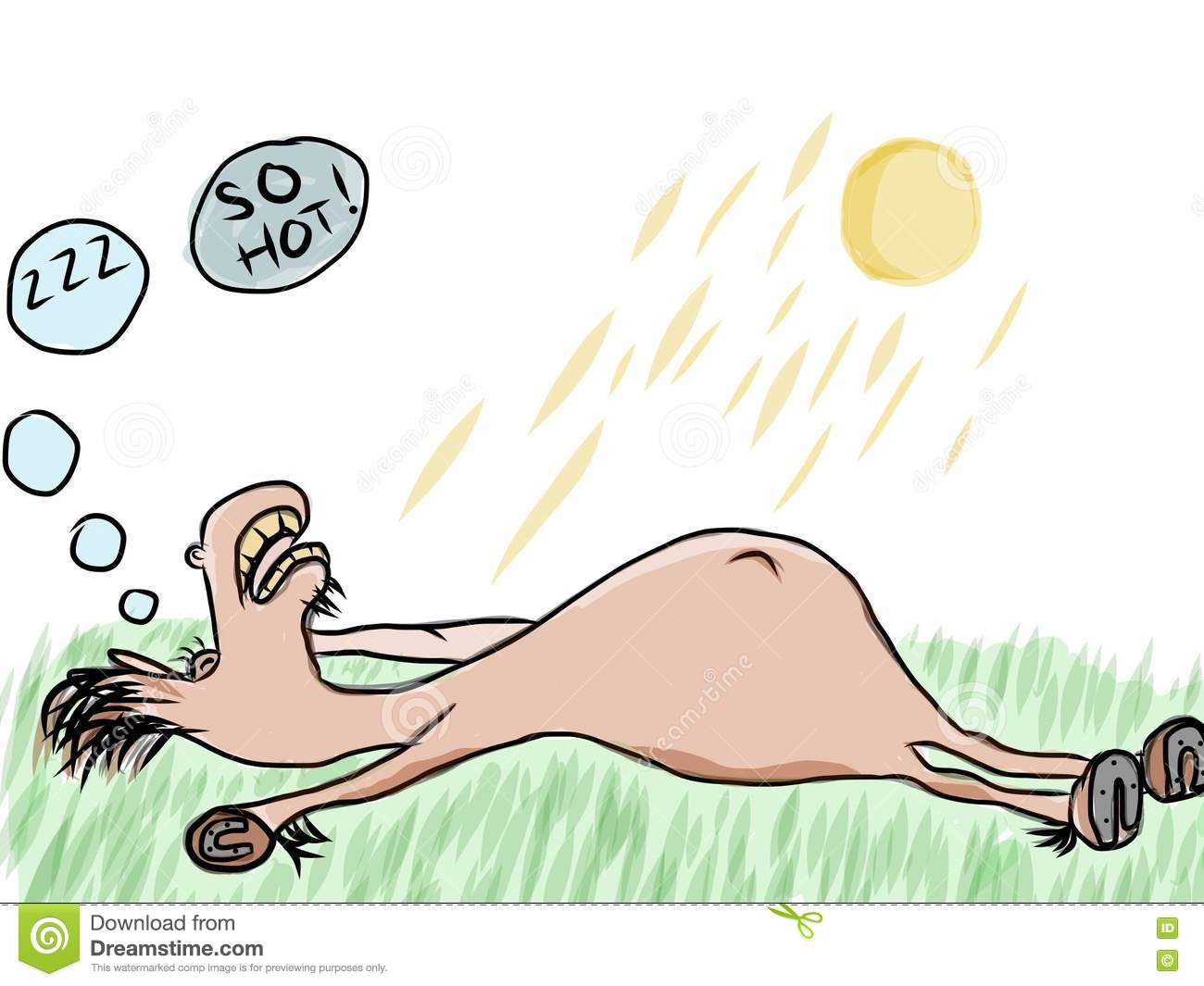
**1. SUMMARY**

**BACKGROUND**

요즘같이 갑자기 더워진 날씨에 사람만큼 견디기 힘든 건 말도 마찬가지일 것이다.

