#### Algorytmy Grafowe

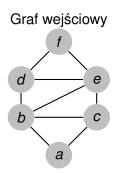
dr hab. Bożena Woźna-Szcześniak, prof. UJD

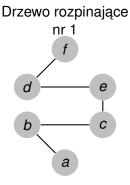
Uniwersytet Jana Długosza w Częstochowie b.wozna@ujd.edu.pl

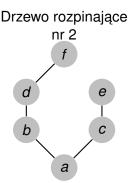
Wykład 7 i 8

## Drzewo rozpinające grafu I

**Drzewem rozpinającym** grafu *G* nazywamy spójny i acykliczny podgraf grafu *G* zawierający wszystkie jego wierzchołki. Dany graf może posiadać wiele różnych drzew rozpinających.







## Drzewo rozpinające grafu II

- Drzewo rozpinające powstaje poprzez usunięcie z grafu krawędzi tworzących cykl.
- Drzewo rozpinające można utworzyć przy pomocy algorytmu DFS.

Graf wejściowy

f

d

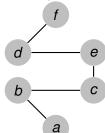
e

b

c

a

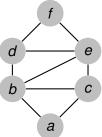
Drzewo rozpinające nr 1. Wirzchołek początkowy *a*.



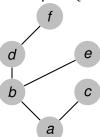
## Drzewo rozpinające grafu III

Drzewo rozpinające można utworzyć przy pomocy algorytmu BFS.





Drzewo rozpinające nr 2. Wirzchołek początkowy *a.* 



## Etykietowany graf skierowany

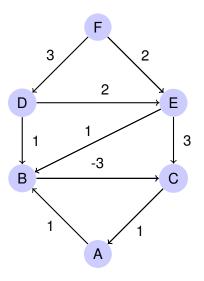
#### Definicja

Etykietowanym grafem skierowanym nazywamy strukturę

 $G = (V, E, w : E \rightarrow R)$  gdzie

- V to zbiór wierzchołków.
- $E \subseteq \{(u, v) : u, v \in V\}$  to zbiór uporządkowanych par wierzchołków ze zbioru V, zwanych krawędziami.
- w : E → R jest funkcją wagi; wagi reprezentują pewne wielkości (np. długość drogi).

# Etykietowany graf skierowany - przykład



#### Macierz sasiedztwa:

		Α	В	С	D	E	F
	Α	0	1	0	0	0	0
	В	0	0	-3	0	0	0
	С	1	0	0	0	0	0
	D	0	1	0	0	2	0
	Ε	0	1	3	0	0	0
	F	0	0	0	3	2	0

## Etykietowany graf nieskierowany

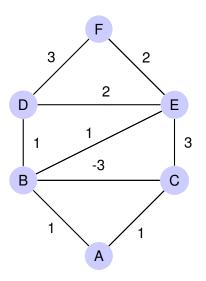
#### Definicja

Etykietowanym grafem nieskierowanym nazywamy strukturę

 $G = (V, E, w : E \rightarrow R)$  gdzie

- V to zbiór wierzchołków,
- $E \subseteq \{\{u, v\} : u, v \in V\}$  to zbiór par wierzchołków ze zbioru V, zwanych krawędziami.
- w : E → R jest funkcją wagi; wagi reprezentują pewne wielkości (np. długość drogi).

# Etykietowany graf skierowany - przykład



#### Macierz sąsiedztwa:

masici = eqerea=imai							
		Α	В	С	D	E	F
	Α	0	1	1	0	0	0
	В	1	0	-3	1	1	0
	С	1	-3	0	0	3	0
	D	0	1	0	0	2	3
	Ε	0	1	3	2	0	2
	F	0	0	0	3	2	0

# Struktury danych dla zbiorów rozłącznych I

- Niektóre realizacje algorytmów wymagają grupowania n różnych elementów w pewiną liczbę zbiór rozłącznych.
- Dwie podstawowe operacje do wykonania na tach zbiorach to:
  - znajdowanie zbioru zawierającego dany element,
  - · łączenia dwóch zbiorów.
- Struktura danych dla zbiorów rozłącznych umożliwia zarządzanie rodziną  $\mathbb{S} = \{S_1, S_2, \dots, S_n\}$  rozłącznych zbiorów dynamicznych.
- W takiej strukturze każdy zbiór jest identyfikowany przez reprezentanta, którym jest pewnym elementem tego zbioru.
- Załóżmy, że każdy element zbioru jest reprezentowany przez pewien obiekt, oznaczony jako x.
- Struktura danych dla zbiorów rozłącznych powinna wspierać następujące operacje:

