#### Algorytmy Grafowe

dr hab. Bożena Woźna-Szcześniak, prof. UJD

Uniwersytet Jana Długosza w Częstochowie

b.wozna@ujd.edu.pl

Wykład 13 i 14

### Spis treści

- 🚺 Grafy skierowane z wagami przypomnienie
- Algorytm Bellmana-Forda
  - Przykład
- Algorytm Dijkstry
  - Przykład 1
  - Przykład 2
- Algorytm Floyda-Warshalla
  - Twórcy
  - Informacje wstępne
  - Pseudokod
  - Przykład
- Algorytm Johnsona
  - Pseudokod
  - Przykład

#### Graf skierowany z wagami

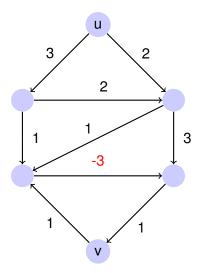
#### Definicja

Grafem skierowanym z wagami nazywamy strukturę

 $G = (V, E, weight : E \rightarrow Z)$  gdzie

- V to zbiór wierzchołków,
- $E \subseteq \{(u, v) : u, v \in V\}$  to zbiór uporządkowanych par wierzchołków ze zbioru V, zwanych krawędziami.
- weight :  $E \rightarrow Z$  jest funkcją wagi (odległości).

#### Graf skierowany z wagami - przykład



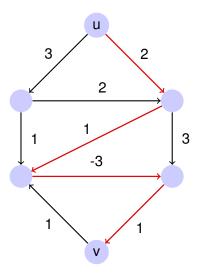
### Drzewo najkrótszych ścieżek

#### Sformułowanie problemu

- Wejście:
  - Graf skierowany z wagami  $G = (V, E, weight : E \rightarrow Z)$
  - Wierzchołek  $r \in V$ , zwany **korzeniem**.
- Wyjście:
  - Drzewo T o korzeniu r takie, że ścieżka z r do każdego wierzchołka u w T jest najkrótszą scieżką z r do u w grafie G.
- Założenie: Rozważane grafy mają wierzchołki osiągalne z wybranego wierzchołka (korzenia) r <sup>a</sup>.

<sup>&</sup>lt;sup>a</sup>Dlaczego? Wierzchołki nieosiągalne mogą być usunięte w czasie liniowym

#### Graf skierowany z wagami - przykład



#### Pytanie:

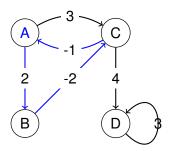
 Czy najkrótsza ścieżka pomiędzy wierzchołkami u i v może zawierać cykl?

#### Odpowiedź:

 Jeśli w grafie istnieje najkrótsza ścieżka z u do v, to w grafie tym również istnieje najkrótsza ścieżka z u do v, która nie zawiera cykli.

### Ujemne cykle

 Niech G = (V, E, weight : E → Z) będzie grafem skierowanym z wagami. Cykl ujemny w grafie G, to cykl C, którego waga weight(C) jest ujemna.



• C=(A,B,C,A), w(C) = -1.

#### Richard Ernest Bellman - (26.08.1920-19.03.1984)

- Richard Ernest Bellman znany jako twórca:
  - programowania dynamicznego.
  - algorytmu Bellmana-Forda.
- W 1979 roku otrzymał IEEE
   <u>Medal of Honor</u> za "wkład w
   teorie sterowania i procesów
   decyzyjnych, szczególnie za
   opracowanie teorii
   programowania
   dynamicznego".



**Źródło**: http://logistyka.math.uni.lodz.pl/Bellman.jpeg

 Więcej na http://en. wikipedia.org/wiki/ Richard E. Bellman

## Lester Randolph Ford, junior (23.09.1927-26.02.2017)

- Amerykański matematyk specjalizujący się w algorytmach przepływu w sieci.
- Syn matematyka Lester R. Forda, seniora.
- Autor algorytmu
   <u>Bellmana-Forda</u>, służcego do znajdowania najkrótszej ścieżki w grafach z wagami.



Źródło:http://wazniak.mimuw.edu.pl/index.php?title=Grafika:
Ford-portret.jpg

### Algorytm Bellmana-Forda

- Algorytm obliczający najkrótsze ścieżki z danego wierzchołka źródłowego do wszystkich pozostałych wierzchołków w skierowanym grafie z wagami.
- Wolniejszy od algorytmu Dijkstry dla tego samego problemu, ale bardziej uniwersalny, ponieważ jest w stanie obsługiwać grafy, które zawierają krawędze o ujemnej wadze, ale nie zawierają ujemnych cykli.
- Algorytm po raz pierwszy został zaproponowany przez Alfonso Shimbela w 1955 roku, ale został nazwany imieniem Richarda Bellmana i Lestera Forda, Jr., gdyż to oni opublikowali ten algorytm odpowiednio w 1958 i 1956 roku.
- Edward F. Moore opublikował również ten sam algorytm w 1957 r., Dlatego też algorytm ten nazywany jest również algorytmem Bellmana-Forda-Moore'a 1.

<sup>&</sup>lt;sup>1</sup>Bang-Jensen, Jorgen; Gutin, Gregory (2000). Digraphs: Theory, Algorithms and Applications

```
Input: Graf
    G(V, E, weight)
    wierzchołek początkowy
    Src.
 1: for all v in V do
 2: v.distance = \infty;
   v.prev = Null;
 4: end for
 5: src.distance = 0
 6: for i=1 to |V| - 1 do
      for all (u, v) in E do
        relax(u, v);
 8:
   end for
 9.
10: end for
```

```
Input: Graf
    G(V, E, weight)
   wierzchołek początkowy
    Src.
 1: for all v in V do
 2: v.distance = \infty:
   v.prev = Null;
 4: end for
 5: src.distance = 0
 6: for i=1 to |V| - 1 do
      for all (u, v) in E do
        relax(u, v);
 8:
      end for
 9.
10: end for
```

 L.1-4: Pętla for ustawia dla każdego wierzchołka grafu parametr distance (odległość) na nieskończoność oraz wskaźnik prev na zero. prev jest wskaźnikiem do poprzednika danego wierzchołka – pozwala na odtworzenie najkrótszej ścieżki.

```
Input: Graf
    G(V, E, weight)
   wierzchołek początkowy
    Src.
 1: for all v in V do
 2: v.distance = \infty;
    v.prev = Null;
 4: end for
 5: src.distance = 0
 6: for i=1 to |V| - 1 do
      for all (u, v) in E do
        relax(u, v);
 8:
      end for
10: end for
```

- L.1-4: Pętla for ustawia dla każdego wierzchołka grafu parametr distance (odległość) na nieskończoność oraz wskaźnik prev na zero. prev jest wskaźnikiem do poprzednika danego wierzchołka – pozwala na odtworzenie najkrótszej ścieżki.
- L.5: Odległość dla wierzchołka początkowego ustawiana jest na zero.

```
Input: Graf
    G(V, E, weight)
    wierzchołek początkowy
    Src.
 1: for all v in V do
 2: v.distance = \infty:
    v.prev = Null;
 4: end for
 5: src.distance = 0
 6: for i=1 to |V| - 1 do
      for all (u, v) in E do
        relax(u, v);
      end for
10: end for
```

- L.1-4: Pętla for ustawia dla każdego wierzchołka grafu parametr distance (odległość) na nieskończoność oraz wskaźnik prev na zero. prev jest wskaźnikiem do poprzednika danego wierzchołka – pozwala na odtworzenie najkrótszej ścieżki.
- L.5: Odległość dla wierzchołka początkowego ustawiana jest na zero.
- L.7-9: Pętla for przechodzi przez każdą krawędź grafu (u, v) i dokonuje jej tzw. relaksacji. Proces ten wykonywany jest |V| – 1 razy

#### Relaksacja krawędzi

- Relaksacja krawędzi jest najważniejszym krokiem w algorytmie Bellmana-Forda.
- Relaksacja krawędzi to sprawdzenie, czy przy przejściu daną krawędzią grafu (u, v) (tj. z 'u' do 'v'), nie otrzymamy krótszej ścieżki niż dotychczasowa ze źródła 'src' do 'v'. Jeżeli tak, to zmniejszamy oszacowanie wagi v.distance najkrótszej ścieżki.

```
relax(u, v):
```

- 1: if v.distance > u.distance + weight(u, v) then
- v.distance = u.distance + weight(u, v)
- 3: v.prev = u
- 4: end if

# Wykrywanie ujemnych cykli - pseudokod

```
Input: Graf G(V, E, weight), wierzchołek
    poczatkowy src.
 1: for all v in V do
 2: v.distance = \infty;
 3: v.prev = Null;
 4. end for
 5: src.distance = 0
 6: for i=1 to |V| - 1 do
      for all (u, v) in E do
        relax(u, v);
      end for
10: end for
11: for all (u, v) in E do
     if v.distance > u.distance + weight(u, v)
      then
13:
        "Istnieje ujemny cykl!"
14: end if
15: end for
```

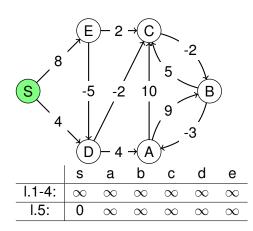
Krótki i prosty dodatek do algorytmu Bellmana-Forda pozwala mu wykrywać **ujemne cykle**.

