Script3

Yosune Miquelajauregui

14/12/2017

Script de la tercera clase de estadística y modelación de sistemas socioecológicos en R.

Familia apply y graficación

Introducción al uso de funciones apply()

```
x <- matrix(rnorm(30,0.5,0.5), nrow=5, ncol=6)
head(x)
##
                                    [,3]
              [,1]
                          [,2]
                                                [,4]
                                                            [,5]
## [1,] 1.1365905 -0.513696252 0.1922149 1.05134772 0.05365742
## [2,] 0.6545673 0.005077909 0.2320833 -0.06982773 0.38260089
## [3,] 0.6759349 0.557732760 0.4103448 0.26567783 -0.70557520
## [4,] -0.3078438  0.425511605  0.3272029  0.90548569  0.33163071
## [5,] 1.3168986 0.875075427 0.2238877 0.40774854 0.40875370
                [,6]
##
## [1,] 0.697403966
## [2,] -0.661241239
## [3,] 0.007631297
## [4,] 0.387036513
## [5,] 0.486941524
```

Obtener la suma y el promedio para cada columna y renglón

```
apply(x,2,sum) ## suma de columnas

## [1] 3.4761476 1.3497014 1.3857337 2.5604320 0.4710675 0.9177721

apply(x,1,sum) ## suma de renglones

## [1] 2.6175183 0.5432604 1.2117464 2.0690236 3.7193055

apply(x,1,mean) ## promedio de renglones

## [1] 0.43625305 0.09054341 0.20195774 0.34483727 0.61988425

apply(x,2,mean) ## promedio de columnas

## [1] 0.6952295 0.2699403 0.2771467 0.5120864 0.0942135 0.1835544
```

Podemos crear una función y evaluarla dentro del apply()

```
apply (x,1,function(x) x/2)
##
                                             [,4]
             [,1]
                        [,2]
                                   [,3]
## [1,]
       0.56829526
                  0.327283648
                             0.337967464 -0.1539219 0.6584493
## [2,] -0.25684813
                 0.002538954
                             0.278866380 0.2127558 0.4375377
## [3,]
       0.09610747
                  0.116041652
                             ## [4,]
       0.52567386 -0.034913864
                             ## [5,]
       ## [6,]
       0.34870198 -0.330620620
                             0.003815648 0.1935183 0.2434708
primerafuncion <- function (x){</pre>
    x < -x*5
    Х
 }
apply (x,2,primerafuncion)
##
           [,1]
                     [,2]
                              [,3]
                                        [,4]
                                                 [,5]
                                                            [,6]
## [1,]
       5.682953 -2.56848126 0.9610747
                                   5.2567386
                                             0.2682871
                                                      3.48701983
## [2,] 3.272836 0.02538954 1.1604165 -0.3491386 1.9130044 -3.30620620
## [3,]
      3.379675
                2.78866380 2.0517241 1.3283891 -3.5278760 0.03815648
## [4,] -1.539219
                2.12755803 1.6360146 4.5274285
                                             1.6581535 1.93518256
      6.584493 4.37537714 1.1194384 2.0387427 2.0437685 2.43470762
## [5,]
```

Utilizar los datos implementados en R

```
attach(iris)
head(iris)
##
     Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
## 1
               5.1
                            3.5
                                          1.4
                                                       0.2
                                                            setosa
## 2
               4.9
                                                       0.2
                            3.0
                                          1.4
                                                            setosa
## 3
               4.7
                            3.2
                                          1.3
                                                       0.2
                                                            setosa
               4.6
## 4
                            3.1
                                          1.5
                                                       0.2
                                                            setosa
## 5
               5.0
                            3.6
                                          1.4
                                                       0.2
                                                            setosa
## 6
               5.4
                            3.9
                                          1.7
                                                       0.4
                                                            setosa
```