## Struktury danych dla zbiorów rozłącznych II

- MakeSet(x) tworzy nowy zbiór, którego jedynym elementem (reprezentantem) jest x. Ponieważ zbiory mają być rozłączne, x nie może być elementem innego zbioru.
- Union(x, y) łaczy dwa rozłączne zbiory dynamiczne zawierające odpowiednio x i y, powiedzmy  $S_x$  i  $S_y$  w nowy zbiór  $S_{x \cup y}$  będący ich sumą. Reprezentantem otrzymanego zbioru  $S_{x \cup y}$  może być dowolny element z  $S_x \cup S_y$ . Ponieważ zbiory w rodzinie mają być rozłączne, to "niszczymy" zbiory  $S_x$  i  $S_y$ , usuwając je z rodziny  $S_y$ , a w ich miejsce dodajemy zbiór  $S_{x \cup y}$ .
- FindSet(x)- zwraca wskaźnik (adres) do reprezentanta zbioru zawierającego x.

#### Zastosowania struktur danych dla zbiorów rozłącznych I

- Jednym z wielu zastosowań struktur danych dla zbiorów rozłącznych jest wyznaczanie spójnych składowych w grafie nieskierowanym.
- Algorytm CONNECTED-COMPONENTS służy do obliczenia spójnych składowych grafu i wykorzystuje operacje na zbiorach rozłącznych.
- Uwaga! Gdy krawędzie grafu są statyczne nie zmieniają się w czasie – wyznaczanie spójnych składowych w grafie nieskierowanym można wykonać szybciej, korzystając z algorytmu wyszukiwania w głąb.

#### Zastosowania struktur danych dla zbiorów rozłącznych II

 Jeżeli jednak krawędzie są dodawane dynamicznie i koniczne jest zachowanie złączonych komponentów po dodaniu każdej krawędzi, to zastosowanie algorytmu CONNECTED-COMPONENTS może być znacznie bardziej wydajne, niż uruchamianie DFS dla każdej nowo dodanej krawędzi.

#### Zastosowania struktur danych dla zbiorów rozłącznych III

#### Algorytm CONNECTED-COMPONENTS

```
CONNECTED-COMPONENTS(G=(V,E))
```

- 1: **for** każdy wierzchołek  $v \in V$  **do**
- 2: MakeSet(v)
- 3: end for
- 4: **for** każda krawędź  $(u, v) \in E$  **do**
- 5: **if**  $FindSet(u) \neq FindSet(v)$  **then**
- 6: Union(u, v)
- 7: **end if**
- 8: end for

 Po przetworzeniu wszystkich krawędzi, dwa wierzchołki należą do tej samej składowej grafu wtedy i tylko wtedy, gdy odpowiadające im obiekty znajdują się w tym samym zbiorze.

#### Zastosowania struktur danych dla zbiorów rozłącznych IV

 Po wykonaniu procedury CONNECTED-COMPONENTS, procedura SAME-COMPONENT odpowiada na pytanie, czy dwa wierzchołki należą do tej samej spójnej składowej.

#### Algorytm SAME-COMPONENT

SAME-COMPONENT(u,v)

1: **if** FindSet(u) == FindSet(v) **then** 

2: **return** true

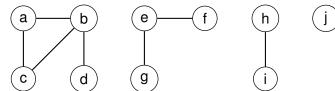
3: **else** 

4: return false

5: end if

#### Zastosowania struktur danych dla zbiorów rozłącznych V

Przykład: graf o czterech spójnych składowych  $\{a, b, c, d\}, \{e, f, g\}, \{h, i\}, \{j\}$ 



