggés erősségének mértéke RR vagy OR	OR
Az esélyhányados értelmezése a betegség esélye a kitettek között a nem kitettek köztihez hasonlítva	a kitettség esélye a betegek között a nem betegek köztihez hasonlítva



sertéstelepek
Aujeszky-féle betegségre
vonatkozó
szeropozitivitásának a
jelzett sugáron belül
előforduló környezeti
tényezőkkel való
kapcsolata

Nodal status

Positive Negative

Tumour size ≤2 cm

>2 cm

Receptor status

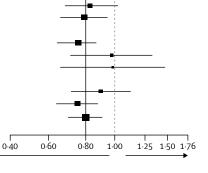
Positive Negative

Negative Unknown

Previous chemotherapy

Yes No

All patients



- az alcsoportok konfidencia-intervalluma mindig tágabb, mint az összes mintából számított (CI függ a minta méretétől)
 - ha a főhatás jelentősen eltér a hatástalansági értéktől, akkor az azzal átfedő alcsoport konfidencia-intervallum nem jelent hatástalanásgot
 - a főhatást jelző egyenes hasznos abban, hogy láthatóvá teszi alcsoportok eltérését attól, pl. hogy ha az alcsoport konfidencia-intervalluma

nem fed át vele, akkor jelentősen eltér az összhatástól

	Kedvezőtlen kimenet			
	+	_	\sum	
Nem kezelt	6	4	10	
Per os AB	6	13	19	
Σ	12	17	29	

	Kedvezőtlen kimenet			
	+	_	\sum	
Nem kezelt	6	4	10	
Per os AB	6	13	19	
Σ	12	17	29	

■ kimenet ~ kitettség

Kedvezőtlen kimenetek:

	Kedvezőtlen kimenet		
	+	_	\sum
Nem kezelt	6	4	10
Per os AB	6	13	19
Σ	12	17	29

- kimenet ~ kitettség
- a per os AB és a nem kezelt csoportban ugyanakkora a kedvezőtlen kimenetek esélye

	Kedvezőtlen kimenet		
	+	_	\sum
Nem kezelt	6	4	10
Per os AB	6	13	19
Σ	12	17	29

- kimenet ~ kitettség
- a per os AB és a nem kezelt csoportban ugyanakkora a kedvezőtlen kimenetek esélye
- a per os AB és a nem kezelt csoportban NEM ugyanakkora a kedvezőtlen kimenetek esélye

	Kedvezőtlen kimenet		
	+	_	\sum
Nem kezelt	6	4	10
Per os AB	6	13	19
Σ	12	17	29

- kimenet ~ kitettség
- a per os AB és a nem kezelt csoportban ugyanakkora a kedvezőtlen kimenetek esélye
- a per os AB és a nem kezelt csoportban NEM ugyanakkora a kedvezőtlen kimenetek esélye
- OR: 3.11

	Kedvezőtlen kimenet		
	+	_	\sum
Nem kezelt	6	4	10
Per os AB	6	13	19
Σ	12	17	29

- ullet kimenet \sim kitettség
- a per os AB és a nem kezelt csoportban ugyanakkora a kedvezőtlen kimenetek esélye
- a per os AB és a nem kezelt csoportban NEM ugyanakkora a kedvezőtlen kimenetek esélye
- OR: 3.11
- mennyire lehetek ebben biztos?

	Kedvezőtlen kimenet		
	+	_	\sum
Nem kezelt	6	4	10
Per os AB	6	13	19
Σ	12	17	29

hipotézisvizsgálat, tesztelés

Kedvezőtlen kimenetek:

	Kedvezőtlen kimenet		
	+	_	\sum
Nem kezelt	6	4	10
Per os AB	6	13	19
Σ	12	17	29

- hipotézisvizsgálat, tesztelés
- NULL hipotézis (H_0) : a per os AB és a nem kezelt csoportban ugyanakkora a kedvezőtlen kimenetek esélye, OR=1

	Kedvezőtlen kimenet		
	+	_	\sum
Nem kezelt	6	4	10
Per os AB	6	13	19
Σ	12	17	29

- hipotézisvizsgálat, tesztelés
- NULL hipotézis (H_0) : a per os AB és a nem kezelt csoportban ugyanakkora a kedvezőtlen kimenetek esélye, OR=1
- ALTERNATÍV hipotézis (H_a) : a per os AB és a nem kezelt csoportban NEM ugyanakkora a kedvezőtlen kimenetek esélye, $OR \neq 1$