출처: https://thumbs.dreamstime.com/z/hot-summer-very-high-quality-hand-drawing-illustration-picture-you-can-see-some-funny-horse-lying-ground-day-you-73715118.jpg

이런 극단적 날씨는 말의 건강에 큰 영향을 줄 수 있다. 특히 더운 여름철에는 말의 배앓이(산통)를 조심해야 한다. 말을 죽음에 이르게 하는 가장 흔한 원인으로 요즘 같은 날에는 말에게 조금 더 관심이 필요할 것이다.

산통이란 수의학적인 용어로 쉽게 말해서 배앓이를 말하는 것이다. 말은 큰 체구에 비해 위의 용적이 10리터 정도밖에 되지 않을 정도로 위가 작고 소와 달리 되새김을 할 수 없어 독소가 쉽게 쌓이게 된다. 이러한 특이한 생리구조를 가졌기에 산통이 자주 발생하는데 어떠한 원인에 의해서 발생하더라도 겉으로 드러나는 증상은 대개 비슷하다고 한다. 증상이 심한 경우 수술을 하기도 하고 사망하거나 안락사를 시키기도 한다. 산통이 발생했을 경우 의학적 상태만으로 말의 생존 여부를 예측할 수 있다면 좀 더 빠르게 의학적 조치를 취하고 생존율을 높일 수 있지 않을까?

**DATA DESCRIPTION**

- 데이터 출처: UC Irvine Machine Learning Repository (<https://archive.ics.uci.edu/ml/datasets/Horse+Colic>)

- 데이터 설명: 말의 과거 수술이력, 검진 결과로 이루어진 데이터.

- 데이터 개수: 299 row X 34 variable

**PROJECT GOAL**

1. 말의 생존을 결정하는 결정변수 탐구.

2. Missing value의 적절한 처리로 예측 능력 극대화.

3. 효과적 범주형 자료 처리

**ANALYSIS RESULTS**

**RECOMMENDATION**

**2. DATA EXPLORATION**

**변수 이름과 설명**

1. Surgery: 수술 여부

2. Age: 나이(6개월 이상부터 성인 말)

3. Hospital Number: 말에게 부여되는 고유 번호

4. Rectal temperature: 직장의 온도(°C) / 정상: 37.8°C

5. Pulse: 심장박동, 심장상태를 대변해줌. 극심한 통증 또는 순환 쇼크를 겪으면 올라간다.

/ 정상: 30-40 (경주마의 경우 20-25)

6. Respiratory rate: 호흡률, 변동이 심함. / 정상: 8-10

7. Temperature of extremities: peripheral circulation의 지표.

손발의 온도 온도와 상관관계 존재, 낮으면 쇼크 가능성.

8. Peripheral pulse: 맥박, 수치가 낮을 경우 관류가 제대로 이루어지지 않음을 의미.

9. Mucous membranes: 점막, 색에 따라 증상이 다름. Circulation 상태를 추측할 수 있는 지표.

10. Capillary refill time: 모세관 재충전 시간. refill시간이 길어질수록 circulation이 제대로 이루어지지 않음.

11. Pain: 통증, 심할수록 수술이 필요, 치료를 받은 이력이 있으면 pain지수가 낮게 평가 될 가능성이 있음.

12. Peristalsis: 장기 운동성, 팽창하거나 유독할수록 활동성이 떨어짐

13. Abdominal distension: 복부팽만, 심할수록 내장의 활동성이 떨어지고 고통스러움.

14. Nasogastric tube: 비위관에서 나오는 가스 양. 말을 불편하게 할 수 있음.

15. Nasogastric reflux: 비위관성 역류, 수치가 클수록 다른 창자로부터의 혈류의 방해가 있음.

16. nasogastric reflux PH: 비위관성 역류 PH / 정상: 3-4

17. rectal examination – feces: 대변, 배설물이 없다는 것은 장 폐색을 시사함.

18. Abdomen: 복부, 굳은 대변은 폐색을 의미, 장이 팽창된 것은 수술로 인한 손상을 나타냄.

19. Packed cell volume: 혈액속의 적혈구 수, 수치가 높을수록 탈수 가능성이 높거나 혈류 순환의 문제가 있음.

/ 정상: 30-50,

20. Total protein: 총 단백질량, 수치가 높을수록 탈수 가능성이 높아짐 / 정상: 6-7.6,

21. Abdominocentesis appearance: 복강경 외관, 복강으로부터 추출하며 흐리거나 혈청이 섞인 것은

장기가 제대로 작동하지 않음을 시사함.