#### Złożoność algorytmu Bellmana-Forda

- Algorytm Bellman-Forda wykonuje |E| relaksacji dla każdej iteracji.
- Iteracji jest |V| − 1.
- Dlatego w najgorszym przypadku, algorytm Bellmana-Forda działa w czasie  $O(|V| \cdot |E|)$ .

### Ustawienie początkowe parametru distance

```
Input: G(V, E, weight), src.
 1: for all v in V do
      v.distance = \infty;
      v.prev = Null;
 4: end for
 5: src.distance = 0
 6: for i=1 to |V| - 1 do
      for all (u, v) in E do
 8:
         relax(u, v);
      end for
10: end for
11: for all (u, v) in E do
      if v.distance > u.distance +
12.
      weight(u, v) then
13:
         "Istnieje ujemny cykl!"
      end if
14.
15: end for
```



### Proces relaksacji, iteracja 1, slajd I

```
Require: G(V, E, weight), src.

1: ...

2: for i=1 to |V| - 1 do

3: for all (u, v) in E do

4: relax(u, v);
```

W pętli I.3-5 krawędzie rozważane są w porządku leksykograficznym: ab, ac, ba, bc, cb, da, dc, ec, ed, sd, se.

```
6: end for
```

5: end for

7: ...

Krawędź ab:

```
b.distance > a.distance + weight(a, b)
```

$$\infty > \infty + 9$$
 – false

Krawędź ac:

$$c.distance > a.distance + weight(a, c)$$

$$\infty > \infty + 10$$
 – false

## Proces relaksacji, iteracja 1, slajd II

- Krawędź ba:
   a.distance > b.distance + weight(b, a)
   \infty > \infty 3 false
- Krawędź bc:
   c.distance > b.distance + weight(b, c)
   \infty > \infty + 5 false
- Krawędź cb:
   b.distance > c.distance + weight(c, b)
   ∞ > ∞ − 2 − false
- Krawędź da:
   a.distance > d.distance + weight(d, a)
   \infty > \infty + 4 false

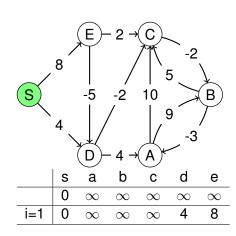
## Proces relaksacji, iteracja 1, slajd III

- Krawędź dc:
  - c.distance > d.distance + weight(d, c)
  - $\infty > \infty 2$  false
- Krawędź ec:
  - c.distance > e.distance + weight(e, c)
  - $\infty > \infty + 2$  false
- Krawędź ed:
  - d.distance > e.distance + weight(e, d)
  - $\infty > \infty 5$  false
- Krawędź sd:
  - d.distance > s.distance + weight(s, d)
  - $\infty > 0 + 4 \text{true}$ ; d.distance = 4
- Krawędź se:
  - e.distance > s.distance + weight(s, e)
  - $\infty > 0 + 8$  true; *e.distance* = 8

## Proces relaksacji, iteracja 1, slajd IV

```
Input: G(V, E, weight), src.
 2: for i=1 to |V| - 1 do
      for all (u, v) in E do
         relax(u, v);
 5:
      end for
 6: end for
 7: for all (u, v) in E do
      if v.distance > u.distance +
 8:
      weight(u, v) then
         "Istnieje ujemny cykl!"
      end if
10.
11: end for
```

W pętli I.3-5 krawędzie rozważane są w porządku leksykograficznym: ab, ac, ba, bc, cb, da, dc, ec, ed, sd, se.



### Proces relaksacji, iteracja 2, slajd I

```
Require: G(V, E, weight), src.

1: ...

2: for i=1 to |V| - 1 do

3: for all (u, v) in E do

4: relax(u, v);
```

W pętli I.3-5 krawędzie rozważane są w porządku leksykograficznym: ab, ac, ba, bc, cb, da, dc, ec, ed, sd, se.

6: end for

5: end for

7: ...

Krawędź ab:

```
b.distance > a.distance + weight(a, b)
```

$$\infty > \infty + 9$$
 – false

Krawędź ac:

$$c.distance > a.distance + weight(a, c)$$

$$\infty > \infty + 10$$
 – false

## Proces relaksacji, iteracja 2, slajd II

- Krawędź ba:
   a.distance > b.distance + weight(b, a)
   \infty > \infty 3 false
- Krawędź bc:
   c.distance > b.distance + weight(b, c)
   \infty > \infty + 5 false
- Krawędź cb:
   b.distance > c.distance + weight(c, b)
   ∞ > ∞ − 2 − false
- Krawędź da:
   a.distance > d.distance + weight(d, a)
   \infty > 4 + 4 true;
   a.distance = 8

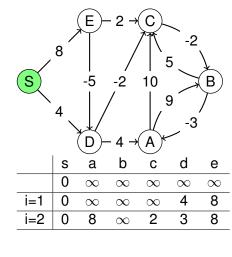
### Proces relaksacji, iteracja 2, slajd III

- Krawędź dc:
   c.distance > d.distance + weight(d, c)
- $\infty > 4 2$  true; c.distance = 2
- Krawędź ec:
  - c.distance > e.distance + weight(e, c)
  - 2 > 8 + 2 false
- Krawędź ed:
  - d.distance > e.distance + weight(e, d)
  - 4 > 8 5 true; *d.distance* = 3
- Krawędź sd:
  - d.distance > s.distance + weight(s, d)
  - 3 > 0 + 4 false;
- Krawędź se:
  - e. distance > s. distance + weight(s, e)
  - 8 > 0 + 8 false;

## Proces relaksacji, iteracja 2, slajd IV

```
Input: G(V, E, weight), src.
 2: for i=1 to |V| - 1 do
      for all (u, v) in E do
         relax(u, v);
      end for
 6: end for
 7: for all (u, v) in E do
      if v.distance > u.distance +
 8:
      weight(u, v) then
         "Istnieje ujemny cykl!"
      end if
10.
11: end for
```

W pętli I.2-6 krawędzie rozważane są w porządku leksykograficznym: ab, ac, ba, bc, cb, da, dc, ec, ed, sd, se.



