PART-I. *R* 설치 및 기초 문법



- 1. R 설치 및 개요
- 2. 데이터 유형과 구조
- 3. 데이터 입출력
- 4. 제어문과 함수

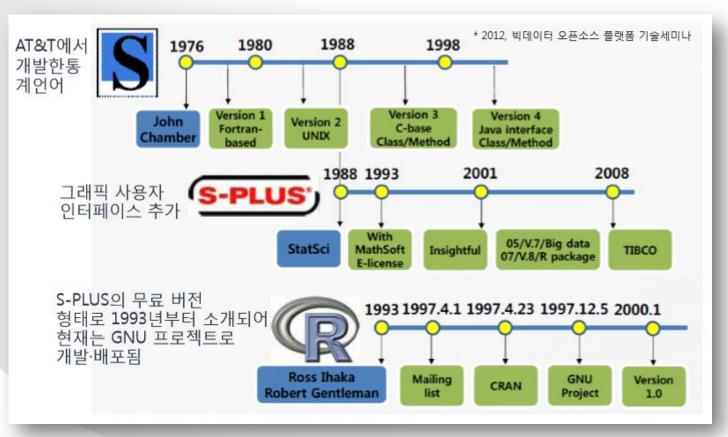


Chap01_Basic 수업내용

- 1. R 설치 및 개요(Overview)
- 2. 변수와 데이터 유형
- 3. 패키지 사용
 - 패키지 개념, 기본 설치 패키지
 - 패키지 설치 확인, 사용/제거
- 4. 기본 함수 사용
- 5. 작업공간
- 6. 한글 저장 및 깨짐 현상 처리 방법 : UTF-8



- R 프로그램 탄생과 발전과정
 - ✓ 1993년 뉴질랜드 오클랜드 대학의 통계학과 교수2명(Ross Ihaka, Robert Gentleman) 개발



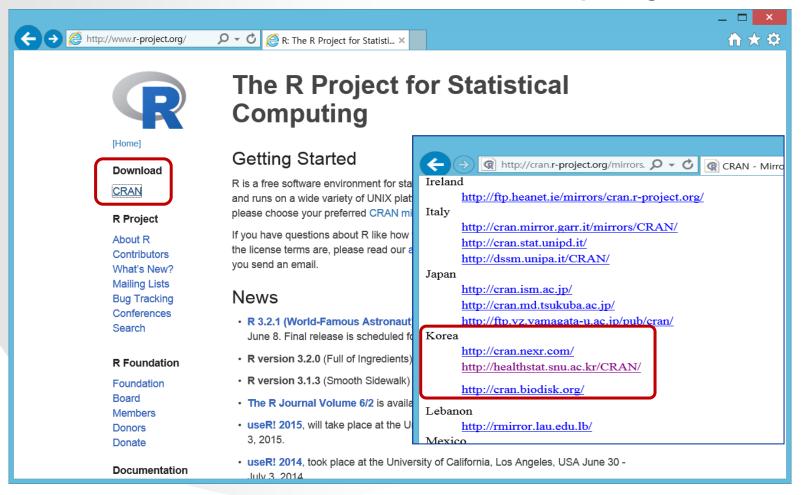


- R 프로그램 특징
 - I. In-Memory Computing
 - ✓ 빠른 처리 속도(H/W 메모리 크기에 영향 받음)
 - II. Object-oriented programming
 - ✓ 데이터, 함수, 차트 등 모든 것이 object로 관리
 - III. Package
 - ✓ 최신의 알고리즘 및 방법론이 Package로 제공됨
 - IV. Visualization
 - ✓ 분석에 통찰을 부여할 수 있는 그래픽에 대한 강력한 지원



http://www.r-project.org/

✓ CRAN Site에 패키지 0,000개 등록: dim(available.packages())



