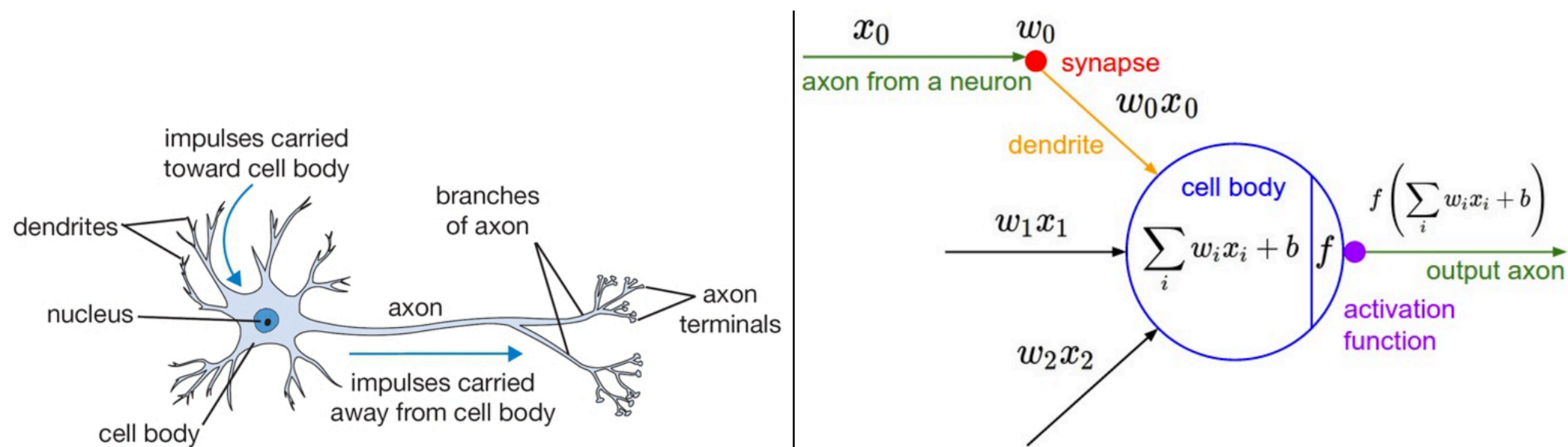


# 블록과 함께하는 파이썬 딥러닝 케라스

Part3 1~2

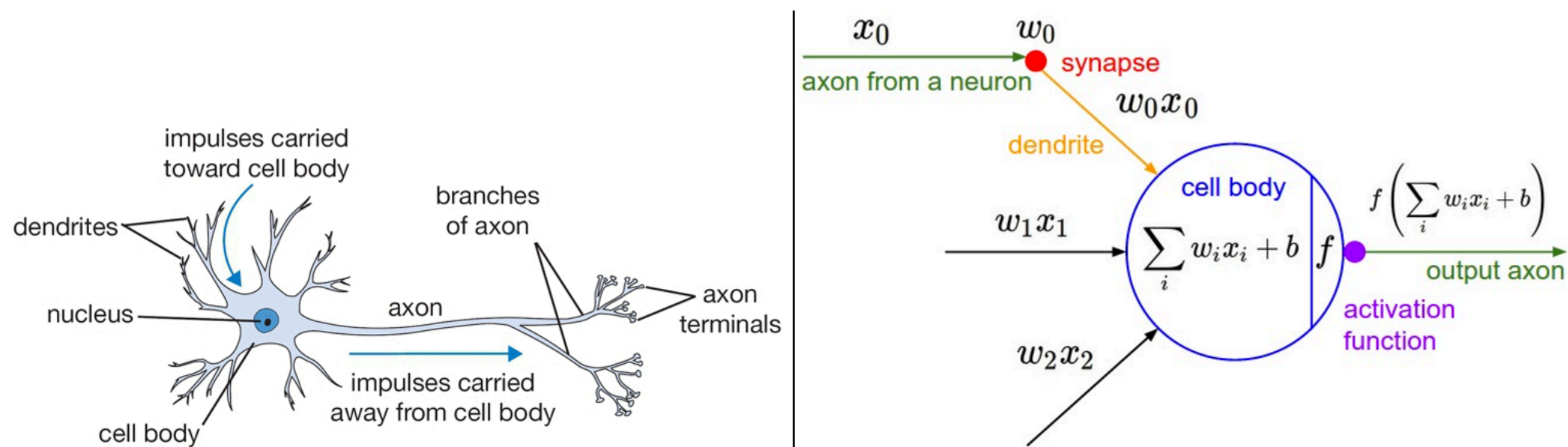
# 다층 퍼셉트론 레이어 이야기



A cartoon drawing of a biological neuron (left) and its mathematical model (right).

- **axon (축삭돌기)** : 팔처럼 몸체에서 뻗어나와 다른 뉴런의 수상돌기와 연결됩니다.
- **dendrite (수상돌기)** : 다른 뉴런의 축삭 돌기와 연결되며, 몸체에 나뭇가지 형태로 붙어 있습니다.
- **synapse (시냅스)** : 축삭돌기와 수상돌기가 연결된 지점입니다. 여기서 한 뉴런이 다른 뉴런으로 신호가 전달됩니다.