### Proces relaksacji, iteracja 3, slajd I

```
1: ...
2: for i=1 to |V| - 1 do
3: for all (u, v) in E do
4: relax(u, v);
5: end for
6: end for
7: ...
```

**Require:** G(V, E, weight), src.

W pętli I.3-5 krawędzie rozważane są w porządku leksykograficznym: ab, ac, ba, bc, cb, da, dc, ec, ed, sd, se.

```
Krawędź ab:
```

b.distance > a.distance + weight(a, b)  $\infty$  > 8 + 9 - true; b.distance = 17

Krawędź ac:
 c.distance > a.distance + weight(a, c)
 2 > 8 + 10 - false

# Proces relaksacji, iteracja 3, slajd II

- Krawędź ba:
   a.distance > b.distance + weight(b, a)
   8 > 17 3 false
- Krawędź bc:
   c.distance > b.distance + weight(b, c)
   2 > 17 + 5 false
- Krawędź cb:
   b.distance > c.distance + weight(c, b)
   17 > 2 2 true; b.distance = 0
- Krawędź da:
   a.distance > d.distance + weight(d, a)
   8 > 3 + 4 true; a.distance = 7

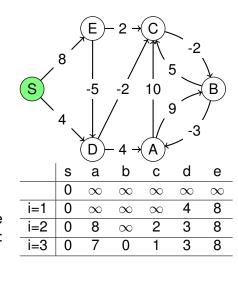
## Proces relaksacji, iteracja 3, slajd III

- Krawędź dc:
  - c.distance > d.distance + weight(d, c)
  - 2 > 3 2 true; *c. distance* = 1
- Krawędź ec:
  - c.distance > e.distance + weight(e, c)
  - 1 > 8 + 2 false
- Krawędź ed:
  - d.distance > e.distance + weight(e, d)
  - 3 > 8 5 false;
- Krawędź sd:
  - d.distance > s.distance + weight(s, d)
  - 3 > 0 + 4 false;
- Krawędź se:
  - e.distance > s.distance + weight(s, e)
  - 8 > 0 + 8 false;

# Proces relaksacji, iteracja 3, slajd IV

```
Input: G(V, E, weight), src.
 2: for i=1 to |V| - 1 do
      for all (u, v) in E do
         relax(u, v);
      end for
 6: end for
 7: for all (u, v) in E do
      if v.distance > u.distance +
 8:
      weight(u, v) then
         "Istnieje ujemny cykl!"
      end if
10:
11: end for
```

W pętli I.2-6 krawędzie rozważane są w porządku leksykograficznym: ab, ac, ba, bc, cb, da, dc, ec, ed, sd, se.



### Proces relaksacji, iteracja 4, slajd I

```
Require: G(V, E, weight), src.
```

1: ...

```
W petli I.3-5 krawędzie rozważane
2: for i=1 to |V| - 1 do
                                   są w porządku leksykograficznym:
3: for all (u, v) in E do
                                   ab. ac. ba. bc. cb. da. dc. ec. ed.
4: relax(u, v);
                                   sd. se.
5: end for
6: end for
7: ...
 Krawędź ab:
    b.distance > a.distance + weight(a, b)
    0 > 7 + 9 - false:
 Krawedź ac:
    c.distance > a.distance + weight(a, c)
    1 > 7 + 10 - false
```

# Proces relaksacji, iteracja 4, slajd II

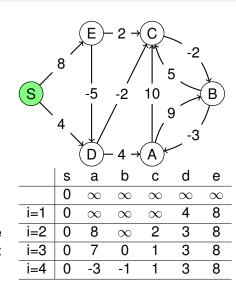
- Krawędź ba:
   a.distance > b.distance + weight(b, a)
   7 > 0 3 true: a.distance = -3
- Krawędź bc:
   c.distance > b.distance + weight(b, c)
   1 > 0 + 5 false
- Krawędź cb:
   b.distance > c.distance + weight(c, b)
   0 > 1 2 true; b.distance = -1
- Krawędź da:
   a.distance > d.distance + weight(d, a)
   -3 > 3 + 4 false:

## Proces relaksacji, iteracja 4, slajd III

- Krawędź dc:
   c.distance > d.distance + weight(d, c)
   1 > 3 2 false:
- Krawędź ec:
   c.distance > e.distance + weight(e, c)
   1 > 8 + 2 false
- Krawędź ed:
   d.distance > e.distance + weight(e, d)
   3 > 8 5 false;
- Krawędź sd:
   d.distance > s.distance + weight(s, d)
   3 > 0 + 4 false;
- Krawędź se:
   e.distance > s.distance + weight(s, e)
   8 > 0 + 8 false;

# Proces relaksacji, iteracja 4, slajd IV

```
Input: G(V, E, weight), src.
 2: for i=1 to |V| - 1 do
      for all (u, v) in E do
        relax(u, v);
      end for
 6: end for
 7: for all (u, v) in E do
      if v.distance > u.distance +
 8:
      weight(u, v) then
        "Istnieje ujemny cykl!"
      end if
10:
11: end for
W petli I.2-6 krawedzie rozważane
są w porządku leksykograficznym:
ab. ac. ba. bc. cb. da. dc. ec. ed.
sd. se.
```



### Proces relaksacji, iteracja 5, slajd I

#### Require: G(V, E, weight), src.

```
1: ...
2: for i=1 to |V| - 1 do
3: for all (u, v) in E do
4: relax(u, v);
5: end for
6: end for
```

W pętli I.3-5 krawędzie rozważane są w porządku leksykograficznym: ab, ac, ba, bc, cb, da, dc, ec, ed, sd, se.

Krawędź ab:

7: ...

- b.distance > a.distance + weight(a, b)
- -1 > -3 + 9 false;
- Krawędź ac:

```
c.distance > a.distance + weight(a, c)
```

$$1 > -3 + 10 - false;$$

# Proces relaksacji, iteracja 5, slajd II

- Krawędź ba:
  - a.distance > b.distance + weight(b, a)
  - -3 > -1 3 true; *a.distance* = -4
- Krawędź bc:
  - c.distance > b.distance + weight(b, c)
  - 1 > -1 + 5 false;
- Krawędź cb:
  - b.distance > c.distance + weight(c, b)
  - -1 > 1 2 false;
- Krawędź da:
  - a.distance > d.distance + weight(d, a)
  - -3 > 3 + 4 -false;

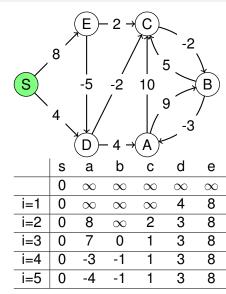
# Proces relaksacji, iteracja 5, slajd III

- Krawędź dc:
   c.distance > d.distance + weight(d, c)
   1 > 3 2 false:
- Krawędź ec:
   c.distance > e.distance + weight(e, c)
   1 > 8 + 2 false
- Krawędź ed:
   d.distance > e.distance + weight(e, d)
   3 > 8 5 false;
- Krawędź sd:
   d.distance > s.distance + weight(s, d)
   3 > 0 + 4 false;
- Krawędź se:
   e.distance > s.distance + weight(s, e)
   8 > 0 + 8 false;

# Proces relaksacji, iteracja 5, slajd IV

```
Input: G(V, E, weight), src.
 2: for i=1 to |V| - 1 do
      for all (u, v) in E do
         relax(u, v);
      end for
 6: end for
 7: for all (u, v) in E do
      if v.distance > u.distance +
 8:
      weight(u, v) then
         "Istnieje ujemny cykl!"
      end if
10:
11: end for
```

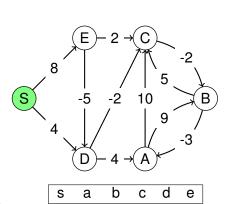
W pętli I.2-6 krawędzie rozważane są w porządku leksykograficznym: ab, ac, ba, bc, cb, da, dc, ec, ed, sd, se.



# Badanie istnienia ujemnych cykli - slajd I

```
1: ...
 2: for i=1 to |V| - 1 do
 3:
      for all (u, v) in E do
         relax(u, v);
      end for
 5:
 6: end for
 7: for all (u, v) in E do
 8:
      if v.distance > u.distance +
      weight(u, v) then
        "Istnieje ujemny cykl!"
      end if
10.
11: end for
W petli I.7-11 krawedzie rozważane
są w porządku leksykograficznym:
ab. ac. ba. bc. cb. da. dc. ec. ed.
sd. se.
```

Input: G(V, E, weight), src.



3 8

# Badanie istnienia ujemnych cykli - slajd II

#### Require: G(V, E, weight), src.

- 1: ...
- 2: **for all** (u, v) in E **do**
- 3: if v.distance > u.distance +
   weight(u, v) then
- 4: "Istnieje ujemny cykl!"
- 5: end if
- 6: end for
  - Krawędź ab:

```
b.distance > a.distance + weight(a, b)
-1 > -3 + 9 - false;
```

Krawędź ac:

```
c.distance > a.distance + weight(a, c)
```

$$1 > -4 + 10 - false$$
:

W pętli I.3-6 krawędzie rozważane są w porządku leksykograficznym: ab, ac, ba, bc, cb, da, dc, ec, ed, sd, se.