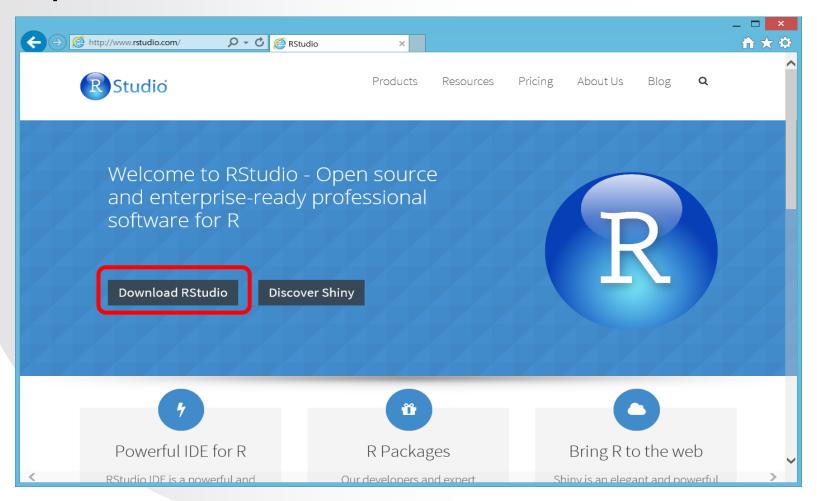


R console 화면

```
R Console
                                                                               - 0 X
R version 3.1.1 (2014-07-10) -- "Sock it to Me"
Copyright (C) 2014 The R Foundation for Statistical Computing
Platform: x86 64-w64-mingw32/x64 (64-bit)
R은 자유 소프트웨어이며, 어떠한 형태의 보증없이 배포됩니다.
또한, 일정한 조건하에서 이것을 재배포 할 수 있습니다.
배포와 관련된 상세한 내용은 'license()' 또는 'licence()'음 통하여 확인할 수 있습니다.
R은 많은 기여자들이 참여하는 공동프로젝트입니다.
'contributors()'라고 입력하시면 이에 대한 더 많은 정보를 확인하실 수 있습니다.
그리고, R 또는 R 패키지들음 출판물에 인용하는 방법에 대해서는 'citation()'음 통해 확인하시길 부탁드립니다.
'demo()'를 입력하신다면 몇가지 데모를 보실 수 있으며, 'help()'를 입력하시면 온라인 도움말을 이용하실 수 있습니다.
또한, 'help.start()'의 입력을 통하여 HTML 브라우저에 의한 도움말을 사용하실수 있습니다
R의 종료를 위하시면 'q()'음 입력해주세요.
> v <- c(11,12,13,14,15)
> w <- c(1,2,3,4,5)
[1] 12 14 16 18 20
[1] 11 24 39 56 75
> v/w
[1] 11.000000 6.000000 4.333333 3.500000 3.000000
> v^w
[1]
     11 144 2197 38416 759375
> 1
```