Utilizar tapply() sobre una hoja de datos para una variable determinada dada por un factor. El resultado es un vector. Obtener la media del ancho de los pétalos por especie.

```
tapply(iris$Petal.Width,iris$Species, mean)
## setosa versicolor virginica
## 0.246 1.326 2.026
```

Obtener la suma del ancho de los pétalos por especie.

```
tapply(iris$Petal.Width,iris$Species, sum)
## setosa versicolor virginica
## 12.3 66.3 101.3
```

Se utiliza lapply() cuando se quiere evaluar una función en una lista. El resultado es también una lista.

```
c1 <- data.frame (1,1:10)
c2 <- data.frame (1, 20:30)
mi.lista <- list (c1, c2)
lapply (mi.lista, sum)

## [[1]]
## [1] 65
##
## [[2]]
## [1] 286</pre>
```

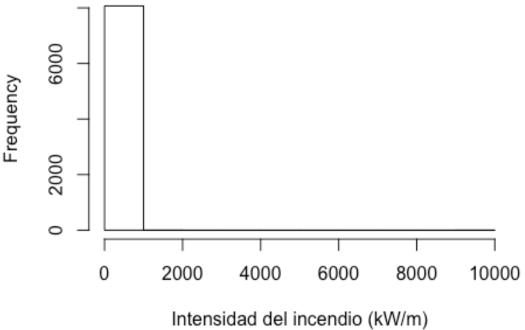
Se utiliza sapply() cuando se quiere evaluar una función en una lista. El resultado es un vector.

```
sapply (mi.lista, sum)
## [1] 65 286
```

Bestiario de gráficas

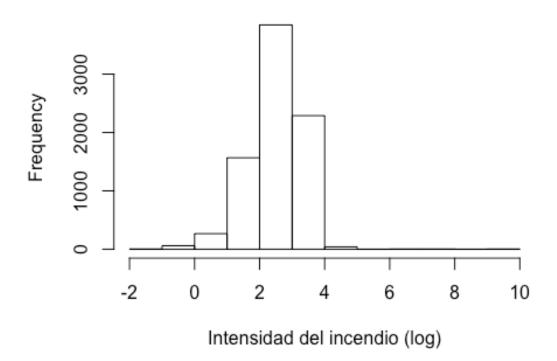
1. Histograma: se utiliza para visualizar la distribución de una variable numérica
Incendio<-read.table("Fire_intensity.txt", header = T)
Incendio <- na.omit(Incendio)
hist(Incendio\$Fire.intensity,main = "Histograma sin transformación",xlab
= "Intensidad del incendio (kW/m)")</pre>

Histograma sin transformación



```
Incendio$logFire.intensity <-</pre>
  log(Incendio$Fire.intensity)
hist(Incendio$logFire.intensity, xlab = "Intensidad del incendio (log)",
main = "Histograma con transformación")
```