# Badanie istnienia ujemnych cykli - slajd III

- Krawędź ba:
  - a.distance > b.distance + weight(b, a) -4 > -1 - 3 - false:
- Krawędź bc:
  - c.distance > b.distance + weight(b, c)
  - 1 > -1 + 5 false;
- Krawędź cb:
  - b.distance > c.distance + weight(c, b)
  - -1 > 1 2 false;
- Krawędź da:
  - a.distance > d.distance + weight(d, a)
  - -4 > 3 + 4 false;

### Badanie istnienia ujemnych cykli - slajd IV

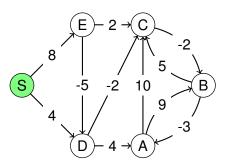
- Krawędź dc:
   c.distance > d.distance + weight(d, c)
   1 > 3 2 false;
- Krawędź ec:
   c.distance > e.distance + weight(e, c)
   1 > 8 + 2 false
- Krawędź ed:
   d.distance > e.distance + weight(e, d)
   3 > 8 5 false:
- Krawędź sd:
   d.distance > s.distance + weight(s, d)
   3 > 0 + 4 false;

# Badanie istnienia ujemnych cykli - slajd V

Krawędź se:
 e.distance > s.distance + weight(s, e)
 8 > 0 + 8 - false;

Wniosek: Brak ujemnych cykli!

### Przykład - podsumowanie



	s	а	b	С	d	е
	$\infty$	$\infty$	$\infty$	$\infty$	$\infty$	$\infty$
	0	$\infty$	$\infty$	$\infty$	$\infty$	$\infty$
i=1	0	$\infty$	$\infty$	$\infty$	4	8
i=2	0	8	$\infty$	2	3	8
i=3	0	7	0	1	3	8
i=4	0	-3	-1	1	3	8
i=5	0	-4	-1	1	3	8

# Algorytm Dijkstry I

- Algorytm Dijkstry został opublikowany w 1959 roku i nazwany na cześć swojego twórcy holenderskiego informatyka Edsgera Dijkstry.
- Algorytm Dijkstry można zastosować do grafu z wagami
   G(V, E, weight). Graf ten może być skierowany lub nieskierowany.
- Algorytm Dijkstry służy do wyznaczania najmniejszej odległości od ustalonego wierzchołka scr do wszystkich pozostałych w grafie.
- W odróżnieniu jednak od Algorytmu Bellmana-Forda, graf wejściowy nie może zawierać krawędzi o ujemnych wagach.

# Algorytm Dijkstry II

- W algorytmie pamiętany jest zbiór wierzchołków Q, dla których nie obliczono jeszcze najkrótszych ścieżek, oraz wektor distance, odległości od wierzchołka src do pozostałych wierzchołków.
- Początkowo zbiór Q zawiera wszystkie wierzchołki, a wektor distance jest ustawiony na wartość "nieznana".
- Dopóki zbiór Q nie jest pusty wykonuj:
  - Pobierz ze zbioru Q wierzchołek v o najmniejszej wartości v.distance i usuń go ze zbioru.
  - Dla każdego następnika u wierzchołka v sprawdź, czy
     u.distance > v.distance + w((v, u)), tzn. czy aktualne oszacowanie
     odległości do wierzchołka u jest większe od oszacowania
     odległości do wierzchołka v plus waga krawędzi (v, u).

# Algorytm Dijkstry - pseudokod I

**Require:** Graf G(V, E, weight) taki, że  $weight(e) \ge 0$  dla każdego  $e \in E$  oraz wierzchołek źródłowy  $src \in V$ .

**Ensure:** Parametr v.distance dla każdego  $v \in V$  taki że v.distance jest równe minimalnej odległości od src do v.

```
    src.distance = 0;
    Q = {src};
    for all v in V \ {src} do
    v.distance = ∞;
    Q = Q ∪ {v};{Dodaj v do Q.}
    end for
    while Q ≠ ∅ do
    v = wierzchołek z Q o najmniejszej wartości v.distance;
    Q = Q \ {v}; {Usuń v z Q.}
```

10: **for all** u in adj[v] **do** 

# Algorytm Dijkstry - pseudokod II

```
if u.distance > v.distance + weight(v, u) then
u.distance = v.distance + weight(v, u);
end if
end for
end while
return wartości distance dla każdego wierzchołka v ∈ V;
```

#### Złożoność<sup>a</sup>

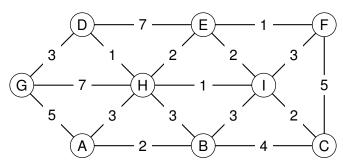
Algorytm Dijkstry można zaimplementować (przy użyciu tak zwanych kopców Fibonacciego) w czasie  $O(|V| \cdot log(|V|) + |E|)$ .

<sup>&</sup>lt;sup>a</sup>M.L. Fredman and R.E. Tarjan. Fibonacci heaps and their uses in improved network optimization algorithms. J. Assoc. Computer Machinery, 34(3):596–615,1987

# Slajd I

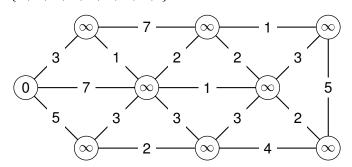
#### Przykład zaczerpniety z https:

//brilliant.org/wiki/dijkstras-short-path-finder/.



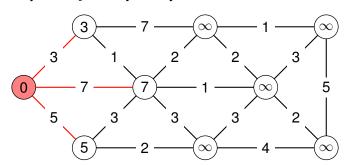
# Slajd II

- Krok 1: Odległości zainicjalizowane zgodnie z algorytmem.
- scr = G
- $Q = \{A, B, C, D, E, F, G, H, I\}.$



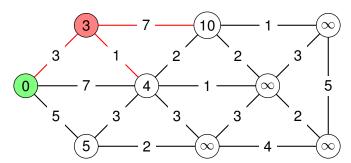
# Slajd III

- Krok 2: Wybierz pierwszy wierzchołek i obliczyć odległości do jego sąsiadów.
- $v = G; Q = Q \setminus \{G\} = \{A, B, C, D, E, F, H, I\}.$
- relaksacja krawędzi incydentnych z G.



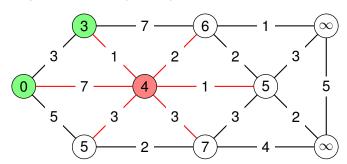
# Slajd IV

- Krok 3: Wybieramy kolejny węzeł o minimalnej odległości; następnie powtarzamy obliczenia odległości dla sąsiadujących wierzchołków.
- $v = D; Q = Q \setminus \{D\} = \{A, B, C, E, F, H, I\}.$
- relaksacja krawędzi incydentnych z D.



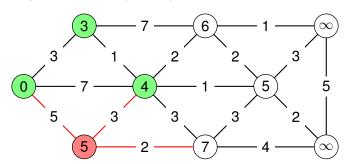
# Slajd V

- Krok 4: Wybieramy kolejny węzeł o minimalnej odległości; następnie powtarzamy obliczenia odległości dla sąsiadujących wierzchołków.
- $v = H; Q = Q \setminus \{H\} = \{A, B, C, E, F, I\}.$
- relaksacja krawędzi incydentnych z H.



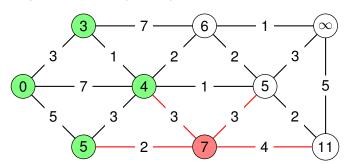
# Slajd VI

- Krok 5: Wybieramy kolejny węzeł o minimalnej odległości; następnie powtarzamy obliczenia odległości dla sąsiadujących wierzchołków.
- v = A;  $Q = Q \setminus \{A\} = \{B, C, E, F, I\}$ .
- relaksacja krawędzi incydentnych z A.



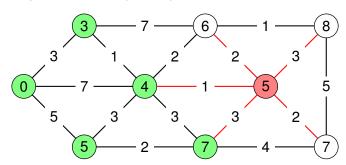
# Slajd VII

- Krok 6: Wybieramy kolejny węzeł o minimalnej odległości; następnie powtarzamy obliczenia odległości dla sąsiadujących wierzchołków.
- v = B;  $Q = Q \setminus \{B\} = \{C, E, F, I\}$ .
- relaksacja krawędzi incydentnych z B.