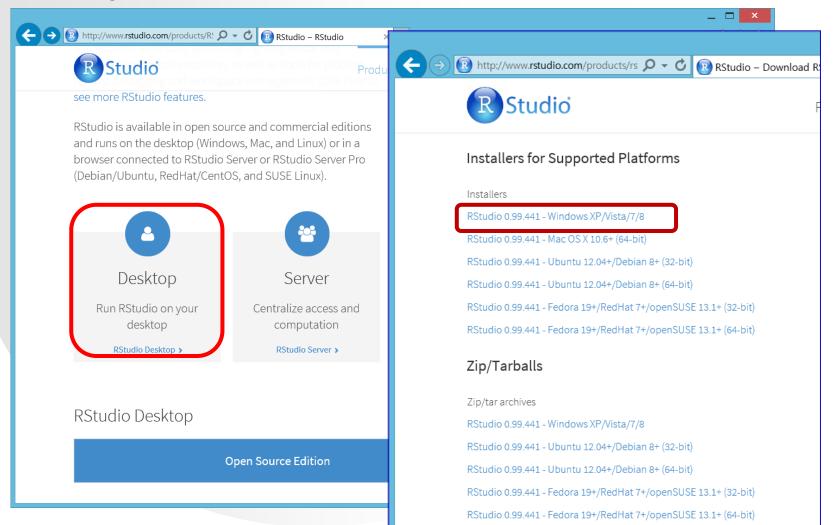


http://www.rstudio.com/



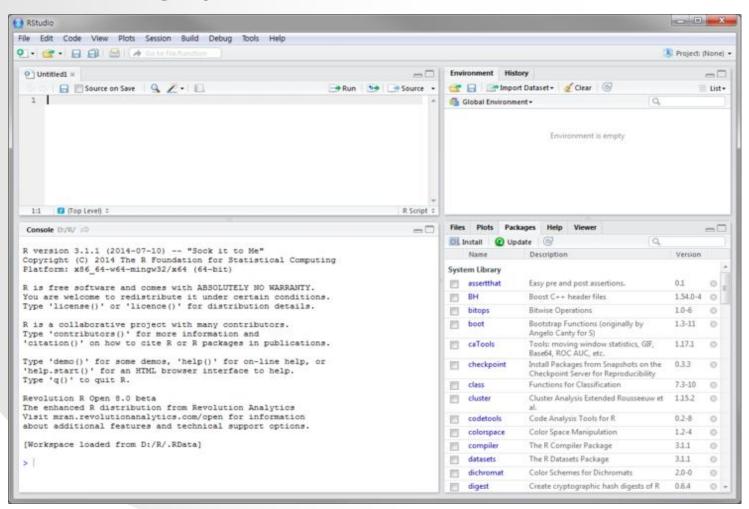


Desktop 선택



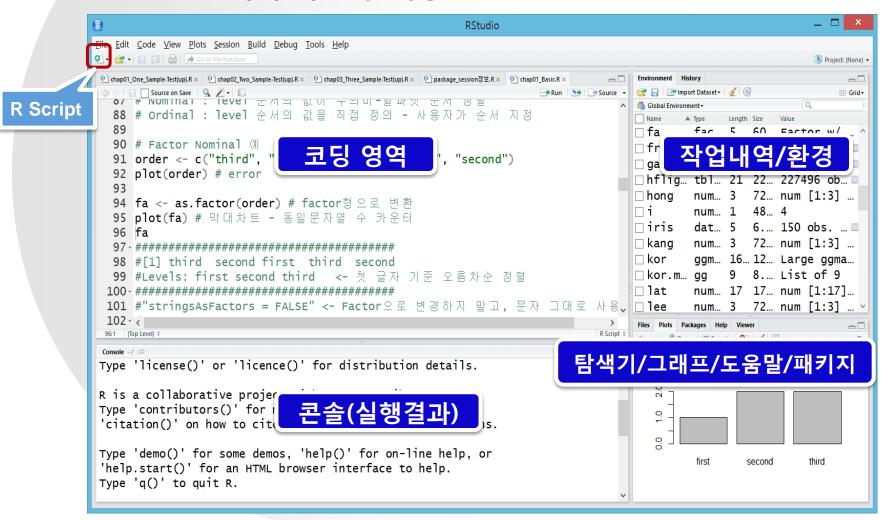


R Studio 실행 화면





● R Studio 4가지 패널 창 기능





- CRAN Site에서 제공하는 패키지 보기 dim(available.packages()) # 9650 17 -> 6,650개 available.packages() # 패키지 상세보기
- R session 정보
 - ✓ Session : R 콘솔 시작 ~ 종료 전까지 기간 정보

```
sessionInfo() # 세션 정보 보기
```

#R version 3.1.2 (2014-10-31)

#Platform: x86_64-w64-mingw32/x64 (64-bit)

#locale:

#attached base packages: 기본 패키지 - 7개

#[1] stats graphics

#[3] grDevices utils

#[5] datasets methods

#[7] base

loaded via a namespace (and not attached): 로딩된 패키지



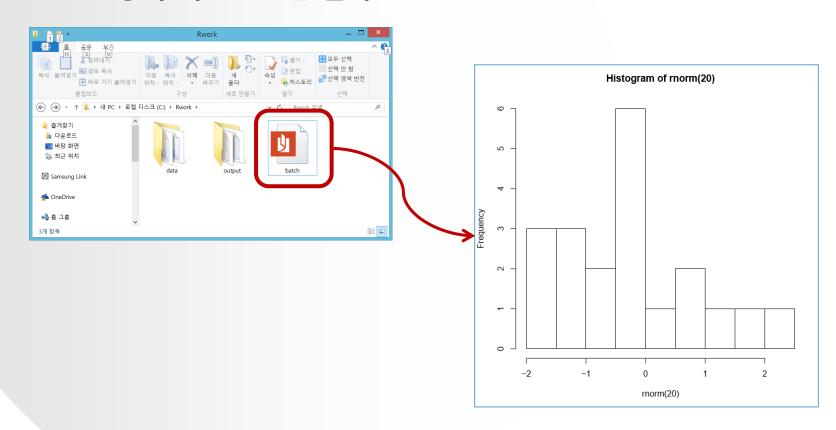
- 변수(Variable)
- 1) 변수
 - 값을 저장하는 메모리 이름
 - R은 모두 변수가 객체(데이터+함수+차트 등)
- 2) 변수명 작성 규칙
 - 영문자 시작
 - 두번째 단어 : 숫자, 언더바(_), 점(member.id) 사용 가능
 - 대소문자 구분
 - 의미를 파악할 수 있는 이름으로 지정
 - 정의된 변수는 재사용이 가능



- 명령어 실행 방법
- 1) Interaction 방식
 - ✓ 줄 단위 실행
 - ✓ 줄 선택 + Ctrl + R 또는 Ctrl + Enter
- 2) Batch 방식
 - ✓ 여러 줄 소스코드 일괄처리
 - ✓ Block 지정 + Ctrl + R
- Batch 방식 히스토그램 그리기 예 pdf("c:/Rwork/batch.pdf") # 지정된 경로의 파일에 결과 출력 hist(rnorm(20)) # 난수에 대한 히스토그램 그리기 dev.off() # 출력할 파일 닫음