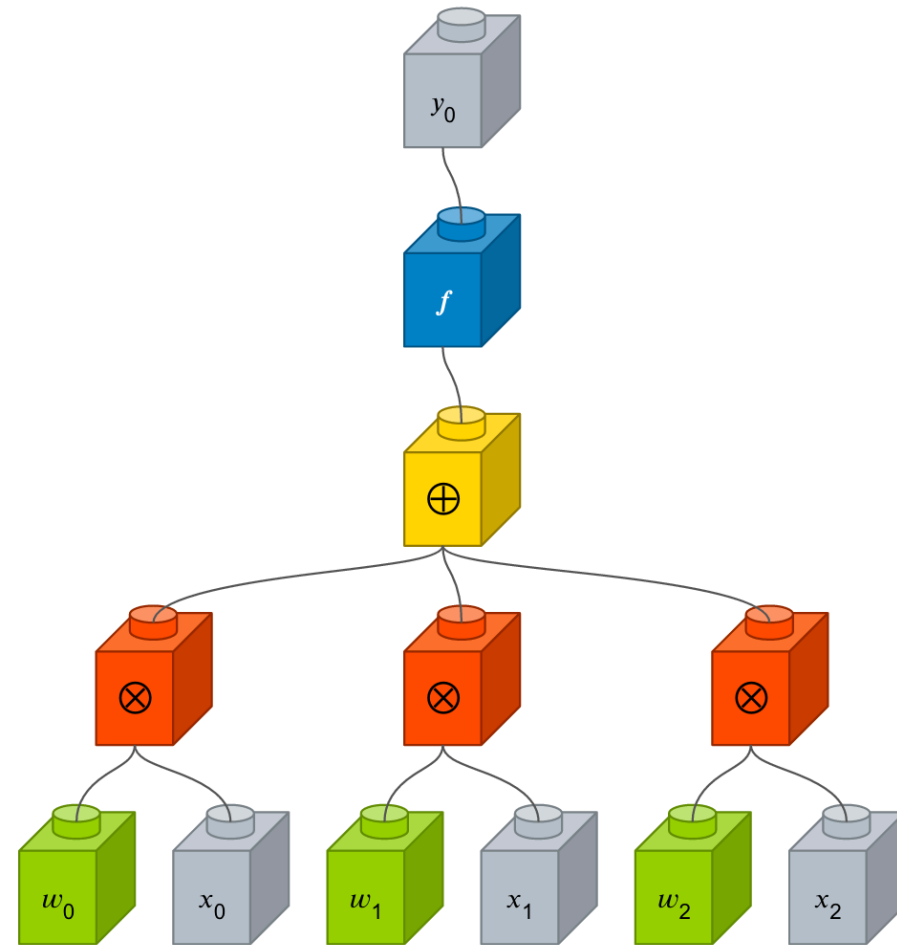
# 다층 퍼셉트론 레이어 이야기



A cartoon drawing of a biological neuron (left) and its mathematical model (right).

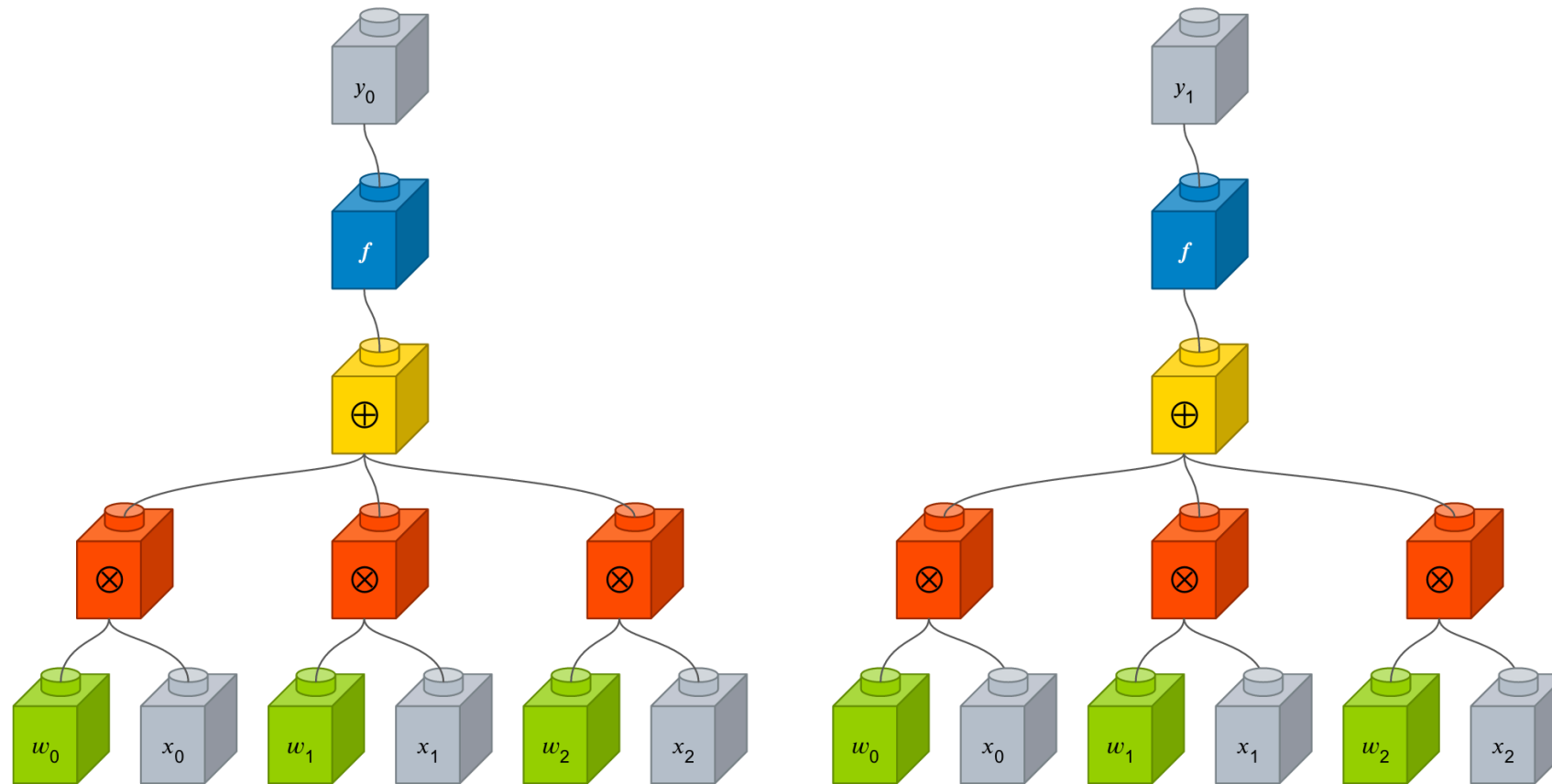
- $x_0, x_1, x_2$  : 입력되는 뉴런의 축삭돌기로부터 전달되는 신호의 양
- $w_0, w_1, w_2$  : 시냅스의 강도, 즉 입력되는 뉴런의 영향력을 나타냅니다.
- $w_0x_0 + w_1x_1 + w_2x_2$  : 입력되는 신호의 양과 해당 신호의 시냅스 강도가 곱해진 값의 합계
- $f$  : 최종 합계가 다른 뉴런에게 전달되는 신호의 양을 결정짓는 규칙, 이를 활성화 함수라고 부릅니다.