#### Zastosowania struktur danych dla zbiorów rozłącznych VI

#### Rodzina zbiorów rozłącznych po przetworzeniu każdej krawędzi

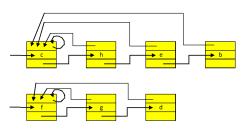
Przetworzone krawędzie	Rodzina zbiorów rozłącznych
Zbiory początkowe	$\{a\}, \{b\}, \{c\}, \{d\}, \{e\}, \{f\}, \{g\}, \{h\}, \{i\}, \{j\}\}$
{b, d}	${a}, {b, d}, {c}, {e}, {f}, {g}, {h}, {i}, {j}$
{ <b>e</b> , <b>g</b> }	${a}, {b, d}, {c}, {e, g}, {f}, {h}, {i}, {j}$
{ <b>a</b> , <b>c</b> }	${a,c},{b,d},{e,g},{f},{h},{i},{j}$
{ <i>h</i> , <i>i</i> }	$\{a,c\},\{b,d\},\{e,g\},\{f\},\{h,i\},\{j\}$
{ <b>a</b> , <b>b</b> }	${a, c, b, d}, {e, g}, {f}, {h, i}, {j}$
{ <i>e</i> , <i>f</i> }	${a, c, b, d}, {e, g, f}, {h, i}, {j}$
{ <i>b</i> , <i>c</i> }	${a, c, b, d}, {e, g, f}, {h, i}, {j}$

## Listowa reprezentacja zbiorów rozłącznych I

- Każdy zbiór jest reprezentowany za pomocą listy.
- Pierwszy element na każdej liście służy jako reprezentant swojego zbioru.
- Każdy obiekt na liście składa się z elementu zbioru, wskaźnika do obiektu zawierającego następy element zbioru oraz wskaźnika do reprezentanta.

### Listowa reprezentacja zbiorów rozłącznych II

Reprezentacja dwóch zbiorów rozłącznych:  $S_1 = \{c, h, e, b\}$  oraz  $S_2 = \{f, g, d\}$ .



- W reprezentacji listowej, wykonanie procedury MakeSet wymaga czasu O(1).
  - Aby wykonać MakeSet(x), wystarczy utworzyć nową listę, której jedynym elementem jest x.

# Listowa reprezentacja zbiorów rozłącznych III

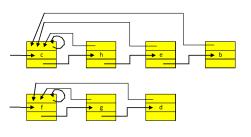
- W reprezentacji listowej, wykonanie procedury FindSet wymaga czasu O(1).
  - *FindSet*(*x*) zwraca wskaźnik od *x* do reprezentanta zbioru.
- Najprostsza implementacja operacji UNION przy użyciu reprezentacji listy zajmuje znacznie więcej czasu niż MAKE-SET lub FIND-SET.
- Operację Union(x, y) wykonujemy dołączając listę y na końcu listy x. Reprezentant listy x staje się reprezentantem zbioru wynikowego. Można użyć wskaźnika ogona dla listy x, aby szybko znaleźć miejsce dołączenia listy y. Ponieważ jednak wszystkie elementy listy y zostają dołączone do listy x, musimy zaktualizować wskaźnik do reprezentanta zbioru dla każdego obiektu pierwotnie znajdującego się na liście y, co zajmuje czas liniowy w stosunku do długości listy y.

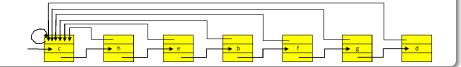
#### Listowa reprezentacja zbiorów rozłącznych IV

Przykład:

## Listowa reprezentacja zbiorów rozłącznych V

Wynik wykonania: Union(e, g). Reprezentantem zbioru wynikowego jest c.





### Drzewa rozpinające o minimalnej wadze

- Jeżeli mamy do czynienia z grafem z funkcją wagi, to najczęściej interesuje nas znalezienie drzewa rozpinającego o minimalnej wadze, tzn., drzewa z najmniejszą sumą wag jego krawędzi.
- Aby znaleźć drzewo o żądanych własnościach można zastosować dwa algorytmy:
  - Kruskala
  - Prima

### Algorytmy Kruskala

Algorytm jest oparty o **metodę zachłanną** i polega na łączeniu wielu poddrzew w jedno za pomocą krawędzi o najmniejszej wadze.