	Kedvezőtlen kimenet		
	+	_	\sum
Nem kezelt	6	4	10
Per os AB	6	13	19
Σ	12	17	29

- hipotézisvizsgálat, tesztelés
- NULL hipotézis (H_0) : a per os AB és a nem kezelt csoportban ugyanakkora a kedvezőtlen kimenetek esélye, OR=1
- ALTERNATÍV hipotézis (H_a) : a per os AB és a nem kezelt csoportban NEM ugyanakkora a kedvezőtlen kimenetek esélye, $OR \neq 1$
- OR: 3.11, p = 0.2359

	Kedvezőtlen kimenet		
	+	_	\sum
Nem kezelt	6	4	10
Per os AB	6	13	19
Σ	12	17	29

Kedvezőtlen kimenetek: cavernous hemangioma, cerebral bleeding, dysplasia coxae, hypospadias, muscular hypotonicity, neonatal jaundice requiring

exchange transfusion, papulovesicular eruption at birth, premature birth pyloric stenosis, skeletal anomaly, small for dates, spontaneous

• a p azt fejezi ki, hogy mi a valószínűsége annak, hogy az OR értéke legalább 3.11 legyen, ha a VALÓDI OR egyenlő eggyel

abortion, stillbirth

	Kedvezőtlen kimenet		
	+	_	\sum
Nem kezelt	6	4	10
Per os AB	6	13	19
Σ	12	17	29

- ullet a p azt fejezi ki, hogy mi a valószínűsége annak, hogy az OR értéke legalább 3.11 legyen, ha a VALÓDI OR egyenlő eggyel
- OR: 3.11, 95% CI: 0.51 21.60, p = 0.2359

		ezőtlen nenet	
	+	_	\sum
Nem kezelt	6	4	10
Per os AB	6	13	19
Σ	12	17	29

- \bullet a pazt fejezi ki, hogy mi a valószínűsége annak, hogy az OR értéke legalább 3.11 legyen, ha a VALÓDI OR egyenlő eggyel
- \bullet OR: 3.11, 95% CI: 0.51 21.60, p=0.2359
- ullet ha a p>0.05, a 95%CI tartalmazza az 1-et, az eredmény STATISZTIKAILAG nem szignifikáns

		ezőtlen nenet	
	+	_	\sum
Nem kezelt	6	4	10
Per os AB	6	13	19
Σ	12	17	29

- \bullet a pazt fejezi ki, hogy mi a valószínűsége annak, hogy az OR értéke legalább 3.11 legyen, ha a VALÓDI OR egyenlő eggyel
- \bullet OR: 3.11, 95% CI: 0.51 21.60, p=0.2359
- \bullet ha a p>0.05, a 95%CI tartalmazza az 1-et, az eredmény STATISZTIKAILAG nem szignifikáns
- a p nem annak a valószínűsége, hogy a H_0 igaz, csak a MEGFIGYELT érték extremitását fejezi ki, ha H_0 igaz

```
m
```

```
Kezelés
Kimenet nem per os
         6
           13
fisher.test(m)
        Fisher's Exact Test for Count Data
data: m
p-value = 0.2359
alternative hypothesis: true odds ratio is not equal to 1
95 percent confidence interval:
  0.5125188 21.6033358
sample estimates:
odds ratio
  3.111034
```

```
(dupla_m = m*2)
       Kezelés
Kimenet nem per os
      + 12 12
                26
fisher.test(dupla_m)
        Fisher's Exact Test for Count Data
data: dupla_m
p-value = 0.05108
alternative hypothesis: true odds ratio is not equal to 1
95 percent confidence interval:
  0.9190679 11.6961091
sample estimates:
odds ratio
  3,179755
```

ullet elhanyagolható különbség jelentős különbséget eredményez, p=0.051 még nem szignifikáns statisztikailag, p=0.049 már igen

```
(tripla_m = m*3)
      Kezelés
Kimenet nem per os
      + 18 18
      - 12 39
fisher.test(tripla_m)
       Fisher's Exact Test for Count Data
data: tripla_m
p-value = 0.01285
alternative hypothesis: true odds ratio is not equal to 1
95 percent confidence interval:
 1.17897 9.04624
sample estimates:
odds ratio
  3.202991
```