■ Batch 방식 히스토그램 결과





- 데이터 유형(Data Type)
 - ✓ R은 변수 선언 시 별도의 Type을 선언하지 않음

유형(Type)	값(value)	예
숫자형(Numeric)	정수, 실수	10,25, 55.23
문자형(Character)	문자, 문자열	"홍길동"
논리형(Logical)	참, 거짓	TRUE 또는 T FALSE 또는 F
기타	결측치, 비숫자	NA, NaN



● 데이터 유형 보기

✓ mod()함수 : 데이터 유형 보기 함수

is.numeric(x)	수치형 여부	is.integer(x)	정수형 여부
is.logical(x)	논리형 여부	is.double(x)	실수형 여부
is.character(x)	문자형 여부	is.complex(x)	복소수형 여부
is.data.frame(x)	데이터프레임 여부	is.factor(x)	범주형 여부
is.na(x)	NA 여부	is.nan(x)	NaN 여부



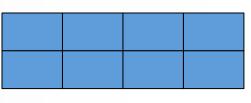
- 데이터 타입 보기 함수
 - ✓is.character(string) # TRUE
 - √x<- is.numeric(int)
 - √x # TRUE
 - ✓is.logical(boolean) # TRUE
 - ✓is.logical(x) # TRUE -> TRUE
 - √is.na(x) # NA 확인
- 현재 사용중인 변수객체 보기
 - √ls()



- 자료형과 자료구조(객체 타입) 보기
 - ✓ mode변수): 자료형(Data Type) 보기
 - ✓ class(변수) : 자료구조(객체) 보기
- mode() vs class()
 - ✓ ex) 변수 <- 데이터
 </p>
 - ✓ mode : 데이터 성격(숫자형,문자형,논리형)
 - ✓ class : 데이터 자료구조 성격(Array, List, Table 등)



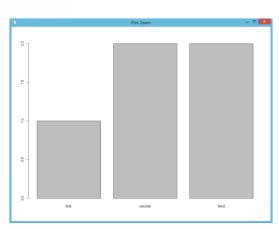
Array 자료구조



Matrix 자료구조



- Factor : 범주(값의 목록)를 갖는 자료구조
 - ✓ Nominal : level 순서의 값 무의미-알파벳 순서 정렬
 - ✓ Ordinal : level 순서의 값 의미 사용자가 직접 순서 지정
 - √# Factor Nominal 예
 - ✓order <- c("third", "second", "first", "third", "second")
 - √plot(order) # error
 - √fa <- as.factor(order) # factor형으로 변환
 - ✓plot(fa) # 막대차트 동일문자열 수 카운터



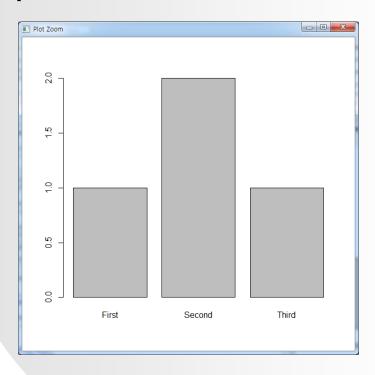


● 데이터 형 변환 함수

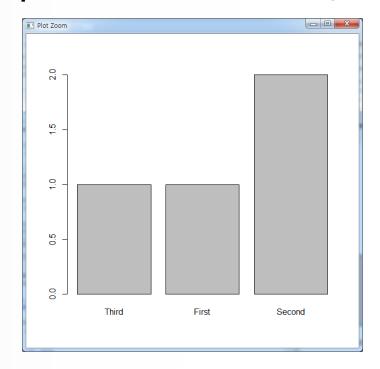
as.numeric(x)	수치형 변환	as.integer(x)	정수형 변환
as.logical(x)	논리형 변환	as.double(x)	실수형 변환
as.character(x)	문자형 변환	as.complex(x)	복소수형 변환
as.data.frame(x)	데이터프레임 변환	as.factor(x)	범주형 변환
as.list(x)	리스트형 변환	as.vector(x)	벡터형 변환