22. Abdominocentesis total protein: 복강내 총 단백질, 수치가 높을수록 장이 손상되었을 가능성이 큼.

23. Outcome: 결과 (lived, died, was euthanized)

24. surgical lesion: 수술 병변, 수술로 인한 손상이었는지를 나타냄.

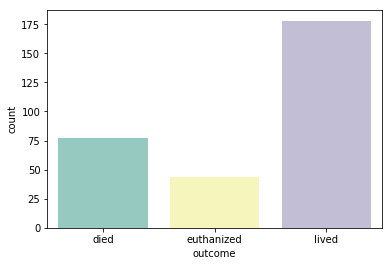
25, 26, 27. type of lesion: 수술 위치, 유형, 하위유형, 특정코드

28. cp data: 병리 자료 여부

**산통이 발생했을 때 말의 생존여부는 어떻게 될까?**

먼저 산통이 발생 했을 때 말의 생존 여부를 확인해보면 약 60%정도의 말이 생존 하지만, 죽거나 안락사 한 비율을 합쳐, 사망한 말의 비율은 40%정도로 굉장히 높은 비율이다. 이것으로 보아. 산통은 말에게 매우 치명적인 상황인 것을 다시 한번 확인 할 수 있다.

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| outcome | Lived | Died | Was euthanized |
| Count | 178 | 77 | 44 |
| percentage | 59.3% | 25.7% | 14.7% |



**<figure 1> outcome countplot**

**1. 데이터 탐색**

**죽은 말과 생존말의 차이점**

산통이 발생하였지만, 어떤 말은 생존이 가능하였고 어떤 말은 죽음을 피할 수 없었다. 어떤 차이가 있는지 알아보기로 하였다. 다음 기초 통계량 표를 통해 가설을 설정할 있었다.

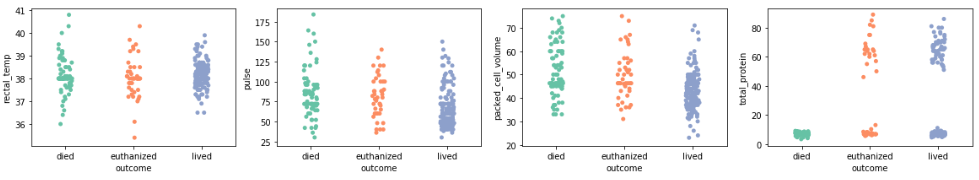
1) 연속형 변수

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| Variables | | Value | | Missing |
| Mean | SD |
| **Rectal temperature** | lived | 38.16 | 0.57 | 26 |
| died | 38.12 | 0.93 | 24 |
| euthanized | 38.04 | 1.02 | 10 |
| **Pulse** | lived | 64.00 | 24.54 | 12 |
| died | 85.05 | 31.73 | 11 |
| euthanized | 81.52 | 26.00 | 1 |
| **Respiratory rate** | lived | 29.48 | 18.29 | 31 |
| died | 32.40 | 16.42 | 19 |
| euthanized | 31.02 | 16.97 | 8 |
| **Nasogastric reflux PH** | lived | 4.68 | 2.00 | 154 |
| died | 4.90 | 1.64 | 57 |
| euthanized | 4.47 | 2.20 | 35 |
| **packed cell volume** | lived | 42.99 | 7.97 | 13 |
| died | 51.89 | 11.40 | 8 |
| euthanized | 49.96 | 11.36 | 8 |
| **Total protein** | lived | 25.77 | 28.45 | 13 |
| died | 6.83 | 1.18 | 12 |
| euthanized | 35.62 | 30.71 | 8 |
| **abdominocentesis total protein** | lived | 2.25 | 1.92 | 126 |
| died | 2.67 | 2.14 | 53 |
| euthanized | 2.21 | 1.45 | 19 |