Képzelt vizsgálat

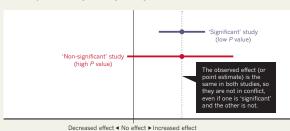
- betegek A- és B-kezelésben részesültek
- megkérdezték tőlük, hogy melyiket tartották jobbnak

Kezelt betegek száma	A vagy B kezelést preferálják	A-t preferálók részaránya (%)	p-érték
20	15 : 5	75.00	0.04
200	115 : 86	57.00	0.04
2 000	1046 : 954	52.30	0.04
2 000 000	1 001 445 : 998 555	50.07	0.04

- a p-érték minden mintaelemszámnál 0.04
- növelve a mintaelemszámot egyre kisebb preferencia-eltérés is ugyanolyan szignifikáns p-értékkel jár

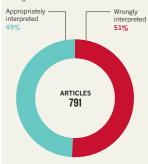
BEWARE FALSE CONCLUSIONS

Studies currently dubbed 'statistically significant' and 'statistically non-significant' need not be contradictory, and such designations might cause genuine effects to be dismissed.



WRONG INTERPRETATIONS

An analysis of 791 articles across 5 journals* found that around half mistakenly assume non-significance means no effect.



*Data taken from: P. Schatz et al. Arch. Clin. Neuropsychol. 20, 1633–1659 (2005); F. Fidler et al. Conserv. Biol. 20, 1539–1544 (2006); R. Hoekstra et al. Psychon. Bull. Rev. 13, 1033–1037 (2006); F. Bernardi et al. Fur. Sociol. Rev. 33, 1–15 (2017)

Megfigyelt esetszámok

Kedvezőtlen		Kezelés			
kimenet	NO	РО	PAR		
igen	6	6	8	20	
nem	4	13	58	75	
\sum	10	19	66	95	

Megfigyelt esetszámok

Kedvezőtlen		Kezelés			
kimenet	NO	РО	PAR		
igen	6	6	8	20	
nem	4	13	58	75	
Σ	10	19	66	95	

Várható esetszámok

Kedvezőtlen	Kezelés			\sum
kimenet	NO	РО	PAR	
igen	2.11	4	13.89	20
nem	7.89	15	52.11	75
Σ	10	19	66	95

Megfigyelt esetszámok

Kedvezőtlen kimenet	NO	<i>Kezelé</i> PO	s PAR	Σ
igen nem	6 4	6 13	8 58	20 75
Σ	10	19	66	95

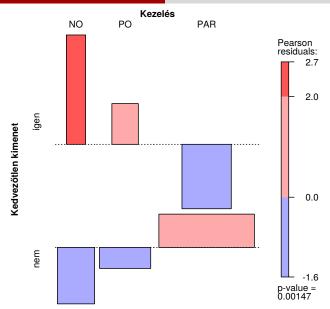
Várható esetszámok

Kedvezőtlen		\sum		
kimenet	NO	РО	PAR	_
igen	2.11	4	13.89	20
nem	7.89	15	52.11	75
\sum	10	19	66	95

Pearsons-féle reziduális

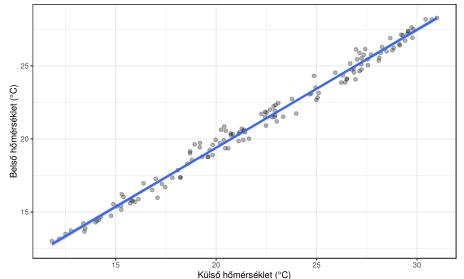
Kedvezőtlen kimenet	NO	<i>Kezelés</i> PO	PAR
igen	2.68	1.00	-1.58
nem	-1.38	-0.52	0.82

$$r_{ij} = \frac{o_{ij} - e_i}{\sqrt{e_{ij}}}$$



Lakos and Solymosi (2010)

Istállón kívül és belül párhuzamosan mért hőmérséklet



Milyen kapcsolat van a külső és belső hőmérséklet között?