#### Założenia:

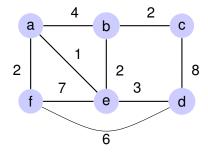
- Zastosowanie struktury danych reprezentującej zbiory rozłączne do pamiętania kilku rozłącznych zbiorów wierzchołków.
- FIND-SET(U) zwraca reprezentanta zbioru zawierającego wierzchołek u.
- UNION(U,V) łączy drzewa zawierające u i v w jedno drzewo.
- **Wejście:** Spójny graf nieskierowany z funkcją wagi  $G = (V, E, w : E \mapsto R)$ .

# Algorytm Kruskala

```
Require: KRUSKAL(G)
 1. \mathbf{A} = \emptyset
 2: for każdy wierzchołek v \in V[G] do
      Make - Set(v)
 4: end for{Utworzenie |V| drzew jednowierzchołkowych}
 5: posortuj krawedzie z E niemalejaco wzgledem wag.
6: for każda krawędź (u, v) \in E, w kolejności niemalejących wag do
     if FIND - SET(u) \neq FIND - SET(v) then
       A = A \cup \{(u, v)\}
 8.
        Union(u, v)
   end if
10.
11: end for
12: return A
```

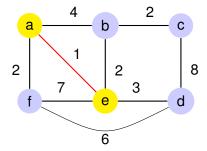
## Algorytm Kruskala - Złożoność obliczeniowa

- Algorytm można podzielić na dwa etapy:
  - w pierwszym etapie sortujemy krawędzie według wag w czasie O(|E| · log(|E|)).
  - w drugim etapie budujemy rozpięte drzewo poprzez wybór najkrótszych krawędzi ze zbioru krawędzi E; ten etap można wykonać w czasie O(|E| · log(|V|)).
- Sumaryczny czas pracy algorytmu Kruskala wynosi:
   O(|E| · log(|V|))



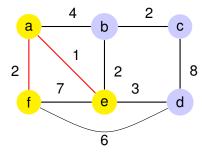
 Po posortowaniu krawędzi wg. wag otrzymujemy: ae=1, af=2, bc=2, be=2, de=3, ab=4, fd=6, ef=7, cd=8

#### Krok 1.



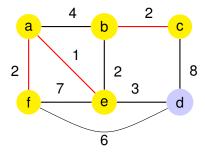
ae=1, af=2, bc=2, be=2, de=3, ab=4, fd=6, ef=7, cd=8

#### Krok 2.



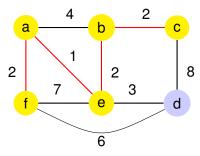
ae=1, af=2, bc=2, be=2, de=3, ab=4, fd=6, ef=7, cd=8

#### Krok 3.



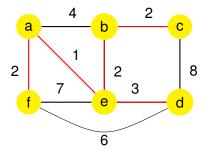
ae=1, af=2, bc=2, be=2, de=3, ab=4, fd=6, ef=7, cd=8

#### Krok 4 - scalenie.



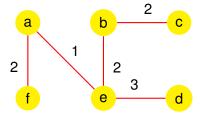
ae=1, af=2, bc=2, be=2, de=3, ab=4, fd=6, ef=7, cd=8

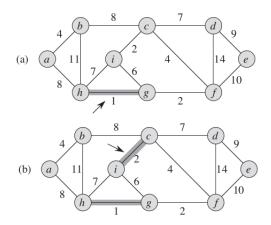
#### Krok 5.

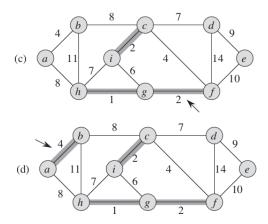


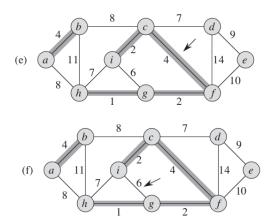
ae=1, af=2, bc=2, be=2, de=3, ab=4, fd=6, ef=7, cd=8

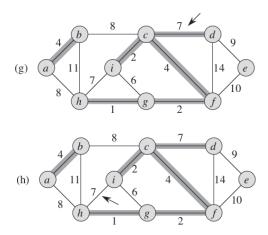
#### Minimalne drzewo.