# 다층 퍼셉트론 레이어 이야기기



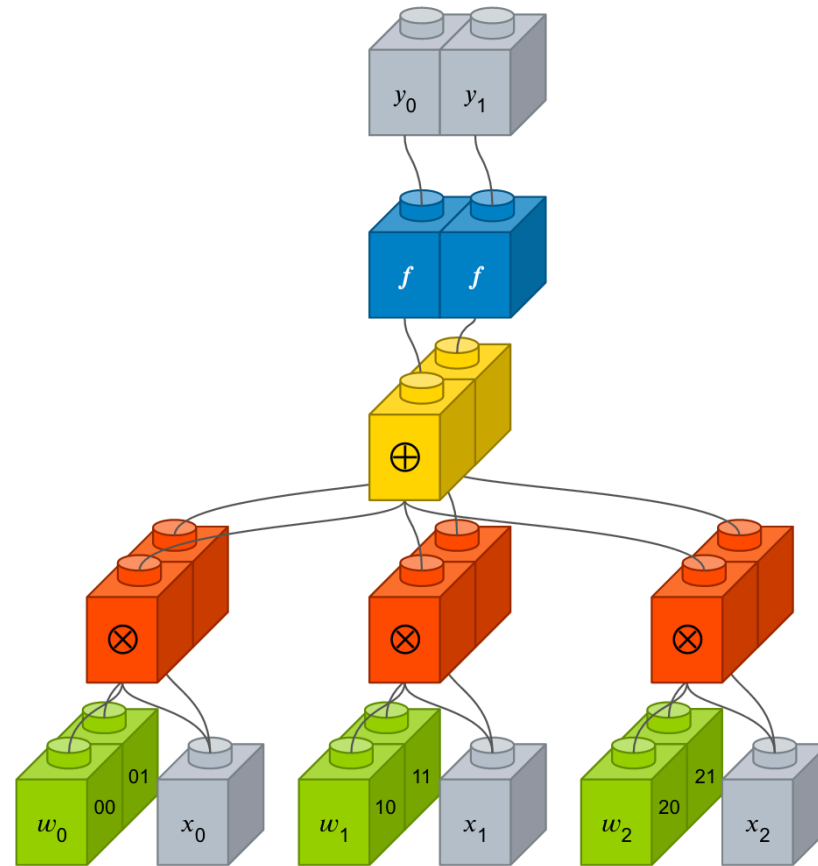
- 녹색 블록은 시냅스의 강도  $w$
- 회색 블록은 입력 값  $x$
- 노란색과 빨간색 블록은 연산자
- 파란색 블록은 활성화 함수  $f$

# 다층 퍼셉트론 레이어 이야기



- 만약 세 개의 신호가 서로다른 뉴런 2개에 입력된다면 ? 출력은 총 2개
- 입력은?

# 다층 퍼셉트론 레이어 이야기

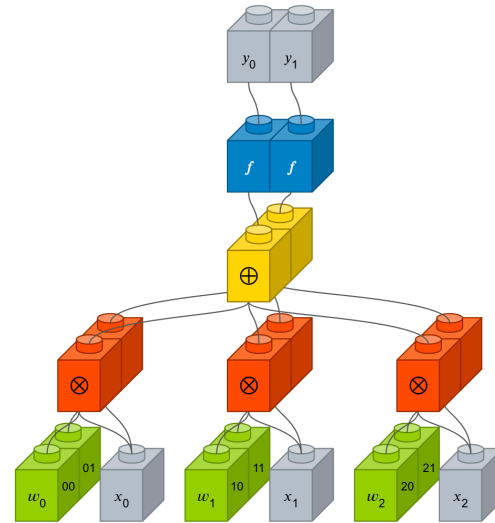


- 3개의 신호를 받는 2개의 뉴런 연결의 수는  $3 \times 2 = 6$  == 시냅스의 강도  
녹색 블럭

# Layer

- Dense
- Convolutional
- Fully connected
- Pooling layer
- Normalisation

# 입출력을 모두 연결해주는 Dense 레이어



- 입력 수 \* 출력 수 = 연결 수
- 연결 수는 가중치(연결 강도)이다.
- 가중치는 높을 수록 해당 뉴런에 영향을 크다
- Ex) 성별을 판단하는 문제에서 머리카락, 키, 혈액형이 있다면, 가중치는 머리카락, 키 > 혈액형일 것이다.  
딥러닝 학습과정에서는 이러한 가중치들이 조정된다.
- 이렇게 출력과 입력을 모두 연결하는 레이어를 Dense(전결합층)이라고 한다.