Histograma con transformación

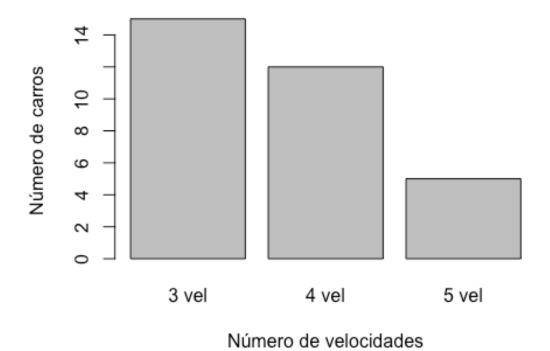


2. Barras: se utiliza para graficar frecuencias, medias, desviación estándar.

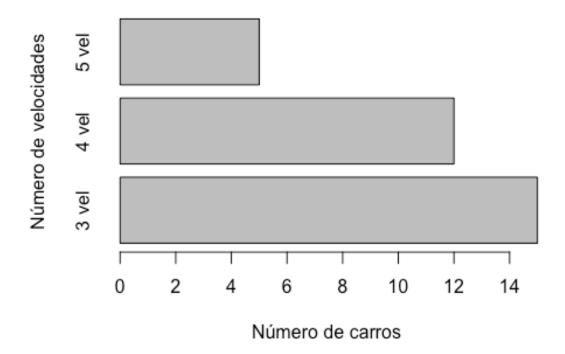
```
carros <- mtcars[c(1,2,6,10)]
names(carros)<- c("eficiencia","cilindros","peso","velocidades")
str(carros)

## 'data.frame': 32 obs. of 4 variables:
## $ eficiencia : num 21 21 22.8 21.4 18.7 18.1 14.3 24.4 22.8 19.2 ...
## $ cilindros : num 6 6 4 6 8 6 8 4 4 6 ...
## $ peso : num 2.62 2.88 2.32 3.21 3.44 ...
## $ velocidades: num 4 4 4 3 3 3 3 4 4 4 ...

conteo <- table(carros$velocidades)
barplot(conteo,names.arg=c("3 vel","4 vel","5 vel"),xlab="Número de velocidades",ylab="Número de carros") # barras verticales</pre>
```



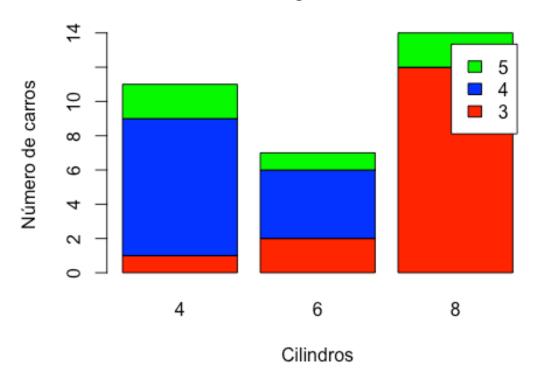
barplot(conteo, ylab="Número de velocidades",xlab="Número de carros", hor
iz=TRUE,names.arg=c("3 vel","4 vel","5 vel")) # barras horizontales



3. Barras apiladas

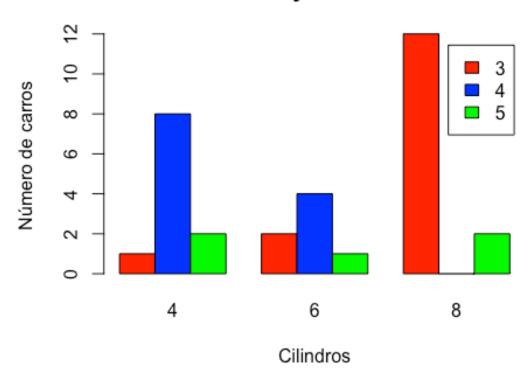
```
conteo2 <- table(carros$velocidades,carros$cilindros)
barplot(conteo2, main="Cilindros y velocidades"
, xlab="Cilindros",ylab= "Número de carros",col=c("red","blue","green"),
legend=rownames(conteo2))</pre>
```

Cilindros y velocidades



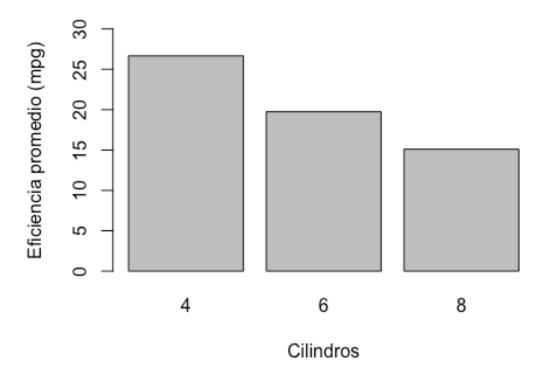
barplot(conteo2, main="Cilindros y velocidades"
, xlab="Cilindros",ylab="Número de carros",col=c("red","blue","green"),le
gend = rownames(conteo2),beside=TRUE)