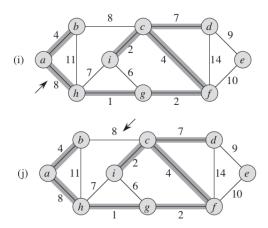


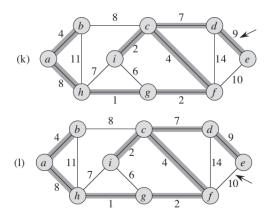


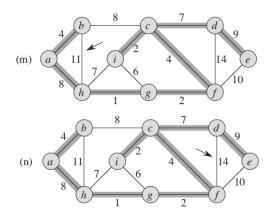










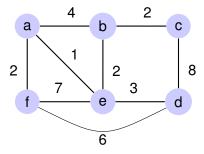


#### Algorytm Prima

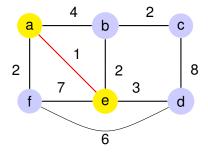
 Algorytm został wynaleziony w 1930 przez czeskiego matematyka Vojtěcha Jarníka, a następnie w 1957 odkryty na nowo przez informatyka Roberta C. Prima oraz niezależnie w 1959 przez Edsgera Dijkstrę. Z tego powodu algorytm nazywany jest również algorytmem Dijkstry-Prima, algorytmem Jarníka, albo algorytmem Prima-Jarníka.

#### Algorytm Prima

- Budowę minimalnego drzewa rozpinającego zaczynamy od dowolnego wierzchołka, np. od pierwszego. Dodajemy wierzchołek do drzewa, a wszystkie krawędzie incydentne umieszczamy na posortowanej wg. wag liście.
- Następnie zdejmujemy z listy pierwszy element (o najmniejszej wadze) i jeżeli wierzchołek, który łączy nie należy do drzewa, dodajemy go do drzewa a na liście znów umieszczamy wszystkie krawędzie incydentne z wierzchołkiem, który dodaliśmy.
- Jednym zdaniem: zawsze dodajemy do drzewa krawędź o najmniejszej wadze, osiągalną (w przeciwieństwie do Kruskala) z jakiegoś wierzchołka tego drzewa.

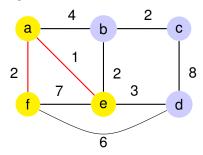


#### Krok 1.



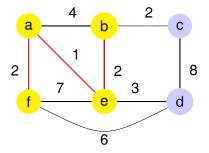
Wybieramy wierzchołek a. Tworzymy posortowaną listę L=[a,e,1],[a,f,2],[a,b,4]. Wybieramy krawędź (a,e).

#### Krok 2.



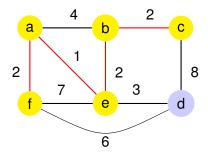
Dodajemy nowe krawędzie: L=[a,f,2],[e,b,2],[e,d,3],[a,b,4],[e,f,7]. Wybieramy krawędź (a,f).

Krok 3.



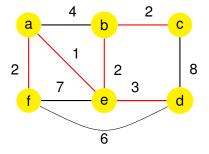
Krawędź [f,e,7] jest już na liście: L=[e,b,2],[e,d,3],[a,b,4],[f,d,6],[e,f,7]. Wybieramy krawędź (e,b).

Krok 4



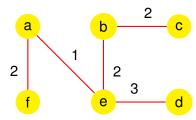
Dodajemy krawędź [b,c,2]: L=[b,c,2],[e,d,3],[a,b,4],[f,d,6],[e,f,7] Wybieramy krawędź (b,c).

#### Krok 5.



Dodajemy krawędź [c,d,8]: L=[e,d,3],[a,b,4],[f,d,6],[e,f,7],[c,d,8] Wybieramy krawędź (e,d).

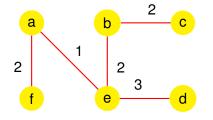
#### Minimalne Drzewo



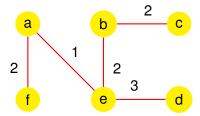
Drzewo utworzone.

### Algorytm Prima a Algorytm Kruskala - Przykład

Minimalne Drzewo wg. Algorytmu Kruskala.