• korreláció: R = 0.9938484

Hogyan függ az istállóban mért hőmérséklet az istállón kívül mért hőmérséklettől?

lineáris regresszió

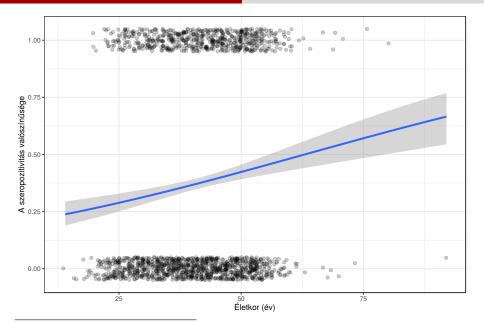
```
Coefficients:
```

Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)

```
Residual standard error: 0.4621 on 133 degrees of freedom Multiple R-squared: 0.9877, Adjusted R-squared: 0.9876 F-statistic: 1.071e+04 on 1 and 133 DF, p-value: < 2.2e-16
```

• $\beta=0.806852$, ami azt jelenti, hogy a külső hőmérséklet 1°C növekedése a belső hőmérsékletet ~ 0.81 °C-al emeli

```
dat = rbind(
tibble(adverse.outcome=c(rep(1,6), rep(0,4)), AB='no'),
tibble(adverse.outcome=c(rep(1,6), rep(0,13)), AB='po')
) %>% mutate(AB=relevel(factor(AB), 'po'))
fit = glm(adverse.outcome~AB, family=binomial(link='logit'),
data=dat)
summary(fit)
Coefficients:
           Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
(Intercept) -0.7732 0.4935 -1.567 0.117
ABno
           1.1787 0.8126 1.451 0.147
round(exp(cbind(OR=coef(fit), confint(fit))),2)
             OR 2.5 % 97.5 %
(Intercept) 0.46 0.16 1.17
ABno
           3.25 0.68 17.35
```



Lakos et al. (2012)

◆ロト ◆部ト ◆注ト ◆注ト 注 りなぐ

```
szeropoz
            kor
             33
           41
           50
          50
 5
          55
fit = glm(szeropoz ~ kor, family = binomial(link="logit"),
data=dat)
summary(fit)
Coefficients:
            Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
(Intercept) -1.497757  0.215261  -6.958  3.45e-12 ***
       0.023765 0.005055 4.701 2.59e-06 ***
kor
round(exp(cbind(OR=coef(fit), confint(fit))),2)
             OR 2.5 % 97.5 %
(Intercept) 0.22 0.15 0.34
kor
           1.02 1.01 1.03
```

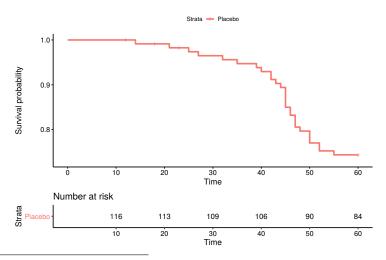
Reference	Level	β	OR	CI	p
Male	Female	0.11	1.116	1.1–1.132	0.0000
Non-white	White	-0.011	0.989	0.971 - 1.008	0.2643
45-65	<45	0.376	1.456	1.404-1.509	0.0000
	65-80	-0.208	0.813	0.799-0.827	0.0000
	>80	-0.272	0.762	0.746-0.777	0.0000
1998–2003	2004-2009	0.835	2.304	2.27-2.338	0.0000
Poverty Q1	Q2	-0.042	0.959	0.94-0.978	0.0000
	Q3	-0.178	0.837	0.822 - 0.852	0.0000
	Q4	-0.254	0.775	0.758-0.793	0.0000
Colon	Esophagus	-1.015	0.362	0.349-0.377	0.0000
	Pancreas	-1.175	0.309	0.297-0.322	0.0000
	Rectum	-0.563	0.569	0.557-0.582	0.0000
	Small bowel	-1.466	0.231	0.219-0.244	0.0000
	Stomach	-0.928	0.395	0.383-0.409	0.0000

Annak ellenére, hogy az eltávolított nyirokcsomók számának mediánja növekszik GI daganatsebészetben, az egyes műtétek során ezek száma elmarad az optimálistól.