plot(level) # Nominal인 경우



plot(level2) # Ordinal인 경우



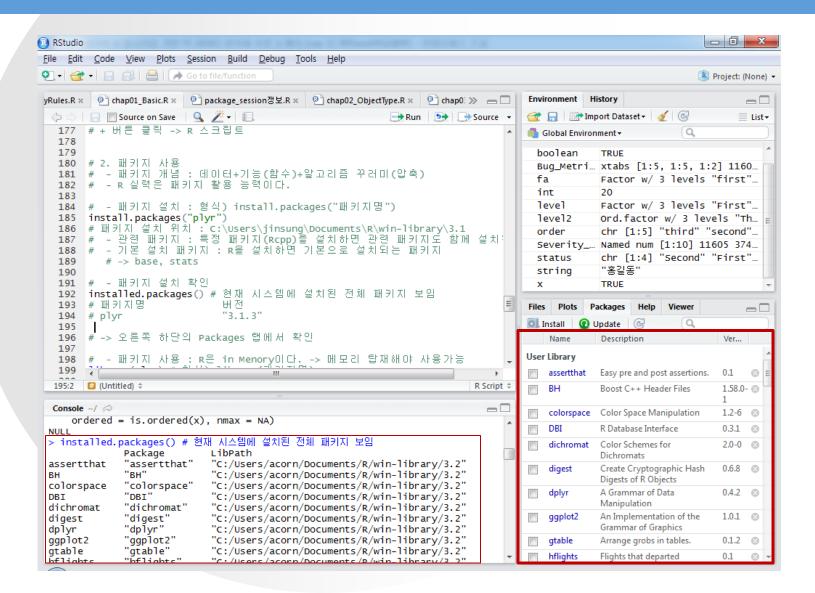


- 패키지(Package)
 - ✓ 패키지 개념 : 데이터+기능(함수)+알고리즘 꾸러미(압축)
 - ✓ R 실력은 패키지 활용 능력
- 패키지 설치
 - 형식) install.packages("패키지명")
 - ✓install.packages("plyr")
- 패키지 설치 위치
 - ✓ C:\Users\jinsung\Documents\R\win-library\3.1
 - ✓ 관련 패키지 : 특정 패키지 설치하면 관련 패키지도 함께 설치됨
 - ✓ 기본 설치 패키지 : R을 설치하면 기본으로 설치되는 패키지예) base, stats



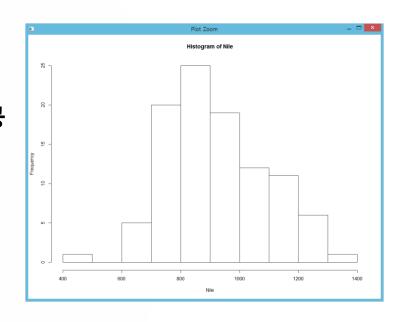
- 패키지 설치 확인
 - ✓ installed.packages() # 현재 시스템에 설치된 전체 패키지 보임
 - ✓ 패키지명 버전
 - ✓ plyr "3.1.3"
- 패키지 사용 : R은 in Menory -> 메모리 탑재해야 사용가능
 - 형식) library(패키지명)
 - √library(plyr)
 - √require(plyr)
- 현재 로드 된 패키지 확인
 - ✓ search()
- 패키지 제거 : 설치 폴더 제거 or remove.packages("패키지명")
 - ✓ remove.packages("plyr")







- 기본 함수 사용
 - √ 함수 도움말 : help(함수명), ?함수명
 - ✓ help(mean) # 브라우저 화면으로 제공
 - ✓ ?sum
 - ✓ google에서 검색 : 함수() in r
- 데이터 세트와 리스트 보기
 - √data()
 - ✓ hist(Nile) # 나일강 흐름에 대한 데이터 셋 히스토그램 그리기





data()

Data sets in package ; Sarules; -:

Adult Data Set
AdultUCI Adult Data Set
Epub Epub Data Set
Groceries Groceries Data Set
Income Income Data Set
IncomeESL Income Data Set

Data sets in package ; @datasets; -:

AirPassengers Monthly Airline Passenger Numbers 1949-1960

BJsales Sales Data with Leading Indicator

BJsales.lead (BJsales)

Sales Data with Leading Indicator

BOD Biochemical Oxygen Demand

CO2 Carbon Dioxide Uptake in Grass Plants
ChickWeight Weight versus age of chicks on different

diets

DNase Elisa assay of DNase

EuStockMarkets Daily Closing Prices of Major European Stock

Indices, 1991-1998

Formaldehyde Determination of Formaldehyde

Hair EveColor Hair and Eve Color of Statistics Students

Harman23.cor Harman Example 2.3 Harman74.cor Harman Example 7.4

Indometh Pharmacokinetics of Indomethacin
InsectSprays Effectiveness of Insect Sprays

JohnsonJohnson Quarterly Earnings per Johnson & Johnson

Share

LakeHuron Level of Lake Huron 1875-1972

Loblolly Growth of Loblolly pine trees

Nile Flow of the River Nile
Orange Growth of Orange Trees
OrchardSprays Potency of Orchard Sprays

PlantGrowth Results from an Experiment on Plant Growth Puromycin Reaction Velocity of an Enzymatic Reaction Seatbelts Road Casualties in Great Britain 1969-84

Theoph Pharmacokinetics of Theophylline
Titanic Survival of passengers on the Titanic

ToothGrowth The Effect of Vitamin C on Tooth Growth in

Guinea Pigs

UCBAdmissions Student Admissions at UC Berkeley
UKDriverDeaths Road Casualties in Great Britain 1969-84