Minimalne Drzewo wg. Algorytmu Prima



### Algorytm Prima I

#### Założenia:

- Wejście: graf oraz wierzchołek od którego rozpoczynamy budowę minimalnego drzewa rozpinającego.
- Q kolejka priorytetowa.
- key(v) klucz wyznaczający pozycję wierzchołka V w kolejce. Jest nim minimalna waga spośród wag krawędzi łączących v z wierzchołkami drzewa.  $key(v) = \infty$ , jeśli nie ma takiego wierzchołka.
- $\pi(v)$  rodzic wierzchołka v w obliczanym drzewie.

$$\mathsf{Prim}(G=(V,E),r)$$

1: for każdy 
$$u \in Q$$
 do

2: 
$$key(u) := \infty; \pi(u) = NULL$$

- 3: end for
- 4: key(r) := 0

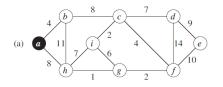
## Algorytm Prima II

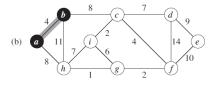
```
5: Q := V
 6: while Q \neq \emptyset do
   u := ExtractMin(Q)
    for każdy v \in Adj[u] do
 8:
        if v \in Q i w(u, v) < key(v) then
 9:
           \pi(v) := u
10:
11:
           kev(v) := w(u, v)
        end if
12.
13:
      end for
14: end while
```

• Wiersz 1-5: inicjalizacja kolejki priorytetowej. Początkowo zawarte są w niej wszystkie wierzchołki, a kluczem każdego wierzchokłka, poza korzeniem r, jest  $\infty$ .

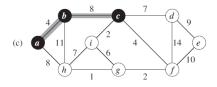
#### Algorytm Prima III

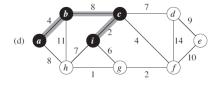
 W trakcie wykonywania algorytmu zbiór V – Q zawiera wierzchołki budowanego drzewa.

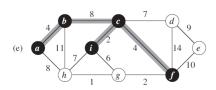


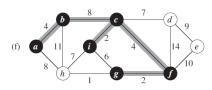


### Algorytm Prima -przykład II



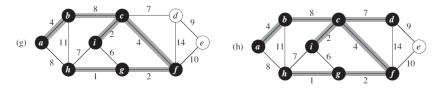




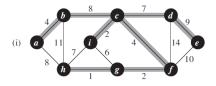


#### Algorytm Prima -przykład III

Rysunek: Źródło:Thomas H. Cormen, Charles E. Leiserson, Ronald L. Rivest, Clifford Stein. *Introduction to Algorithms*. The MIT Press, 2009.



#### Algorytm Prima -przykład IV



# Złożoność algorytmu Prima I

- Czas działania algorytmu Prim zależy od tego, w jaki sposób implementujemy kolejkę priorytetową Q.
- Jeśli kolejka priorytetowa Q implementowana jest jako kopiec minimalny, wiersze 1-5 algorytmu możemy wykonać w czasie O(V).
  - Zawartość pętli *while* (linie 6-14) wykonujemy |V| razy, a ponieważ każda operacja EXTRACT-MIN (operacja usunięcia korzenia kopca) zajmuje O(log(|V|) czasu, to łączny czas wszystkich wywołań procedury EXTRACT-MIN wynosi O(|V|log(|V|)). Pętla *for* w wierszach 8 11 wykonuje się w czasie O(E), ponieważ suma długości wszystkich list sąsiedztwa wynosi 2|E|. W pętli *for* test należenia do Q w linii 9 można zaimplementować w stałym czasie, zachowując bit dla każdego wierzchołka, który

# Złożoność algorytmu Prima II

mówi, czy jest w Q, czy też nie, i aktualizuje bit, gdy wierzchołek jest usuwany z Q.

Przypisanie w linii 11 obejmuje niejawną operację

DECREASE - KEY na kopcu minimalnym, która jest realizowana w czasie O(log(V)).

Zatem całkowity czas prac dla algorytmu Prima wynosi O(|V|log(|V|) + |E|log(|V|)) = O(|E|log(|V|)), czyli asymptotycznie czas jest taki sam jak dla algorytmu Kruskala.

• Można poprawić asymptotyczny czas działania algorytmu Prima, poprzez zastosowanie kopców Fibonacciego. Wówczas całkowity czas pracy dla algorytmu Prima wynosi O(|E| + |V|log(|V|)).