**<Table 1> 연속형 변수의 기초통계량**

**가설: 1)** 말의 죽음의 원인은 탈수가 아닌 장기 혈류 순환과 관련된 문제다

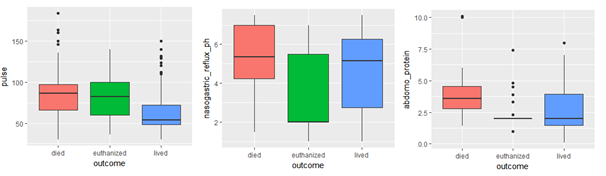
**2)** 안락사 당한 말의 경우에는 탈수에 원인이 있었다



**<figure 2> packed cell volume, total protein scatter plot**

Packed cell volume은 수치가 증가할수록 순환이 잘 안되거나 탈수증상이 나타나는 것을 의미한다. 평균으로 살펴보았을 때, 수치가 높은 말이 생존하지 못하였다. Total protein도 수치가 증가할수록 탈수가 더 심해짐을 의미하는 변수이다. 하지만 죽은 말의 total protein은 6.82±1.18로, 정상범위를 거의 넘어가지 않았음을 확인할 수 있었다. 반대로 안락사 당한 말은 total protein 수치가 월등히 높았다. 즉, 어떤 의미에서 탈수 증세가 안락사 결정에 영향을 미쳤다는 뜻이다. 그래프를 통해 total protein과 nasogastric reflux pH 사이에 음의 상관관계가 있을 것이라 유추하였고 실제로 Pearson correlation test를 실행한 결과 coefficient -0.72라는 강한 음의 상관관계가 나타났다. 하지만 샘플이 매우 적어 신뢰성이 떨어진다.

**1) 말의 죽음은 obstruction으로 인한 circulatory problem 때문인가**

****

**<figure 3> pulse, nasogastric reflux ph, abdominocentesis protein scatter plot**

Pulse는 순환 쇼크가 있으면 높아진다. Box plot으로 볼 때 죽은 말이 평균적으로 pulse가 높은 편이었다. Nastogastric ph또한 정상범위를 벗어나 높은 수치를 보였다. 어느정도 산성인 상태가 균을 죽이고 정상적인 활동성을 의미하지만, 평균적으로 높은 PH를 띄고 있어 장 활동이 원활하게 이루어지지 않으며 해로운 균을 죽이기 힘든 상태인 것이다. obstruction으로 인해 산이 분비 되지 않음을 예측할 수 있다. 마지막으로 정말로 위장이 손상된 것인지 abdominocentesis total protein을 통해 확인해 보았다. 수치가 높음을 확인할 수 있다.

Logistic Regression Model

로지스틱 회귀 분석을 통해 말의 죽음과 위 세 개 변수가 유의하게 관련이 있는지 알아보았다.

로지스틱 회귀 분석에 앞서 missing value에 대한 이슈가 있었다. 본 데이터는 결측치가 무작위하게 나타났고, 변수를 삭제할 경우 분석에 어려움이 생길 것으로 보여 대중대체법을 사용하여 결측치를 대체하였다. (R mice 패키지 사용)

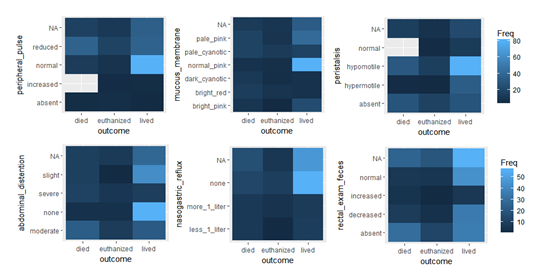
이후 변수 특성에 따라 correlation의 coefficient를 이용하는 방법, 단순대체법 모두 사용하여 볼 것이다. 뒤에서 더욱 심층적으로 misㄴ

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Variables | Pulse | | | Nasogastric reflux PH | | | Abdominocentesis total protein | | |
| lived | died | euthanized | lived | died | euthanized | lived | died | euthanized |
| Missing | 8.0% | | | 82.3% | | | 66.2% | | |

**<table2> Missing value percentage of three variable**

**(glm 모델 해석 부분 추가)**

다음은 장 폐색으로 circulation이 안되고 장 활동성이 떨어져 사망했다는 가설을 설명해 줄 범주형 변수들이다.