# 입출력을 모두 연결해주는 Dense 레이어

```
Dense(8, input_dim=4, init='uniform', activation='relu'))
```

- 첫번째 인자 : 출력 뉴런의 수를 설정합니다.
- input\_dim : 입력 뉴런의 수를 설정합니다.
- init : 가중치 초기화 방법 설정합니다.
  - 'uniform' : 균일 분포
  - 'normal' : 가우시안 분포
- activation : 활성화 함수 설정합니다.
  - 'linear' : 디폴트 값, 입력뉴런과 가중치로 계산된 결과값이 그대로 출력으로 나옵니다.
  - 'relu' : rectifier 함수, 은닉층에 주로 쓰입니다.
  - 'sigmoid' : 시그모이드 함수, 이진 분류 문제에서 출력층에 주로 쓰입니다.
  - 'softmax' : 소프트맥스 함수, 다중 클래스 분류 문제에서 출력층에 주로 쓰입니다.

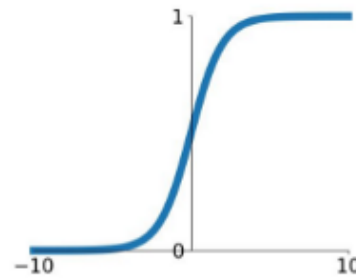
**\* Dense Layer 는 입력 뉴런수에 상관 없이 출력 뉴런 수를 설정 가능**