R 제공 데이터 셋



● 함수 파라미터 보기

```
형식) args(함수명)
```

- √args(max) #
- ✓# max()함수 파라미터 : (na.rm = FALSE) <- NA 제거 안됨</p>
- √max(10,20,NA,30) # NA 출력

●함수 예제 보기

형식) example(함수명): 해당 함수의 사용 예 제공

- √example(seq)
- \checkmark seq(10,20, by=2) # 10 12 14 16 18 20
- √example(mean)
- √mean(10:20) # 15

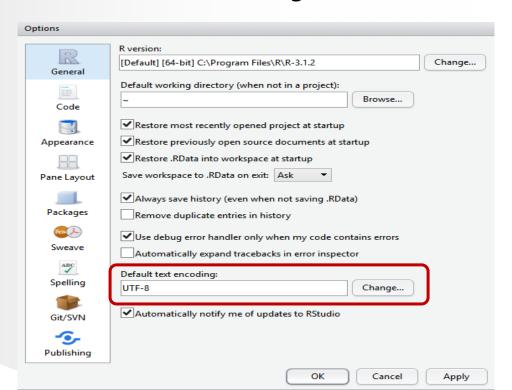


- 작업공간 보기
 - ✓ getwd() # 기본함수
- 작업공간 지정
 - ✓ setwd("C:/Rwork/Part-I") # 구분자 : / or ₩₩
 - ✓ data <- read.csv("test.csv", header=T) # 지정된 경로에서 파일 로딩
 - ✓args(read.csv) # (file, header = TRUE)
 - √ data

test.csv 파일 내용



- 스크립트 파일 저장 및 깨짐 현상 처리 방법
 - ✓ 문자 인코딩 방식 지정 : UTF-8
 - ✓ 메뉴 : Tools > General Options > General Default text encoding-UTF-8
 - ✓ 메뉴: File > Save with Encoding > UTF-8





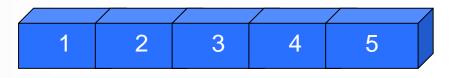
Chap02_DataStructure 수업내용

- R에서 제공하는 주요 자료구조(객체 타입)
 - 1. Vector : 동일 데이터 타입을 갖는 1차원 배열
 - 2. Matrix : 동일 데이터 타입을 갖는 2차원 배열
 - 3. Data Frame : 열 단위로 서로 다른 데이터 타입을 갖는 배열
 - -> 2차원 테이블 구조(DB 테이블과 유사)
 - 4. Array : 동일 데이터 타입을 갖는 다차원 배열
 - 5. List: 서로 다른 데이터 구조(Vector, Data Frame, Array, List) 중첩



1) Vector 자료구조

- ✓ R의 기본 데이터 구조
- √ 1차원 배열 형태



Vector

- 접근 : [index] : 1부터 시작
- ✓ 동일한 타입의 데이터만 저장 가능
- ✓ 벡터 데이터 생성 함수 : c(), seq(), rep()
- ✓ 벡터 데이터 처리 함수 : setdiff(), intersect()



2) Matrix 자료구조

✓ 동일 데이터 타입을 갖는 2차원 배열



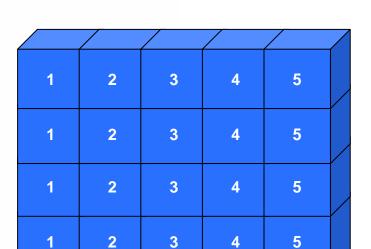
✓ Matrix 데이터 생성 함수

rbind(): 행묶음

cbind(): 컬럼 묶음

✓ Matrix 데이터 처리 함수

apply(): 함수적용



4

Vector

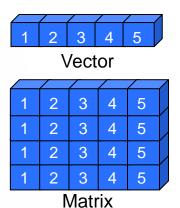
Matrix



c()함수 이용 matrix 생성



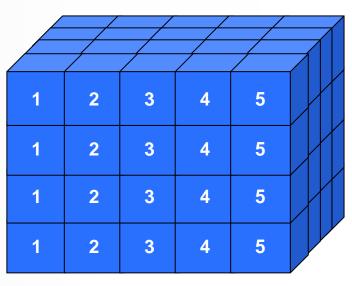
- 3) Array : 동일 데이터 타입을 갖는 다차원 배열
 - ✓ 3차원 배열 객체 생성
 - ✓ R에서 활용도 낮음



		1
•	•	_

[,1]	[,2]	
[1,]	1	4
[2,]	2	5
[3,]	3	6

, , 2





- 4) List: 서로 다른 데이터 구조
 - ✓ Vector, Data Frame, Array, List의 중첩 구조
 - ✓ c(구조체), python(딕션너리)
 - ✓ 함수 내에서 여러 값을 하나의 키로 묶어서 반환할 경우 유용함

Key	value
name	홍길동
age	35
address	한양시
gender	남자
htype	아파트

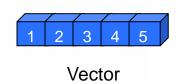
1/01...

