ΕΡΓΑΣΙΑ 1η

ΜΕΛΗ:

ΣΩΤΗΡΗΣ ΠΑΝΟΥΡΓΙΑΣ 3200128 ΘΕΟΦΑΝΗΣ ΠΑΠΑΔΟΠΟΥΛΟΣ 3200135

Μερος Α

Η κλάση StringDoubleEndedQueueImpl υλοποιεί τη διεπαφή StringDoubleEndedQueue. Αυτή η διεπαφή ορίζει τις βασικές λειτουργίες ενός διπλά συνδεδεμένου ουράς (double-ended queue) που περιέχει στοιχεία τύπου String. Ας αναλύσουμε τον κώδικα και τις λειτουργίες που προσφέρει:

- 1. Πεδια κλασης
 - □ Node first : Πρωτος κομβος ουρας
 - □ Node last : Τελευταιος κομβος ουρας
 - \Box Int size : Μεγεθος Ουρας
- 2. Κλαση Node: αναπαριστα έναν String κομβο της ουρας και συνδεεται με τον προηγουμενο και τον επομενο κομβο
- 3. Μεθοδος isEmpty() : επιστρεφει true αν η ουρα είναι κενη και αν όχι false
- 4. Μεθοδος AddFirst AddLast : Προσθετουν έναν κομβο στην αρχη και στο τελος αντιστοιχα
- 5. Μεθοδος removeFirst removeLast : αφαιρουν και επιστρεφουν το πρωτο και το τελευταιο στοιχειο της ουρας αντιστοιχα
- 6. Μεθοδος getFirst getLast: επιστρεφουν το πρωτο και το τελευταιο στοιχειο της ουρας αντιστοιχα
- 7. Μεθοδος PrintQueue: εκτυπωνει τα στοιχεια της ουρας
- 8. Μεθοδος size : επιστεφει το μεγεθος της ουρας

Μερος Β

Στο 2° μερος καλουμαστε να χρησιμοποιησουμε την παραπανω υλοποιηση για να μετατρεψουμε μια αλγεβρικη παρασταση από μεταθεματικη σε ενθεματικη μορφη.

Αρχικα διαβαζουμε την μεταθεματικη μορφη της παραστασης ελεγχουμε αν αυτό που διαβασαμε είναι null και με την μεθοδο convPrefixToInfix που δεχεται ένα string και επιστρεφει μια ουρα μηκους 1 με τον string με την ενθεματικη μορφη.

Μεσα στην συναρτηση ελεγχουμε αν η παρασταση είναι σε σωστη μορφη αν είναι τοτε προχωραμε στην μετατροπη περνοντας από όλα τα στοιχεια της παραστασης αν το συμβολο είναι ψηφιο τοτε το κανουμε addLast, ενώ αν είναι συμβολο(+-*/)τοτε κανουμε removeLast 2 στοιχεια και φτιαχνουμε το αποτελεσμα και το κανουμε addLast στην ουρα. Τελος ελεγχουμε αν η ουρα είναι μηκους 1 αν δεν είναι τοτε η παρασταση θα είναι σε λαθος μορφη και επιστεφουμε το καταλληλο μηνυμα αλλιως επιστεφουμε την ουρα και με το PrintQueue την εμφανιζουμε σε μεταθεματικη μορφη

Μερος Γ

Στο 3° μερος καλουμαστε να χρησιμοποιησουμε την παραπανω υλοποιηση για να ελέγξουμε μια ακολουθια DNA αν είναι Watson. Στην αρχη διαβαζουμε την ακολουθια μεχρι να δωθει ακολουθια σε σωστη μορφη ,με βαση την συναρτηση isValidDNASequence η οποια ελεγχει αν η ακολουθια είναι null,κενο και αν κάθε χαρακτηρας είναι εγκυρος και τοτε δημιουργουμε μια ουρα προσθετοντας τα στοιχεια της ακολουθιας μεσα με την συναρτηση CreateQ.

Μετα για να γινει ο ελεγχος καλουμε την συναρτηση isWatson

Η οποια ελεγχει αν είναι σωστα αυτό γινεται ελεγχοντας το 1° και το τελευταιο στοιχειο της λιστας αν είναι σωστα με βαση τους νομους δηλαδη αν το 1° στοιχειο είναι Α το τελευταιο να είναι Τ ώστε η συμπλήρωση τους να είναι βγαζει την ακολουθια αναποδα. Αν όλα είναι με βαση τους κανονες που ελεγχουμε κανουμε return true αλλιως return false