# Activation Function

## Activation Functions

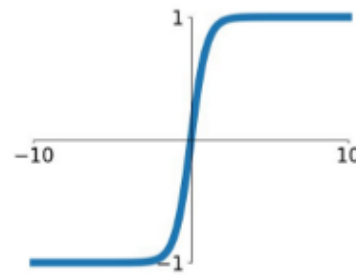
### Sigmoid

$$\sigma(x) = \frac{1}{1+e^{-x}}$$



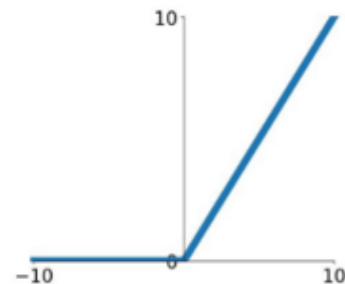
### tanh

$$\tanh(x)$$



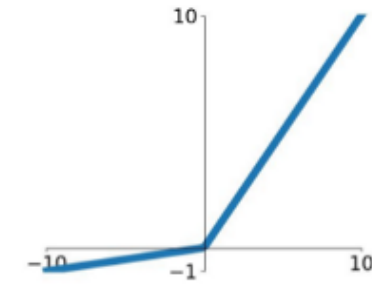
### ReLU

$$\max(0, x)$$



### Leaky ReLU

$$\max(0.1x, x)$$

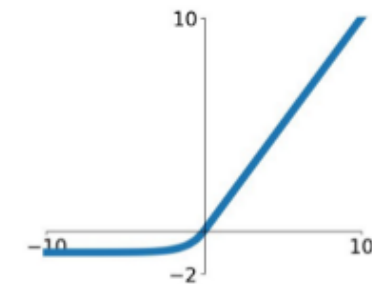


### Maxout

$$\max(w_1^T x + b_1, w_2^T x + b_2)$$

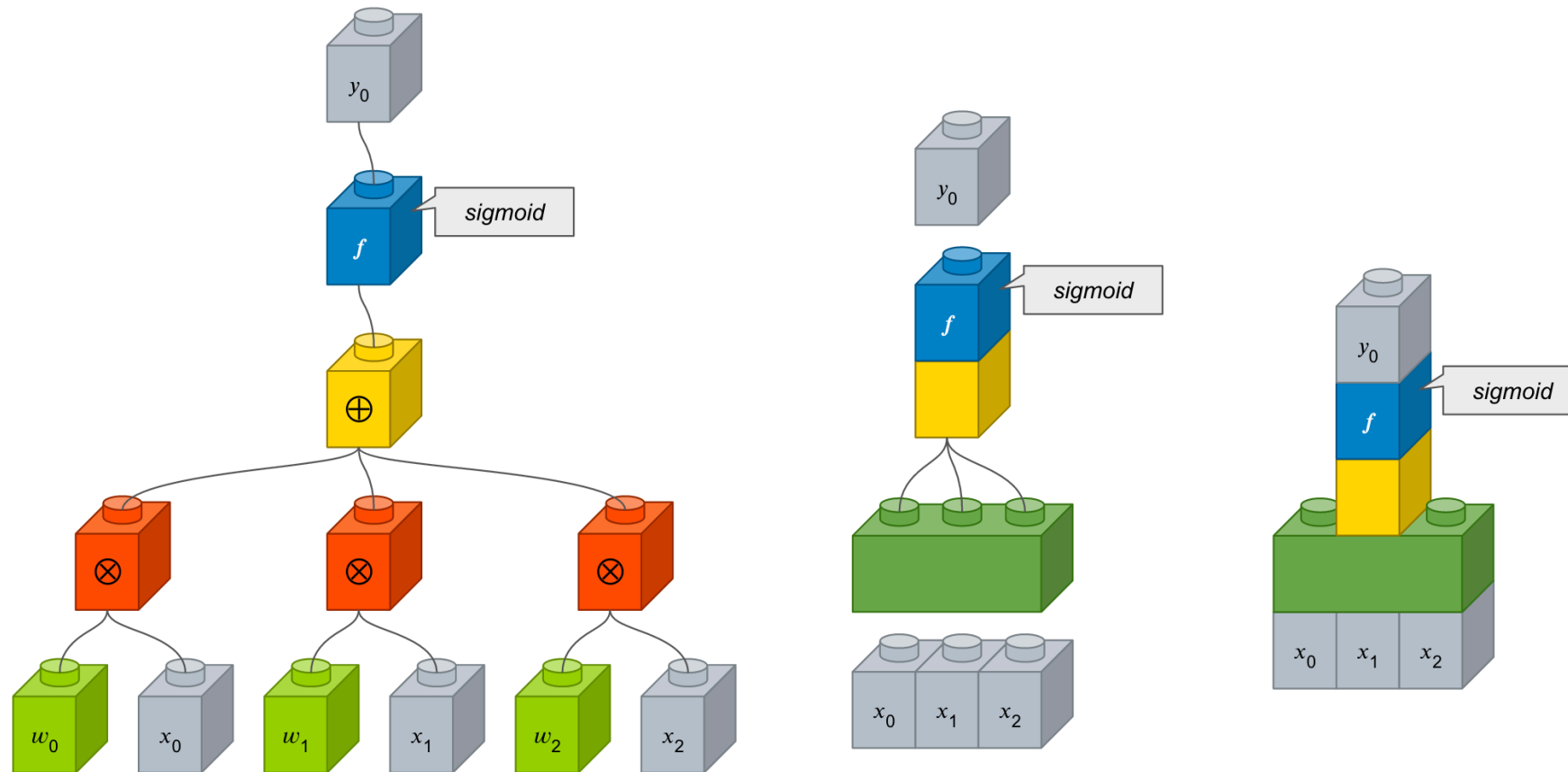
### ELU

$$\begin{cases} x & x \geq 0 \\ \alpha(e^x - 1) & x < 0 \end{cases}$$



# 입출력을 모두 연결해주는 Dense 레이어

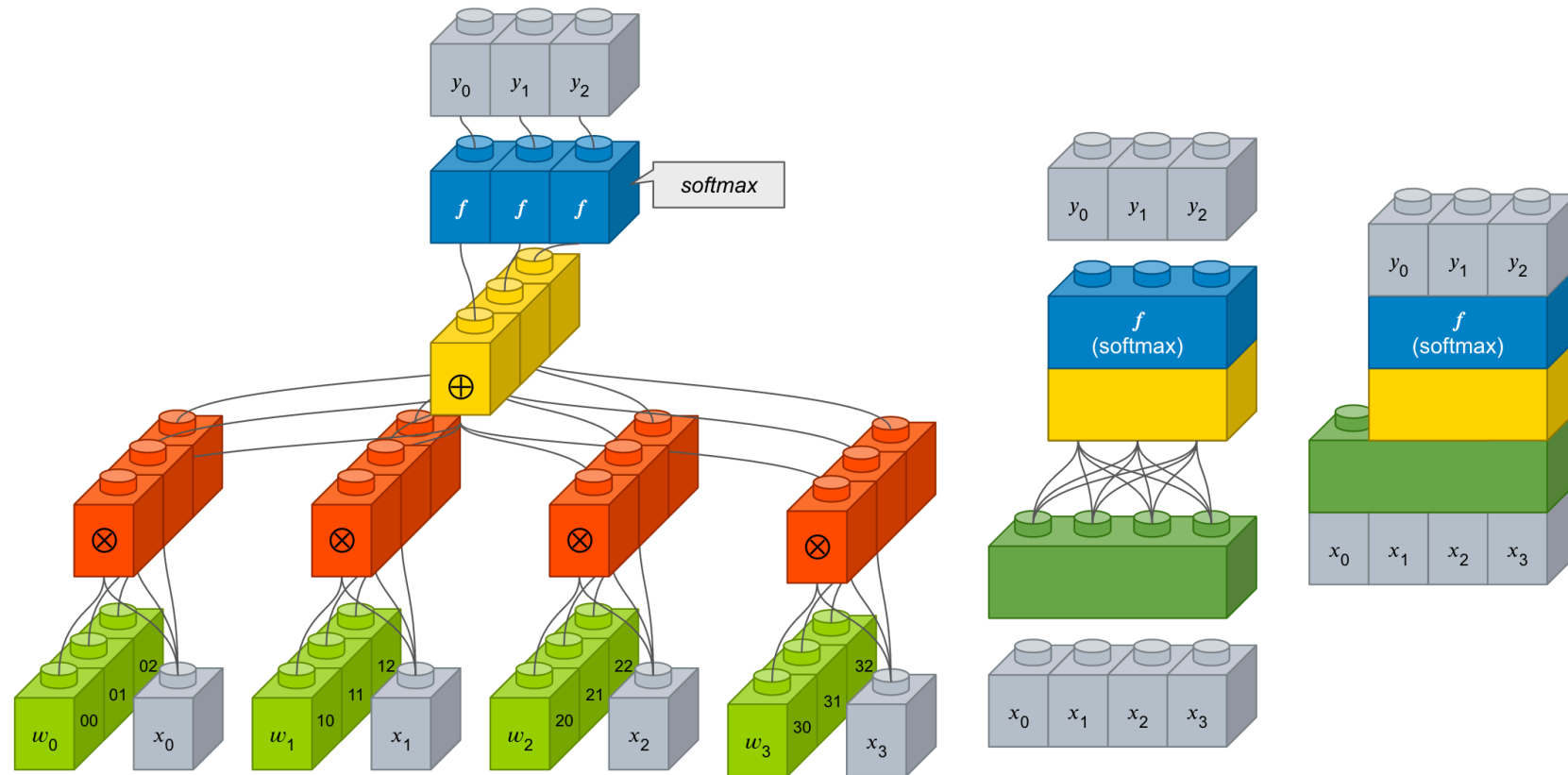
`Dense(1, input_dim=3, activation='sigmoid'))`