Cilindros y velocidades

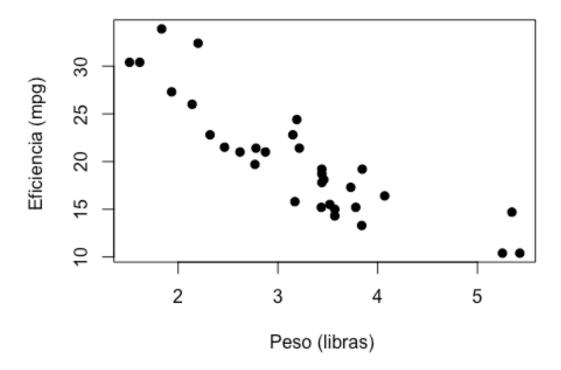


4. Usar la función aggregate() para obtener medias y otras métricas para una o más variables numéricas ygraficar con barplot()

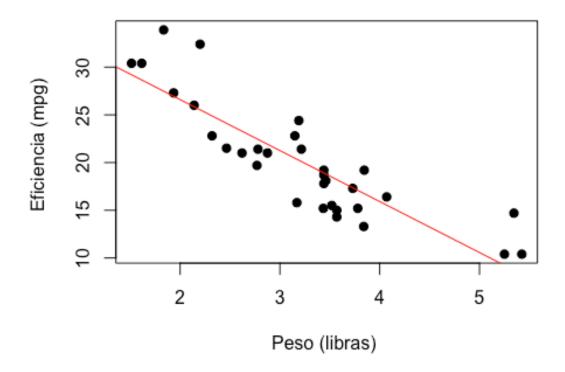
```
aggdatos <-aggregate(carros$eficiencia,by=list(carros$cilindros),FUN=mean
, na.rm=TRUE)
names(aggdatos) <- c("Cilindros","Eficiencia")
barplot(aggdatos$Eficiencia, ylab= "Eficiencia promedio (mpg)",xlab="Cilindros", names.arg=aggdatos$Cilindros, ylim=c(0,30))</pre>
```



5. Gráfico de dispersión x-y plot()

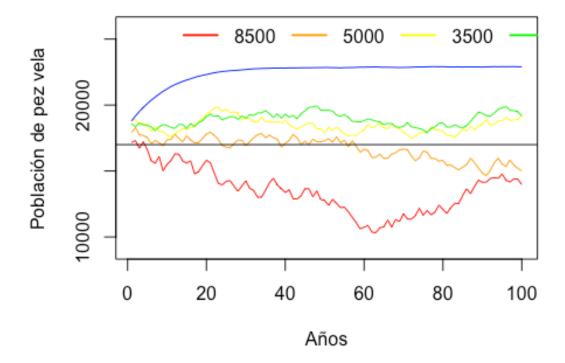


6. Añadir línea de ajuste y~x



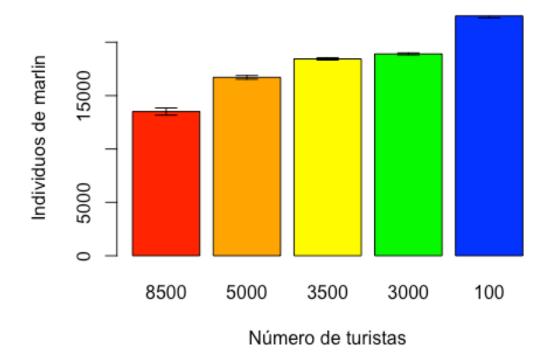
7. Grafica de lineas

```
ModeloResultados <- read.csv(file="ModeloPezVela.csv", header=T)
Años <- seq(1,100)# crear secuencia
plot(Años,ModeloResultados[,1],type="l", col="red", ylim = c(9000,26000),
ylab = "Población de pez vela")
lines(Años,ModeloResultados[,2],type="l", col="orange")
lines(Años,ModeloResultados[,3],type="l", col="yellow")
lines(Años,ModeloResultados[,4],type="l", col="green")
lines(Años,ModeloResultados[,5],type="l", col="blue")
abline( h = 17000)
legend(10,27000, c("8500","5000","3500","3000","100"), horiz=TRUE,bty="n"
,
lty=1,lwd=2,col=c("red","orange","yellow","green","blue"))</pre>
```