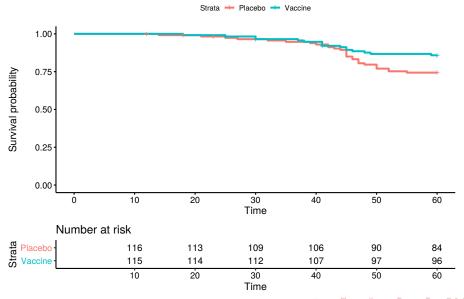
Dubecz et al. (2013)

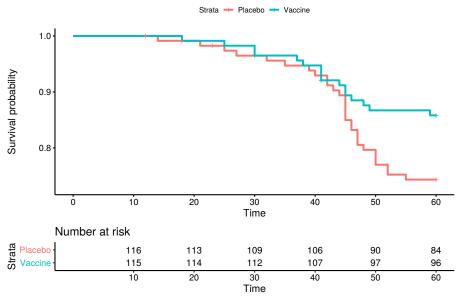
◆ロト ◆御 ▶ ◆ 恵 ▶ ◆ 恵 → 夕久で

- vakcina-hatékonysági vizsgálat szarvasmarha-állományban
- 116 állat placebót, 115-öt vakcinát kapott
- a vizsgált végpont a légzőszervi tünetek megjelenése volt



Log-rank teszttel vizsgálva az eltérésüket: p=0.038





A hazárd-függvénnyel $(h(t))^*$ annak a valószínűségét becsüljük, hogy a következő időszakban bekövetkezik az esemény egy alanyon, ha addig azon az alanyon az az esemény még nem következett be.

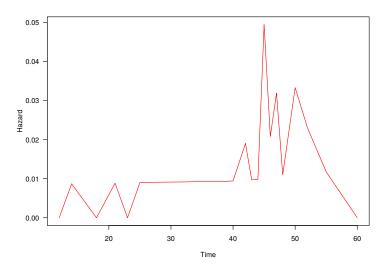
$$h(t) = \lim_{\Delta t \to 0} \frac{P(t \le T < t + \Delta t)}{\Delta t}$$

Feltételes valószínűség:

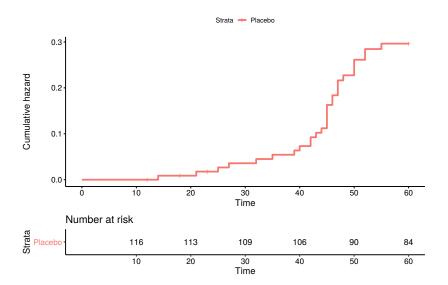
- például vegyük 1%-nak egy ember születésekor annak a valószínűségét, hogy a 80. évében hal meg
- ugyanennek a valószínűsége egy olyan embernél, aki már betöltötte a 75. évét, magasabb, mondjuk 5%

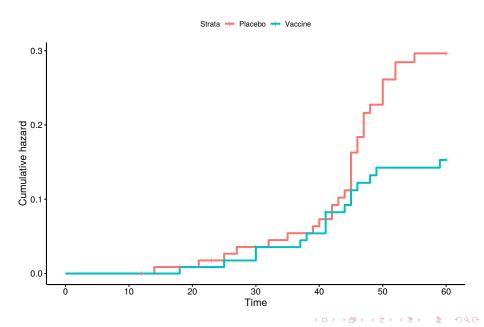


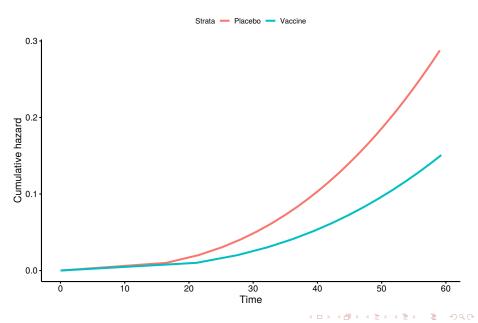
^{*}hazard function



Mivel a hazárd-függvény jelentős varianciát mutat időegységenként, nem ezt szokták ábrázolni az idő függvényében, hanem inkább a kumulatív hazárdot