- 시그모이드 활성화 함수는 입력 뉴런과 가중치를 계산한 값이 0에서 1사이의 값이 나오기 때문에 이진 분류 문제에 적합합니다.

# 입출력을 모두 연결해주는 Dense 레이어

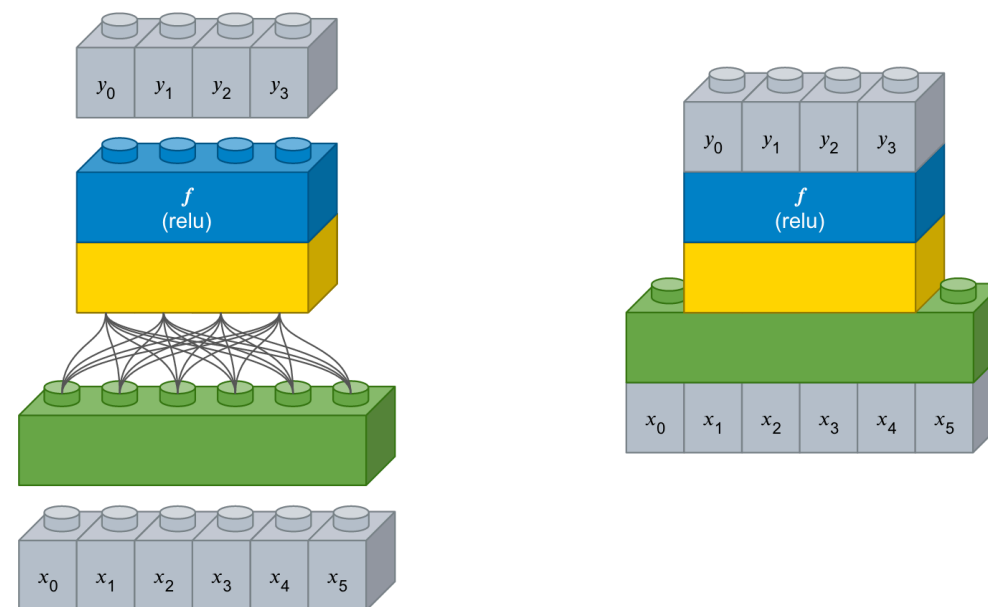
Dense(3, input\_dim=4, activation='softmax'))



- 다중 클래스 분류 문제에서는 클래스 수 만큼의 출력이 필요합니다.  
입력 뉴런과 가중치를 계산한 값이 각 클래스의 확률 개념으로 표현할 수 있는 softmax  
를 사용합니다. 입력 신호 4 \* 출력 신호 3 = 12

# 입출력을 모두 연결해주는 Dense 레이어

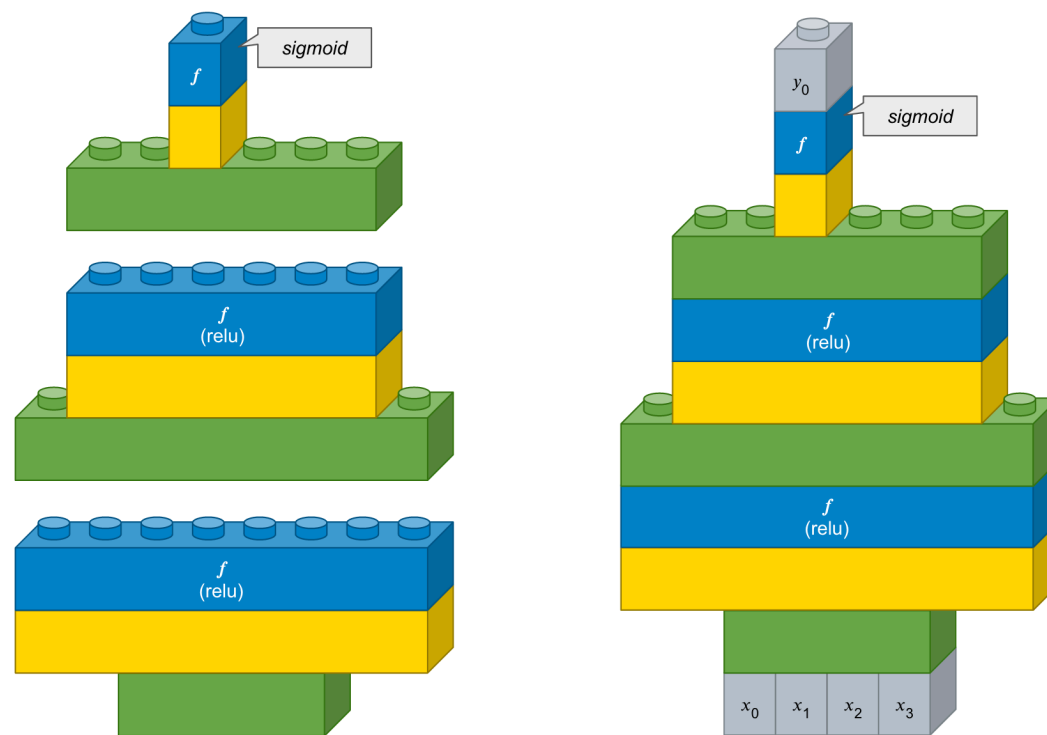
`Dense(4, input_dim=6, activation='relu'))`



- Dense Layer의 수치 입력, 은닉층일때 relu가 사용됩니다. relu는 역전파시에 성능이 좋은것으로 알려져 있습니다.