**<figure 4>**

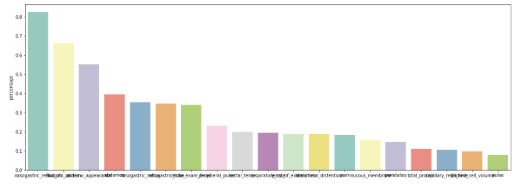
|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Variable** | **Most Frequent value by outcome** | | |
|  | **lived** | **euthanized** | **died** |
| **Peripheral pulse** | Normal | Reduced | Reduced |
| **Mucous membrane** | Normal pink | Pale cyanotic | Pale cyanotic,  Pale pink |
| **Peristalsis** | Hypomotile | Absent | Hypomotile |
| **Abdominal distension** | None | Moderate | Moderate |
| **Nasogastric reflux** | None | None | None |
| **Rectal exam feces** | Normal | Absent | Absent |

형광펜으로 표시한 부분은 장 활동성이 적고 순환이 잘 안됨을 잘 설명해준 값이다. 하지만 또 하나 의문점이 드는 것은 Peristalsis lived말에서 hypomotile이 가장 많이 나타난 것이다. 죽은 말과 동일하게 hypomotile 값이 가장 빈번했지만 생존을 할 수 있었던 이유는 무엇일까? 이 부분도 추후에 탐색해볼 것이다.

**2. 모델링을 통한 예측**

**Missing value**

앞서 언급했듯 UCI의 ‘Horse Colic Data Set’의 Missing value 비율은 전체 데이터의 30%정도이며, 50 ~ 80%의 missing value를 가진 변수들도 존재한다. 이로 보아 missing value를 잘 대체할 수 있는 통계량을 설정하는 것이 좋은 분석을 하기 위한 포인트가 될 것이다. 우선, 앞에서와는 다르게 가장 단순한 방법을 사용해 보았다. Missing value 비율이 50%이상인 변수는 제외하고 연속형 변수는 평균값을, 범주형 변수는 최빈값으로 설정하고 분석을 계속해보기로 한다. 추후 여러 방법을 적용하여 본 데이터를 가장 잘 설명할 수 있는 방법을 심층적으로 탐구해볼 것이다.



<figure 6> missing value percentage plot

**모델의 평가 기준**

통계량과 그래프를 보아 27개의 변수 중 11개의 변수를 선택하였다. 선택된 변수로 예측 모델을 만들었을 때 어떤 모델이 좋은 모델인지 알 수 있을까? 강의에서 본 precision과 recall중 생명과 관계된 만큼 실제로 사망한 말인데 생존한 말로 예측을 하는 경우에 더 큰 페널티가 존재 해야 한다고 생각되어 Precision을 기준으로 하였다.

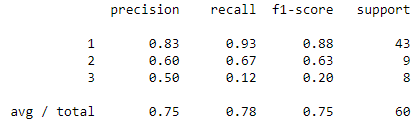
**말의 생존여부 예측 모형**

먼저 성능을 비교해보기 위해 python Sklearn패키지의 train\_test\_split함수로 train data set과 test date set을 만든 다음 test data set으로 Precision을 비교해보기로 하였다. 또, Outcome의 결과가 3개인 점을 고려하여 로지스틱 회귀모형 보다 OVS(one vs rest)로지스틱 회귀모형을 만들어 보았다.

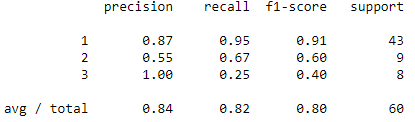
**OVR Logistic Regression Model**

OVS회귀모형은 python sklearn 패키지의 OneVsRestClassifier과 LogisticRegression함수를 이용하여 만들었다.

변수를 선택하는 과정에서 F(p-value)값을 고려해줬으므로 11개의변수 그대로 사용하기로 하였다.



**Random Forest**



[('capillary\_refill\_time', 0.025682199870156047),

('peripheral\_pulse', 0.043939552710156163),

('surgery', 0.04519304471489799),

('abdominal\_distention', 0.0709568063218248),

('mucous\_membrane', 0.077525967461662168),

('pain', 0.083124406551578101),

('temp\_of\_extremities', 0.084068680041515215),

('rectal\_temp', 0.10273282201330222),

('pulse', 0.14639812311761405),

('packed\_cell\_volume', 0.15027090752273814),

('total\_protein', 0.17010748967455516)]