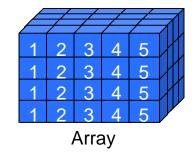
1/01/



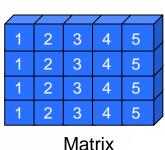
5) Data Frame

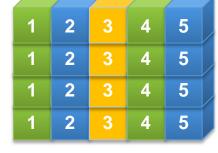
- ✓ 리스트 보다 활용범위 넓다.
- ✓ DBMS의 테이블 구조와 유사(서로 다른 데이터 타입을 갖는 컬럼)





- ✓ 가장 많이 사용하는 객체 타입
- ✓ list와 Vector 혼합형
 - 컬럼 구성 : list, list 구성 : vector
- ✓ data frame 생성방법
 - Vector, Matrix, txt/excel/csv 파일





Data Frame



- Data Frame 특징
 - 1. 형식) data.frame(컬럼1, 컬럼2.. 컬럼n)
 - 2. 컬럼 단위로 서로 다른 자료형 가능
 - 3. 모든 컬럼은 크기가 동일해야 함

[컬럼 구성 예]

```
id <- c("hong", 'lee", "kang")
name <- c("홍길동", "이순신", "강감찬")
age <- c(30, 35, 45)
```





```
2) matrix이용 객체 생성
   m <- matrix(
           c(1,"hong",150,
            2, "lee", 250,
            3, "kim", 300) ,3 ,by=T) # 행우선, 3개 리스트 생성
   memp <- data.frame(m)</pre>
   memp
       ##################
         X1 X2 X3 <- 기본 컬럼명
       1 1 hong 150
       2 2 lee 250
       3 3 kim 300
       ##################
```





```
4) csv파일 이용 객체 생성
   getwd()
   csvtemp <- read.csv('emp.csv', header=T) # 제목있음,
   컴마구분
   csvtemp
      사번 이름 급여
      1 101 홍길동 150
      2 102 이순신 450
      3 103 강감찬 500
      4 104 유관순 350
      5 105 김유신 400
      #####################
```



```
# 데이터 프레임 검색 -> 벡터 결과 반환
df$x # 형식)변수$컬럼
# 데이터 프레임 처리함수
str(df) # 테이블 구조보기
```



x y

15 30

2. 데이터 유형과 구조

apply(df[, c(1,2)],2, sum) # 컬럼(열)단위 합계

```
# 데이터프레임 대상 조건에 만족하는 서브셋 만들기
x1 <- subset(df, x>=3) # x가 3이상인 레코드 대상 서브셋 생성
x1
y1 <- subset(df, y<=8) # y가 8이하인 레코드 대상 서브셋 생성
y1
xy <- subset(df, x>=2 & y<=6) # 2개 조건이 참인 레코드 대상 서브셋 생성
xy
```



Data Join

```
h <- data.frame(id=c(1,2), h=c(180,175))
w <- data.frame(id=c(1,2), w=c(80,75))

# id 컬럼으로 data.frame 조인
user3 <- merge(h, w, by.x="id", by.y="id")
user3
# id h w
# 1 1 180 80
# 2 2 175 75
```



● stringr()과 정규표현식

```
install.packages("stringr") # 패키지 설치
library(stringr) # in memory
str_extract("abcd12aaa33", "[1-9]{2}") # 연속된 숫자2개가 첫번째 발견 항목
str_extract_all("abcd12aaa33", "[1-9]{2}") # 모두
d <- c("김길동","유관순","강감찬","김길동")
str_replace(d, "김길동","홍길동") # 문자열 교체
subs <- str_sub("abcd12aaa33", 3,6) # 서브스트링 생성
subs # "cd12"
```