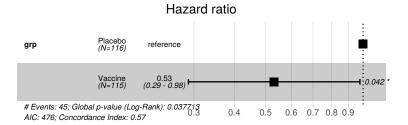
A hazárdhányados (HR) azt fejezi ki, hogy az esemény bekövetkeztének hazárdja a kezeltek között hányszorosa a kontrollok közöttinek

$$HR = \frac{h_{kezelt}(t)}{h_{kontroll}(t)}$$

HR=1 nincs hatása a kezelésnek

HR>1 a kezelés hatására növekszik az esemény hazárdja

HR<1 a kezelés hatására csökken az esemény hazárdja



- Amrhein, V., S. Greenland, and B. McShane (2019). Scientists rise up against statistical significance. *Nature* 567(7748), 305–307.
- Barratt, A., P. C. Wyer, R. Hatala, T. McGinn, A. L. Dans, S. Keitz, V. Moyer, et al. (2004). Tips for learners of evidence-based medicine: 1. relative risk reduction, absolute risk reduction and number needed to treat. Canadian Medical Association Journal 171(4), 353–358.
- Cuzick, J. (2005). Forest plots and the interpretation of subgroups. The Lancet 365(9467), 1308.
- Dubecz, A., N. Solymosi, M. Schweigert, R. J. Stadlhuber, J. H. Peters, D. Oefner, and H. J. Stein (2013). Time-Trends and Disparities in Lymphadenectomy for Gastrointestinal Cancer in the United States: A Population-Based Analysis of 342,792 Patients. Journal of Gastrointestinal Surgery 17(4), 611–619.
- Farkas, R., V. Mag, M. Gyurkovszky, N. Takács, K. Vörös, and N. Solymosi (2020). The current situation of canine dirofilariosis in Hungary. Parasitology research 119(1), 129–135.
- Lakos, A., Z. Igari, and N. Solymosi (2012). Recent lesson from a clinical and seroepidemiological survey: low positive predictive value of borrelia burgdorferi antibody testing in a high risk population. Advances in medical sciences 57(2), 356–363.
- Lakos, A. and N. Solymosi (2010). Maternal lyme borreliosis and pregnancy outcome. *International Journal of Infectious Diseases* 14(6), e494–e498.
- Nakeshbandi, M., R. Maini, P. Daniel, S. Rosengarten, P. Parmar, C. Wilson, J. M. Kim, A. Oommen, M. Mecklenburg, J. Salvani, et al. (2020). The impact of obesity on COVID-19 complications: a retrospective cohort study. *International Journal of Obesity* 44(9), 1832–1837.
- Noordhuizen, J. P. T. M., K. Frankena, M. Thrusfield, and E. A. M. Graat (2001). Application of Quantitative Methods in Veterinary Epidemiology. Wageningen, The Netherland: Wageningen Pers.
- Patai, Á., N. Solymosi, and Á. V. Patai (2015). Effect of rectal indomethacin for preventing post-ercp pancreatitis depends on difficulties of cannulation. *Journal of clinical gastroenterology* 49(5), 429–437.
- Solymosi, N., J. Reiczigel, O. Berke, A. Harnos, S. Szigeti, L. Fodor, G. Szigeti, and K. Bódis (2004). Spatial risk assessment of herd sero-status of Aujeszky's disease in a county in Hungary. Preventive veterinary medicine 65(1-2), 9–16.
- Spiegelhalter, D. J., K. R. Abrams, and J. P. Myles (2004). Bayesian approaches to clinical trials and health-care evaluation, Volume 13. John Wiley & Sons.
- Stevenson, M. (2012). An introduction to veterinary epidemiology. EpiCentre, IVABS, Massey University, Palmerston North, New Zealand.
- Stevenson, M. (2019). epiR: Tools for the Analysis of Epidemiological Data. R package version 1.0-4.
- Szenci, O., M. K. Abdelmegeid, N. Solymosi, E. Brydl, C. Á. Bajcsy, I. Biksi, and M. Kulcsár (2018). Prediction of stillbirth in holstein-friesian dairy cattle by measuring metabolic and endocrine parameters during the peripartal period. Reproduction in Domestic Animals 53(6), 1434–1441.
- Thrusfield, M., R. Christley, H. Brown, P. J. Diggle, N. French, K. Howe, L. Kelly, A. O'Connor, J. Sargeant, and H. Wood (2018). Veterinary Epidemiology (4th ed.). Oxford, UK: Wiley.