8. Obtener medias con colMeans() y/o apply(), calcular desviaciones estándar y graficar

```
names(ModeloResultados)<- c("8500","5000","3500","3000","100")
###función para graficar desviación estándar
error.bar <- function(x, y, upper, lower=upper, length=0.1,...){
if(length(x) != length(y) | length(y) !=length(lower) | length(lower) !=
length(upper))
stop("vectors must be same length")
arrows(x,y+upper, x, y-lower, angle=90, code=3, length=length, ...)
}
###Calcular medias
medias <- colMeans(ModeloResultados)
ymedia <- apply(ModeloResultados,2,mean)
ed.y <- apply(ModeloResultados,2,sd)
barx <-barplot(ymedia,col=c("red","orange","yellow","green","blue"), xlab
="Número de turistas", ylab="Individuos de marlin")
error.bar(barx,ymedia, 1.96*ed.y/10)</pre>
```



9. Para hacer gráficas en ggplot los datos deben estar estructurados como hoja de datos y en formato "largo" en vez de "ancho".

```
#formato "largo"
#crear nueva variable "Escenario"
E <- c("8500","5000","3500","3000","100")
E2 <- rep(E, each=100)
E8500 <- ModeloResultados[,1]
E5000 <- ModeloResultados[,2]
E3500 <- ModeloResultados[,3]
E3000 <- ModeloResultados[,4]
E100 <- ModeloResultados[,5]
DataE <- c (E8500,E5000,E3500,E3000,E100)
Data <- as.data.frame(E2)
Data$Poblacion <- DataE
names(Data)<- c("Escenario","Poblacion")
Data$Poblacion <- as.factor(Data$Escenario)
Data$Poblacion <- as.numeric(Data$Poblacion)</pre>
```

Función para calcular media, des. estandar, intervalos de confianza

```
summarySE <- function(data=NULL, measurevar, groupvars=NULL, na.rm=FALSE,
conf.interval=.95, .drop=TRUE) {
library(plyr)</pre>
```

```
length2 <- function (x, na.rm=FALSE) {
  if (na.rm) sum(!is.na(x))
    else length(x)
  }

datac <- ddply(data, groupvars, .drop=.drop,
  .fun = function(xx, col) {
  c(N= length2(xx[[col]], na.rm=na.rm),
  mean = mean (xx[[col]], na.rm=na.rm),
  sd = sd (xx[[col]], na.rm=na.rm))
  },measurevar)

datac <- rename(datac, c("mean" = measurevar))
datac$se <- datac$sd / sqrt(datac$N)
  ciMult <- qt(conf.interval/2 + .5, datac$N-1)
datac$ci <- datac$se * ciMult
  return(datac)
}</pre>
```

Gráfico con 95% intervalos de confianza

```
library(ggplot2)
## Warning: package 'ggplot2' was built under R version 3.3.2
resumen <- summarySE(Data, measurevar="Poblacion", groupvars=c("Escenario
"))
resumen
##
    Escenario
                N Poblacion
                                   sd
                                             se
## 1
          100 100 22463.37 868.2680 86.82680 172.28322
          3000 100 18907.68 493.3825 49.33825 97.89778
## 2
## 3
          3500 100 18437.15 534.2071 53.42071 105.99828
         5000 100 16708.59 877.5461 87.75461 174.12419
## 4
         8500 100 13507.28 1717.8586 171.78586 340.86042
## 5
grafica <- ggplot(resumen, aes(x=Escenario, y=Poblacion)) +</pre>
geom_bar(position=position_dodge(), stat="identity") + geom_errorbar(aes(y
min=Poblacion-ci, ymax=Poblacion+ci), width=.2,
                                                                position
=position_dodge(.9))
grafica
```