# 입출력을 모두 연결해주는 Dense 레이어

```
model.add(Dense(8, input_dim=4, init='uniform', activation='relu'))  
model.add(Dense(6, init='uniform', activation='relu'))  
model.add(Dense(1, init='uniform', activation='sigmoid'))
```



- 위의 코드에서 첫 Dense Layer 만이 입력 뉴런수를 설정해주고 이후의 Dense Layer 에서는 설정하지 않았습니다. 이전 계층으로 입력뉴런을 유추할 수 있기 때문입니다.

# 입출력을 모두 연결해주는 Dense 레이어

코드 시연

# 다층 퍼셉트론 모델 만들어보기

- 1.문제 정의하기
- 2.데이터 준비하기
- 3.데이터셋 생성하기
- 4.모델 구성하기
- 5.모델 학습과정 설정하기
- 6.모델 학습시키기
- 7.모델 평가하기



# 다층 퍼셉트론 모델 만들어보기

## 1. 문제 정의하기

**8개의 변수와 발병 유무가 기록된 ‘파마족 인디언 당뇨병 발병 데이터셋’  
이 데이터셋의 8개를 독립 변수로 보고 발병유무 예측을 이진 분류 문제로 정의**

위의 데이터를 선택한 이유

- 인스턴스 수와 속성 수가 예제로 사용하기에 적당합니다.
- 모든 특징이 정수 혹은 실수로 되어 있어서 별도의 전처리 과정이 필요없습니다.

# 다층 퍼셉트론 모델 만들어보기

## 2. 데이터 준비하기

- 인스턴스 수 : 768개 => 컬럼 개수
- 속성 수 : 8가지 =>
- 클래스 수 : 2가지 => 발병, O X

# 1. Number of times pregnant

# 2. Plasma glucose concentration a 2 hours in an oral glucose tolerance test

# 3. Diastolic blood pressure (mm Hg)

# 4. Triceps skin fold thickness (mm)

# 5. 2-Hour serum insulin (mu U/ml)

# 6. Body mass index (weight in kg/(height in m)<sup>2</sup>)

# 7. Diabetes pedigree function

# 8. Age (years)

# 9. Class variable (0 or 1)

# 1. 임신 횟수

# 2. 경구 포도당 내성 검사에서 혈장 포도당 농도 2 시간

# 3. 확장기 혈압 (mm Hg)

# 4. 삼두근 피부 배 두께 (mm)

# 5. 2 시간 혈청 인슐린 (mu U / ml)

# 6. 체질량 지수 (체중 kg / (높이) ^ 2)

# 7. 당뇨병 혈통 기능

# 8. 나이 (세)

# 9. 클래스 변수 (0 또는 1)

# 다층 퍼셉트론 모델 만들어보기

## 2. 데이터 준비하기

좀 더 살펴보면,  
양성인 경우가 268개(34.9%),  
음성인 경우가 500개(65.1%)입니다.  
즉 모델이 모두 음성이라고 판별을 한다면 65.1%의 기본 정확도(baseline accuracy)를 달성할 수 있습니다.  
즉 우리의 모델이 65.1%보다 낮으면  
모두 음성이라고 판별하는 것보다 낮은 정확도를 가진다고 생각하시면 됩니다.  
지금까지 개발된 알고리즘의 최대 정확도는 10-fold 교차검증(cross validation) 했을 때 77.7%이라고 웹사이트에는 표기되어 있습니다.

본 예제에서 우리는 적어도 65.1%보다 높은 정확도를 가진 모델을 만들어야 한다.