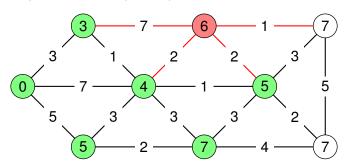
# Slajd VIII

- Krok 7: Wybieramy kolejny węzeł o minimalnej odległości; następnie powtarzamy obliczenia odległości dla sąsiadujących wierzchołków.
- v = I;  $Q = Q \setminus \{I\} = \{C, E, F\}$ .
- relaksacja krawędzi incydentnych z I.



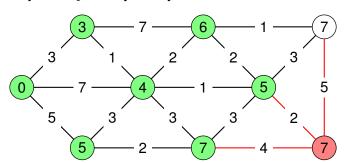
# Slajd IX

- Krok 8: Wybieramy kolejny węzeł o minimalnej odległości; następnie powtarzamy obliczenia odległości dla sąsiadujących wierzchołków.
- v = E;  $Q = Q \setminus \{E\} = \{C, F\}$ .
- relaksacja krawędzi incydentnych z E.



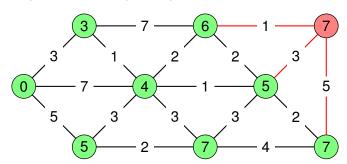
# Slajd X

- Krok 9: Wybieramy kolejny węzeł o minimalnej odległości; następnie powtarzamy obliczenia odległości dla sąsiadujących wierzchołków.
- v = C;  $Q = Q \setminus \{C\} = \{F\}$ .
- relaksacja krawędzi incydentnych z C.



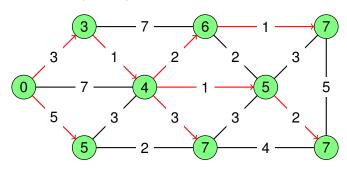
# Slajd XI

- Krok 10: Wybieramy kolejny węzeł o minimalnej odległości; następnie powtarzamy obliczenia odległości dla sąsiadujących wierzchołków.
- v = F;  $Q = Q \setminus \{F\} = \emptyset$ .
- relaksacja krawędzi incydentnych z F.



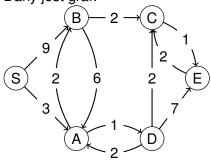
# Slajd XII

Wynikowe drzewo najkrótszych ścieżek:



# Slajd I

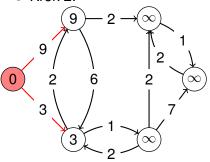
#### Dany jest graf:



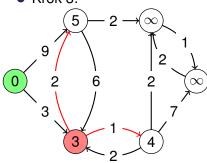
- Krok 1: Odległości zainicjalizowane zgodnie z algorytmem.
- src = S;  $Q = \{S, A, B, C, D, E\}$

# Slajd II

• Krok 2:

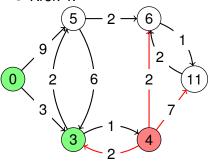


• Krok 3:

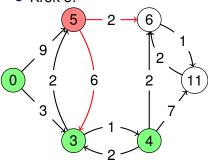


# Slajd III

• Krok 4:

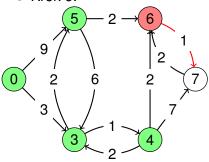


• Krok 5:

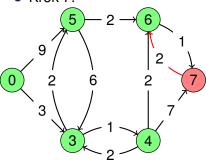


# Slajd IV

• Krok 6:

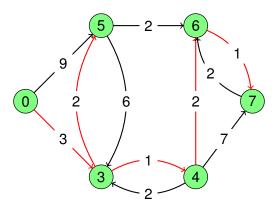


• Krok 7:



# Slajd V

Wynikowe drzewo najkrótszych ścieżek:



### Robert W. Floyd

- Robert W (Bob) Floyd, ur. 9.06.1936, zm. 26/09.2001 amerykański informatyk.
- Znany z algorytmu Floyda-Warshalla, który efektywnie znajduje wszystkie najkrótsze ścieżki w grafie.
- Laureat nagrody Turinga nadawanej przez organizację ACM 1978.
- Laureat nagrody Pioniera Informatyki, nadawanej przez ogranizację IEEE Computer Society – 1991
- Więcej na: https://en.wikipedia.org/wiki/Robert\_W.\_Floyd

# Stephen Warshall

- Stephen Warshall, ur. 15.11.1935, zm. 11.12.2006 amerykański informatyk.
- Znany z algorytmu Floyda-Warshalla, który efektywnie znajduje wszystkie najkrótsze ścieżki w grafie.
- Podczas swojej kariery naukowej S. Warshall prowadził badania w zakresie systemów operacyjnych, projektowania kompilatorów, projektowania języków oraz analizy operacyjnej.
- Więcej na: https://en.wikipedia.org/wiki/Stephen Warshall

### Algorytm Floyda-Warshalla

- Algorytm Floyda-Warshalla został zaproponowany niezależnie przez Roberta W. Floyda i Stephena Warshalla w pracach:
  - R. W. Floyd. Algorithm 97: shortest path. Communications of the ACM, 5:345, 1962.
  - S. Warshall. A theorem on boolean matrices. J. ACM, 9:11–12, 1962
- Algorytm Floyda-Warshalla, podobnie jak algorytm
   Bellmana-Forda lub algorytm Dijkstry, oblicza najkrótszą ścieżkę w grafie.
- Algorytmy Bellmana-Forda oraz Dijkstry obliczają najkrótszą ścieżkę tylko z jednego źródła. Algorytm Floyda-Warshalla oblicza najkrótsze odległości pomiędzy każdą parą wierzchołków w grafie.

# Slajd I

```
Input: Graf G(V, E, weight).
Output: Miacierz D taka, że D[i][j] jest najkrótszą odległością od
    wierzchołka i do i
 1: for all D[i][j] \in D do
      if i == i then
        D[i][i] = 0:
 3:
    end if
 4.
 5: if (i, j) jest krawędzią z E then
 6:
        D[i][j] = weight(i, j);
      else
 7:
        D[i][j] = \infty;
 8:
      end if
 9:
10: end for
11: for k=1 to |V| do
```

# Slajd II

```
12: for all i=1 to |V| do

13: for all j=1 to |V| do

14: if D[i][j] > D[i][k] + D[k][j] then

15: D[i][j] = D[i][k] + D[k][j];

16: end if

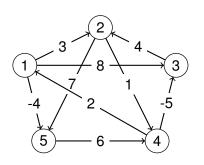
17: end for

18: end for
```

#### Złożoność obliczeniowa I

- Algorytm Floyda-Warshalla można zaimplementować w czasie O(|V|<sup>3</sup>).
- Algorytm Floyda-Warshall jest zależny tylko od liczby wierzchołków w grafie. Czyni go to szczególnie użytecznym dla grafów gęstych, gdyż w ogóle nie zależy od liczby krawędzi.

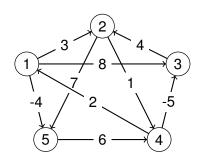
# Slajd I



	1	2	3	4	5
1	0	3	8	$\infty$	-4
2	$\infty$	0	$\infty$	1	7
3	$\infty$	4	0	$\infty$	$\infty$
4	2	$\infty$	-5	0	$\infty$
5	$\infty$	$\infty$	$\infty$	6	0

Macierz *D* po wykonaniu linii 1–10 algorytmu Floyda-Warshalla.

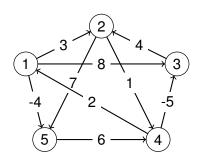
### Slajd II



	1	2	3	4	5
1	0	3	8	$\infty$	-4
2	$\infty$	0	$\infty$	1	7
3	$\infty$	4	0	$\infty$	$\infty$
4	2	5	-5	0	-2
5	$\infty$	$\infty$	$\infty$	6	0

Macierz *D* po wykonaniu linii 11–19 algorytmu Floyda-Warshalla, dla k=1.

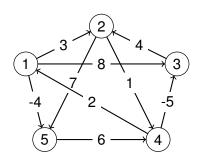
#### Slajd III



	1	2	3	4	5
1	0	3	8	4	-4
2	$\infty$	0	$\infty$	1	7
3	$\infty$	4	0	5	11
4	2	5	-5	0	-2
5	$\infty$	$\infty$	$\infty$	6	0

Macierz *D* po wykonaniu linii 11–19 algorytmu Floyda-Warshalla, dla k=2.