# 다층 퍼셉트론 모델 만들어보기

## 3. 데이터 생성하기

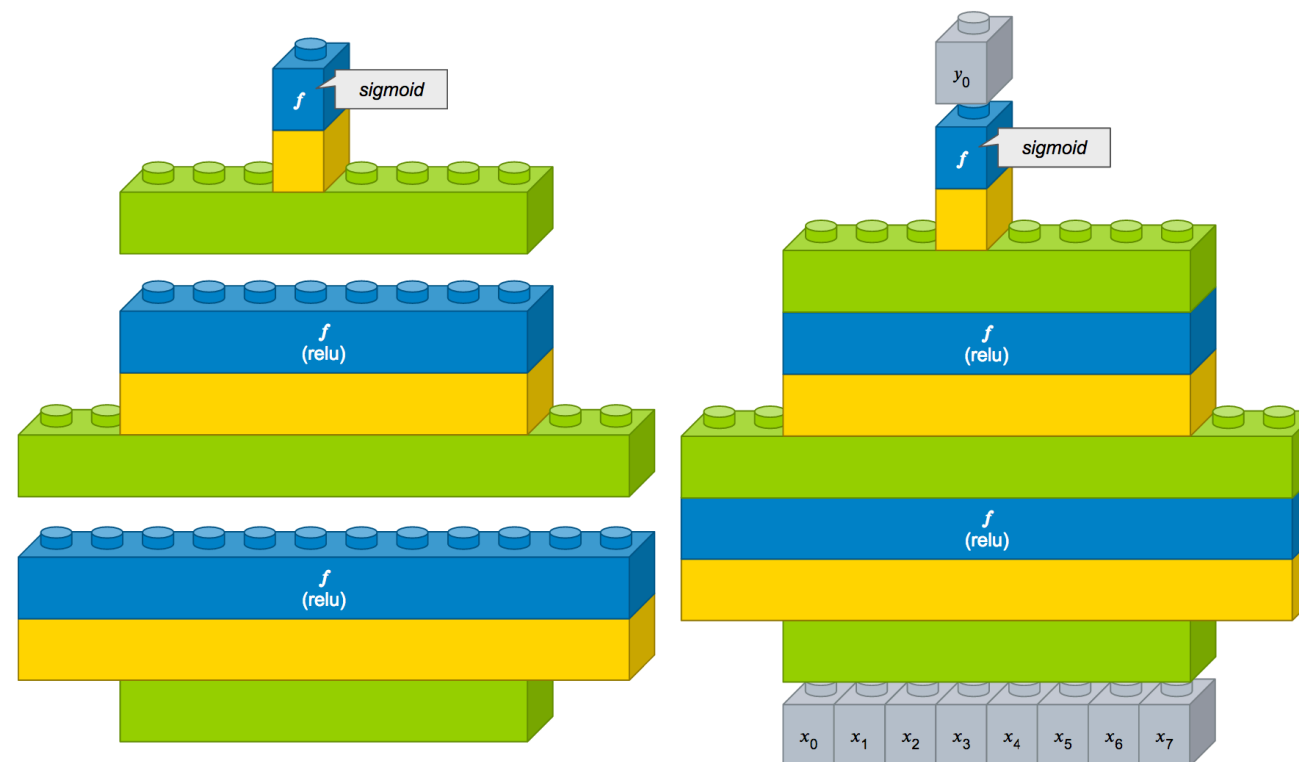
```
x_train = dataset[:700,0:8]
y_train = dataset[:700,8]
x_test = dataset[700:,0:8]
y_test = dataset[700:,8]
```

6,148,72,35,0,33.6,0.627,50,1

- # 1. Number of times pregnant
- # 2. Plasma glucose concentration a 2 hours in an oral glucose tolerance test
- # 3. Diastolic blood pressure (mm Hg)
- # 4. Triceps skin fold thickness (mm)
- # 5. 2-Hour serum insulin (mu U/ml)
- # 6. Body mass index (weight in kg/(height in m)^2)
- # 7. Diabetes pedigree function
- # 8. Age (years)
- # 9. Class variable (0 or 1)

# 다층 퍼셉트론 모델 만들어보기

## 4. 데이터 구성하기



```
model = Sequential()  
model.add(Dense(12, input_dim=8, activation='relu'))  
model.add(Dense(8, activation='relu'))  
model.add(Dense(1, activation='sigmoid'))
```

# 다층 퍼셉트론 모델 만들어보기

## 5. 모델 학습과정 설정하기

```
model.compile(loss='binary_crossentropy', optimizer='adam', metrics=['accuracy'])
```

- loss : 현재 가중치 세트를 평가하는 데 사용한 손실 함수입니다. 이진 클래스 문제이므로 'binary\_crossentropy'으로 지정합니다.

평균 제곱 계열	mean_squared_error	평균 제곱 오차
	mean_absolute_error	평균 절대 오차(실제 값과 예측 값 차이의 절
	mean_absolute_percentage_	평균 절대 백분율 오차(절댓값 오차를 절댓
	mean_squared_logarithmic_	평균 제곱 로그 오차(실제 값과 예측 값에 로
교차 엔트로피 계열	categorical_crossentropy	범주형 교차 엔트로피(일반적인 분류)
	binary_crossentropy	이항 교차 엔트로피(두 개의 클래스 중에서

- optimizer : 최적의 가중치를 검색하는 데 사용되는 최적화 알고리즘으로 효율적인 경사 하강법 알고리즘 중 하나인 'adam'을 사용합니다.  
<http://dalpo0814.tistory.com/29>
- metrics : 평가 척도를 나타내며 분류 문제에서는 일반적으로 'accuracy'으로 지정합니다. 다중 클래스 분류 문제에서는 matrices를 확장하여 사용  
[https://tykimos.github.io/2017/09/24/Custom\\_Metric/](https://tykimos.github.io/2017/09/24/Custom_Metric/)

# 다층 퍼셉트론 모델 만들어보기

## 6. 모델 학습시키기

```
model.fit(x_train, y_train, epochs=1500, batch_size=64)
```

- 첫번째 인자 : 입력 변수입니다. 8개의 속성 값을 담고 있는 X를 입력합니다.
- 두번째 인자 : 출력 변수 즉 라벨값입니다. 결과 값을 담고 있는 Y를 입력합니다.
- epochs : 전체 훈련 데이터셋에 대해 학습 반복 횟수를 지정합니다.
- batch\_size : 가중치를 업데이트할 배치 크기를 의미하며, 64개로 지정했습니다.

# 다층 퍼셉트론 모델 만들어보기

## 7. 모델 평가하기

```
scores = model.evaluate(x_test, y_test)
print("%s: %.2f%%" %(model.metrics_names[1], scores[1]*100))
```

```
67/67 [=====] - 0s 1ms/step
acc: 82.09%
```



# 다층 퍼셉트론 모델 만들어보기

코드 시연