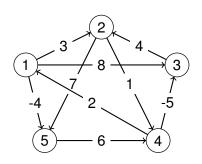
### Slajd IV



	1	2	3	4	5
1	0	3	8	4	-4
2	$\infty$	0	$\infty$	1	7
3	$\infty$	4	0	5	11
4	2	-1	-5	0	-2
5	$\infty$	$\infty$	$\infty$	6	0

Macierz *D* po wykonaniu linii 11–19 algorytmu Floyda-Warshalla, dla k=3.

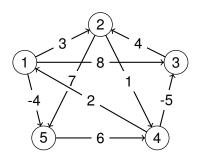
# Slajd V



	1	2	3	4	5
1	0	3	-1	4	-4
2	3	0	-4	1	-1
3	7	4	0	5	3
4	2	-1	-5	0	-2
5	8	5	1	6	0

Macierz *D* po wykonaniu linii 11–19 algorytmu Floyda-Warshalla, dla k=4.

# Slajd VI



	1	2	3	4	5
1	0	1	-3	2	-4
2	3	0	-4	1	-1
3	7	4	0	5	3
4	2	-1	-5	0	-2
5	8	5	1	6	0

Macierz *D* po wykonaniu linii 11–19 algorytmu Floyda-Warshalla, dla k=5.

### Wprowadzenie, slajd I

- Algorytm Johnsona podobnie jak algorytm Floyda-Warshalla zajmuje się znalezieniem najkrótszych ścieżek dla wszystkich par wierzchołków.
- Algorytm Floyda-Warshalla jest najbardziej efektywny w przypadku grafów gęstych (wiele krawędzi), natomiast gdy algorytm Johnsona jest najbardziej skuteczny w przypadku grafów rzadkich (niewiele krawędzi).
- Powodem, dla którego algorytm Johnsona jest lepszy dla grafów rzadkich, jest to, że jego złożoność czasowa zależy również od liczby krawędzi w grafie, podczas gdy w algorytmie Floyda-Warshalla nie.

# Wprowadzenie, slajd II

• Algorytm Johnsona działa w czasie  $O(|V|^2 \cdot log(|V|) + |V| \cdot |E|)$ . Zatem, jeśli liczba krawędzi jest mała (tzn. graf jest rzadki), będzie on działał szybciej niż algorytm Floyd-Warshall, który działa w czasie  $O(|V|^3)$ .

Algorytm Johnsona składa się z trzech głównych kroków.

- Dodajemy nowy wierzchołek do grafu i łączymy go krawędziami o zerowej wadze z wszystkimi pozostałymi wierzchołkami grafu.
- Wykonujemy dla wszystkich krawędzi proces ponownego ważenia, który eliminuje ujemne wagi, przy pomocy algorytmu Bellmana-Forda.
- Usuwamy wierzchołek dodany w kroku 1 i uruchamiamy algorytm Dijkstry dla każdego węzła w grafie.

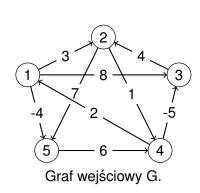
### Slajd I

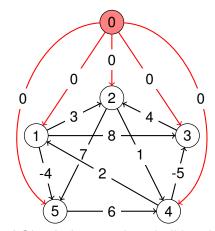
```
Require: Graf G(V, E, weight).
Ensure: Miacierz D taka, że D[i][j] jest najkrótszą odległością od
   wierzchołka i do i
 1: Utwórz G' taki, że G'.V = G.V + \{s\}, G'.E = G.E + \{(s, u)| dla
   każdego u \in G.V oraz weight(s, u) = 0 dla każdego u \in G.V
2: if Bellman – Ford(G', s) == False then
     return Graf ma ujemny cykl.
 4: else
   for all v \in G'. V do
 5:
        h(v) = distance(s, v) obliczony przez algorytm
 6:
        Bellmana-Forda
     end for
 7:
     for all (u, v) \in G'.E do
 8:
        weight'(u, v) = weight(u, v) + h(u) - h(v);
 9:
```

# Slajd II

```
end for
10:
11:
      for all D[i][j] \in D do
        D[i][j] = \infty;
12:
      end for
13:
     for all u \in G.V do
14.
        wykonaj Dijkstra(G, weight', u) aby obliczyć distance'(u, v) dla
15:
        każdego v \in G.V.
        for all v \in G.V do
16:
           D[u][v] = distance'(u, v) + h(v) - h(u);
17:
        end for
18:
      end for
19:
20: end if
```

#### Linia 1 algorytmu.





Graf G' z dodanym wierzchołkiem i krawędziami. L. 1 algorytmu.

## Linie 2-7 algorytmu. Slajd I

- Wiemy, że graf nie ma ujemnych cykli.
- Poniżej wykonanie L. 5-7 algorytmu.
- Wierzchołek źródłowy: 0.
- Lista krawędzi: (0,1), (0,2), (0,3), (0,4), (0,5), (1,2), (1,3), (1,5). (2,4), (2,5), (3,2), (4,1), (4,3), (5,4).
- Relaksacja, wykonana |V'| 1 = 5 razy:



i=1:

0	1	2	3	4	5
0	$\infty$	$\infty$	$\infty$	$\infty$	$\infty$

• (0,1): 1.distance > 0.distance + weight(0,1).  $\infty > 0 + 0$ . 1.distance = 0.

### Linie 2-7 algorytmu. Slajd II

- (0,2): 2.distance > 0.distance + weight(0,2).  $\infty > 0 + 0$ . 2.distance = 0.
- (0,3): 3.distance > 0.distance + weight(0,3).  $\infty > 0 + 0$ . 3.distance = 0.
- (0,4): 4.distance > 0.distance + weight(0,4).  $\infty > 0 + 0$ . 4.distance = 0.
- (0,5): 5.distance > 0.distance + weight(0,5).  $\infty > 0 + 0$ . 5.distance = 0.
- (1,2): 2.distance > 1.distance + weight(1,2).
   0 > 0 + 3. brak korekty.
- (1,3): 3.distance > 1.distance + weight(1,3).
   0 > 0 + 8. brak korekty.
- (1,5): 5. distance > 1. distance + weight (1,5). 0 > 0 + (-4). 5. distance = -4.
- (2,4): 4.distance > 2.distance + weight(2,4).
   0 > 0 + 1. brak korekty.

### Linie 2-7 algorytmu. Slajd III

- (2,5): 5.distance > 2.distance + weight(2,5).
   -4 > 0 + 7. brak korekty.
- (3,2): 2.distance > 3.distance + weight(3,2).
   0 > 0 + 4. brak korekty.
- (4,1): 1.distance > 4.distance + weight(4,1).
   0 > 0 + 2. brak korekty.
- (4,3): 3.distance > 4.distance + weight (4,3). 0 > 0 + (-5). 3.distance = -5.
- (5,4): 4.distance > 5.distance + weight(5,4).
   0 > -4 + 6 = 2. brak korekty.
- i=2:

(0,1): 1.distance > 0.distance + weight(0,1).
 0 > 0 + 0 = 0. brak korekty.

### Linie 2-7 algorytmu. Slajd IV

- (0,2): 2.distance > 0.distance + weight(0,2). 0 > 0 + 0 = 0. brak korekty.
- (0,3): 3.distance > 0.distance + weight(0,3). -5 > 0 + 0 = 0. brak korekty.
- (0,4): 4.distance > 0.distance + weight(0,4). 0 > 0 + 0 = 0. brak korekty.
- (0,5): 5.distance > 0.distance + weight(0,5). -4 > 0 + 0 = 0, brak korekty.
- (1,2): 2.distance > 1.distance + weight(1,2). 0 > 0 + 3 = 3. brak korekty.
- (1,3): 3.distance > 1.distance + weight(1,3). -5 > 0 + 8 = 8. brak korekty.
- (1,5): 5.distance > 1.distance + weight(1,5). -4 > 0 - 4 = -4. brak korekty.
- (2,4): 4. *distance* > 2. *distance* + *weight*(2,4). 0 > 0 + 1 = 1. brak korekty.

### Linie 2-7 algorytmu. Slajd V

- (2,5): 5.distance > 2.distance + weight(2,5).
   -4 > 0 + 7 = 7. brak korekty.
- (3,2): 2.distance > 3.distance + weight (3,2). 0 > -5 + 4 = -1. 2.distance = -1.
- (4,1): 1.distance > 4.distance + weight(4,1).
   0 > 0 + 2 = 2. brak korekty.
- (4,3): 3. distance > 4. distance + weight (4,3). -5 > 0 - 5 = -5. brak korekty.
- (5,4): 4.distance > 5.distance + weight(5,4).
   0 > -4 + 6 = 2. brak korekty.

- i=3:
  - (0,1): 1.distance > 0.distance + weight(0,1).
     0 > 0 + 0 = 0. brak korekty.

## Linie 2-7 algorytmu. Slajd VI

- (0,2): 2.distance > 0.distance + weight(0,2).
   -1 > 0 + 0 = 0. brak korekty.
- (0,3): 3.distance > 0.distance + weight (0,3). -5 > 0 + 0 = 0. brak korekty.
- (0,4): 4.distance > 0.distance + weight(0,4).
   0 > 0 + 0 = 0. brak korekty.
- (0,5): 5. distance > 0. distance + weight (0,5). -4 > 0 + 0 = 0. brak korekty.
- (1,2): 2.distance > 1.distance + weight(1,2).
   -1 > 0 + 3 = 3. brak korekty.
- (1,3): 3.distance > 1.distance + weight(1,3).
   -5 > 0 + 8 = 8. brak korekty.
- (1,5): 5.distance > 1.distance + weight(1,5).
   -4 > 0 4 = -4. brak korekty.
- (2,4): 4. distance > 2. distance + weight (2,4). 0 > -1 + 1 = 0. brak korekty.

# Linie 2-7 algorytmu. Slajd VII

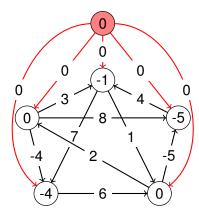
- (2,5): 5. distance > 2. distance + weight (2,5). -4 > -1 + 7 = 6. brak korekty.
- (3,2): 2. distance > 3. distance + weight (3,2). -1 > -5 + 4 = -1. brak korekty.
- (4,1): 1.distance > 4.distance + weight(4,1).
   0 > 0 + 2 = 2. brak korekty.
- (4,3): 3.distance > 4.distance + weight (4,3). -5 > 0 - 5 = -5. brak korekty.
- (5,4): 4.distance > 5.distance + weight(5,4).
   0 > -4 + 6 = 2. brak korekty.

4 i=4, i=5: nic nie zmieni.

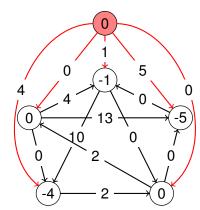
### Linie 8-10 algorytmu. Slajd I

- weight'(0,1) = weight(0,1) + h(0) h(1) = 0 + 0 0 = 0,
- weight'(0,2) = weight(0,2) + h(0) h(2) = 0 + 0 (-1) = 1,
- weight'(0,3) = weight(0,3) + h(0) h(3) = 0 + 0 (-5) = 5,
- weight'(0,4) = weight(0,4) + h(0) h(4) = 0 + 0 0 = 0,
- weight'(0,5) = weight(0,5) + h(0) h(5) = 0 + 0 (-4) = 4,
- weight'(1,2) = weight(1,2) + h(1) h(2) = 3 + 0 (-1) = 4,
- weight'(1,3) = weight(1,3) + h(1) h(3) = 8 + 0 (-5) = 13,
- weight'(1,5) = weight(1,5) + h(1) h(5) = -4 + 0 (-4) = 0,
- weight'(2,4) = weight(2,4) + h(2) h(4) = 1 1 0 = 0,
- weight'(2,5) = weight(2,5) + h(2) h(5) = 7 1 (-4) = 10,
- weight'(3,2) = weight(3,2) + h(3) h(2) = 4 5 (-1) = 0,
- weight'(4,1) = weight(4,1) + h(4) h(1) = 2 + 0 0 = 2,
- weight'(4,3) = weight(4,3) + h(4) h(3) = -5 + 0 (-5) = 0,
- weight'(5,4) = weight(5,4) + h(5) h(4) = 6 4 0 = 2.

#### Linie 8-10 algorytmu. Slajd II



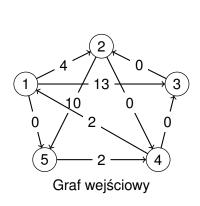
Graf G' z aktualizacją wagi w wierzchołkach po uruchomieniu algorytmu Bellmana-Forda dla wierzchołka **0**.

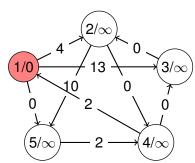


Korekta wag na krawędziach po uruchomieniu algorytmu Bellmana-Forda dla każdego wierzchołka w G'.

### Linie 11-19 algorytmu. Slajd I

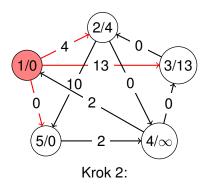
Teraz dla każdego wierzchołka należy wykonać algorytm Dijkstry. Niech wierzchołkiem źródłowym będzie: **1** 

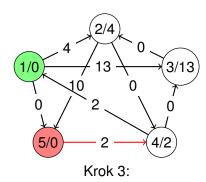




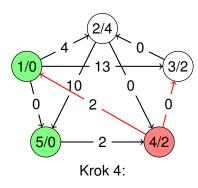
Krok 1. Etykieta x/y oznacza: x – nr wierzchołka, y – aktualną odległość od wierzchołka źródłowego.

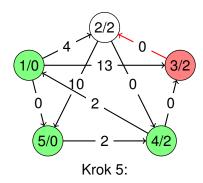
# Linie 11-19 algorytmu. Slajd II



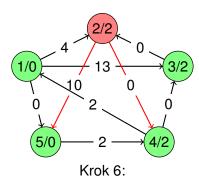


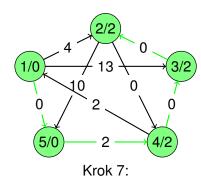
# Linie 11-19 algorytmu. Slajd III





#### Linie 11-19 algorytmu. Slajd IV





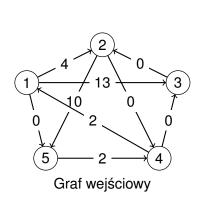
## Linie 11-19 algorytmu. Slajd V

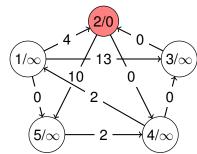
Obliczamy 1 wiersz macierz  $D_{5\times5}$ :

- D[1][1] = distance'(1,1) = 0
- D[1][2] = distance'(1,2) + h(2) h(1) = 2 + (-1) 0 = 1
- D[1][3] = distance'(1,3) + h(3) h(1) = 2 + (-5) 0 = -3
- D[1][4] = distance'(1,4) + h(4) h(1) = 2 + 0 0 = 2
- D[1][5] = distance'(1,5) + h(5) h(1) = 0 + (-4) 0 = -4

### Linie 11-19 algorytmu. Slajd VI

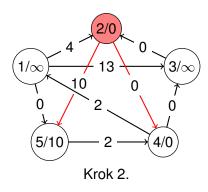
Teraz dla każdego wierzchołka należy wykonać algorytm Dijkstry. Niech wierzchołkiem źródłowym będzie: **2** 

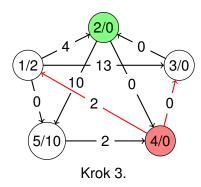




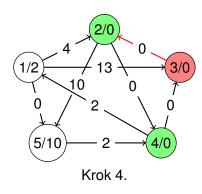
Krok 1. Etykieta x/y oznacza: x – nr wierzchołka, y – aktualną odległość od wierzchołka źródłowego.

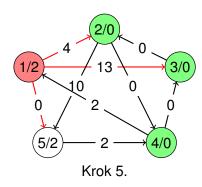
# Linie 11-19 algorytmu. Slajd VII



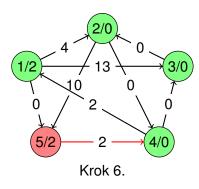


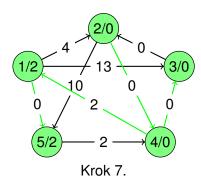
### Linie 11-19 algorytmu. Slajd VIII





#### Linie 11-19 algorytmu. Slajd IX





## Linie 11-19 algorytmu. Slajd X

Obliczamy 2 wiersz macierz  $D_{5\times5}$ :

• 
$$D[2][1] = distance'(2,1) + h(1) - h(2) = 2 + 0 - (-1) = 3$$

• 
$$D[2][2] = distance'(2,2) + h(2) - h(2) = 0$$

• 
$$D[2][3] = distance'(2,3) + h(3) - h(2) = 0 + (-5) - (-1) = -4$$

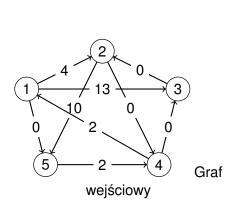
• 
$$D[2][4] = distance'(2,4) + h(4) - h(2) = 0 + 0 - (-1) = 1$$

• 
$$D[2][5] = distance'(2,5) + h(5) - h(2) = 2 + (-4) - (-1) = -1$$

	1	2	3	4	5
1	0	1	-3	2	-4
2	3	0	-4	1	-1

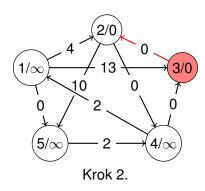
### Linie 11-19 algorytmu. Slajd XI

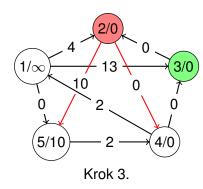
Teraz dla każdego wierzchołka należy wykonać algorytm Dijkstry. Niech wierzchołkiem źródłowym będzie: **3** 



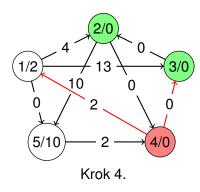
Krok 1. Etykieta x/y oznacza: x – nr wierzchołka, y – aktualną odległość od wierzchołka źródłowego.

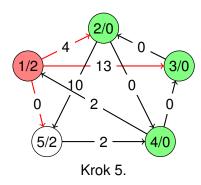
### Linie 11-19 algorytmu. Slajd XII



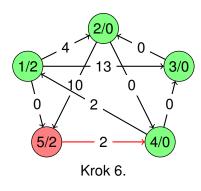


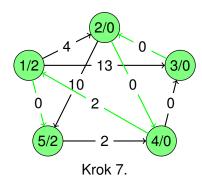
# Linie 11-19 algorytmu. Slajd XIII





### Linie 11-19 algorytmu. Slajd XIV





### Linie 11-19 algorytmu. Slajd XV

Obliczamy 3 wiersz macierz  $D_{5\times5}$ :

• 
$$D[3][1] = distance'(3,1) + h(1) - h(3) = 2 + 0 - (-5) = 7$$

• 
$$D[3][2] = distance'(3,2) + h(2) - h(3) = 0 + (-1) - (-5) = 4$$

• 
$$D[3][3] = distance'(3,3) + h(3) - h(3) = 0$$

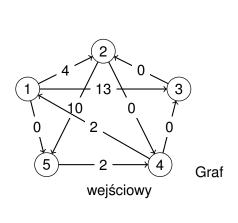
• 
$$D[3][4] = distance'(3,4) + h(4) - h(3) = 0 + 0 - (-5) = 5$$

• 
$$D[3][5] = distance'(3,5) + h(5) - h(3) = 2 + (-4) - (-5) = 3$$

	1	2	3	4	5
1	0	1	-3	2	-4
2	3	0	-4	1	-1
3	7	4	0	5	3

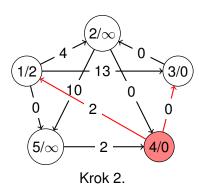
### Linie 11-19 algorytmu. Slajd XVI

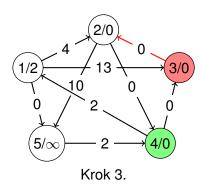
Teraz dla każdego wierzchołka należy wykonać algorytm Dijkstry. Niech wierzchołkiem źródłowym będzie: **4** 



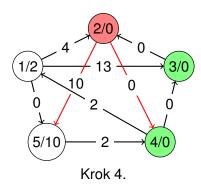
Krok 1. Etykieta x/y oznacza: x – nr wierzchołka, y – aktualną odległość od wierzchołka źródłowego.

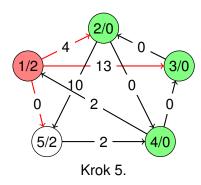
#### Linie 11-19 algorytmu. Slajd XVII



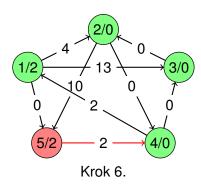


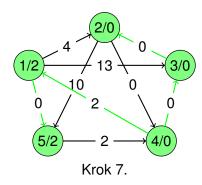
# Linie 11-19 algorytmu. Slajd XVIII





#### Linie 11-19 algorytmu. Slajd XIX





### Linie 11-19 algorytmu. Slajd XX

Obliczamy 4 wiersz macierz  $D_{5\times5}$ :

• 
$$D[4][1] = distance'(4,1) + h(1) - h(4) = 2 + 0 - 0 = 2$$

• 
$$D[4][2] = distance'(4,2) + h(2) - h(4) = 0 + (-1) - 0 = -1$$

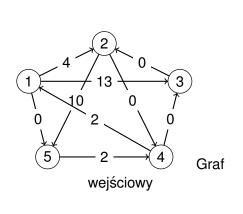
• 
$$D[4][3] = distance'(4,3) + h(3) - h(4) = 0 + (-5) - 0 = -5$$

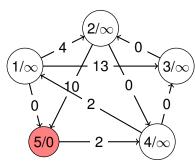
• 
$$D[4][4] = distance'(4,4) + h(4) - h(4) = 0 + 0 - 0 = 0$$

• 
$$D[4][5] = distance'(4,5) + h(5) - h(4) = 2 + (-4) - 0 = -2$$

	1	2	3	4	5
1	0	1	-3	2	-4
2	3	0	-4	1	-1
3	7	4	0	5	3
4	2	-1	-5	0	-2

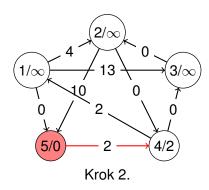
#### Linie 11-19 algorytmu. Slajd XXI

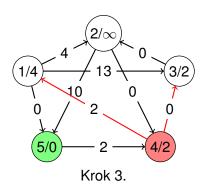




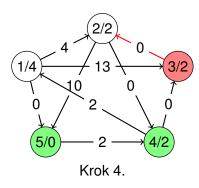
Krok 1. Etykieta *x/y* oznacza: *x* – nr wierzchołka, *y* – aktualną odległość od wierzchołka źródłowego.

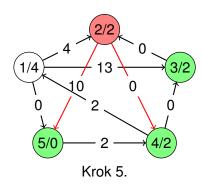
# Linie 11-19 algorytmu. Slajd XXII



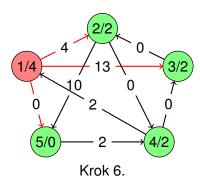


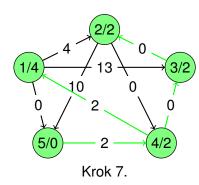
# Linie 11-19 algorytmu. Slajd XXIII





### Linie 11-19 algorytmu. Slajd XXIV





## Linie 11-19 algorytmu. Slajd XXV

Obliczamy 5 wiersz macierz  $D_{5\times5}$ :

• 
$$D[5][1] = distance'(5,1) + h(1) - h(5) = 4 + 0 - (-4) = 8$$

• 
$$D[5][2] = distance'(5,2) + h(2) - h(5) = 2 + (-1) - (-4) = 5$$

• 
$$D[5][3] = distance'(5,3) + h(3) - h(5) = 2 + (-5) - (-4) = 1$$

• 
$$D[5][4] = distance'(5,4) + h(4) - h(5) = 2 + 0 - (-4) = 6$$

• 
$$D[5][5] = distance'(5,5) + h(5) - h(5) = 0$$

	1	2	3	4	5
1	0	1	-3	2	-4
2	3	0	-4	1	-1
3	7	4	0	5	3
4	2	-1	-5	0	-2
5	8	5	1	6	0