● Stringr 패키지에서 제공하는 주요 함수

str_length () : 문자열 길이 리턴

str_join : 문자열 연결

str_sub(): 범위에 해당하는 부분 문자열 출력

str_split() : 기준문자를 중심으로 부분 문자열 리스트 출력

str_replace : 문자열 교체

str_extract(): 문자열의 위치(index) 리턴

str_locate(): 문자열에서 특정 문자열 패턴의 첫번째 위치 찾기

str_locate_all(): 문자열에서 특정 문자열 패턴의 전체 위치 찾기

✓ 문자열 패턴은 정규표현식(Regular Expression) 이용

✓ 참고 사이트 : 위키백과 정규표현식



● 위키백과 정규 표현식

http://ko.wikipedia.org/wiki/%EC%A0%95%EA%B7%9C_%ED%91%9C%ED%98%84%EC%8B%9D

식	기능	설명
	문자	1개의 문자와 일치한다. 단일행 모드에서는 새줄 문자를 제외한다.
₩	이스케이프	특수 문자를 식에 문자 자체로 포함한다.
	선택	여러 식 중에서 하나를 선택한다. 예를 들어, "abc¦adc"는 abc와 adc 문자열을 모두 포함한다.
٨	부정	문자 클래스 안의 문자를 제외한 나머지를 선택한다. 예를 들면 [^abc]d는 ad, bd, cd는 포함하지 않고 ed, fd 등을 포함한다. [^a-z]는 알파벳 소문자로 시작하지 않는 모든 문자를 의미한다.
0	문자 클래스	"["과 "]" 사이의 문자 중 하나를 선택한다. "¦"를 여러 개 쓴 것과 같은 의미이다. 예를 들면 [abc]d는 ad, bd, cd를 뜻한다. 또한, "-" 기호와 함께 쓰면 범위를 지정할 수 있다. "[a-z]"는 a부터 z까지 중하나, "[1-9]"는 1부터 9까지 중의 하나를 의미한다.
0	하위식	여러 식을 하나로 묶을 수 있다. "abc¦adc"와 "a(b¦d)c"는 같은 의미를 가진다.
*	0회 이상	0개 이상의 문자를 포함한다. "a*b"는 "b", "ab", "aab", "aaab"를 포함한다.
+	1회 이상	"a+b"는 "ab", "aab", "aaab"를 포함하지만 "b"는 포함하지 않는다.
?	0 또는 1회	"a?b"는 "b", "ab"를 포함한다.
{m}	m회	"a{3}b"는 "aaab"만 포함한다.
{m,}	m회 이상	"a{2,}b"는 "aab", "aaab", "aaaab"를 포함한다. "ab"는 포함되지 않는다.
{m, n}	m회 이상 n회 이하	"a{1,3}b"는 "ab", "aab", "aaab"를 포함하지만, "b"나 "aaaab"는 포함하지 않는다.



Chap03_DataIO 수업내용

- 데이터 불러오기
 - (1) 키보드 입력
 - (2) 파일 데이터 가져오기
 - (3) 웹 문서 가져오기
- 데이터 저장하기
 - (1) 화면(콘솔) 출력
 - (2) 파일에 데이터 저장



● 데이터 불러오기

(1) 키보드 입력

```
1) scan() 함수를 이용
# 숫자입력
x <- scan()
1: 1
2: 2
3: 3
4: 4
5: 5
6:
Read 5 items
x # [1] 1 2 3 4 5
```



```
# 문자입력
y <- scan(what="")
1: a
2: b
3: c
4: d
5: e
6:
  Read 5 items
y # [1] "a" "b" "c" "d" "e"
```



2) edit() 함수를 이용한 입력

df <- data.frame() #빈 데이터프레임 생성 exam = edit(df) # 데이터 편집기 exam





- (2) 파일 데이터 가져오기
- 1) read.table() 함수 이용
 - 각 값들은 빈칸, 탭, 콜론(:), 세미콜론(;), 콤마(,) 등으로 구분
 - 구분자가 공백이나 탭인 경우가 sep 의 기본값, 'header=F' 기본값

```
① 컬럼명이 없는 파일 불러오기
setwd("C:/Rwork/Part-I") # setwd("경로명")
student <- read.table(file="student.txt")
student # 컬럼명이 없으면 V1, V2, V3, V4 형태로 기본 이름 지정
# V1 V2 V3 V4
#1 101 hong 175 65
#2 201 lee 185 85
#3 301 kim 173 60
#4 401 park 180 70
names(student) <- c("번호","이름","키","몸무게")# 컬럼명 변경
student
```



② 컬럼명이 있는 파일 불러오기

```
student1 <- read.table(file="student1.txt", header=TRUE)</pre>
```

#student1 <-read.table(file.choose(), header=TRUE) # 파일열기대화상자

student1



```
(3) 구분자가 있는 경우(세미콜론, 탭)
student2 <- read.table(file="student2.txt", sep=";", header=TRUE)
# 세미콜론 구분자
student2
#student2 <- read.table(file="student2.txt", sep="₩t", header=TRUE)
# 탭키 구분자
```



```
(4) 특정문자 NA 처리(- 문자열을 NA로 처리)
read.table(file="student3.txt", sep=" ", header=TRUE, na.strings="-")
# - 문자를 NA 처리
```



- 2) read.csv() 함수 이용
 - 구분자 ","가 sep의 기본값이며, header=TRUE가 기본값

```
student4 <- read.csv(file="student4.txt", sep=",", na.strings="-")
student4</pre>
```

student4 <- read.csv(file.choose(), sep=",", na.strings="-") # 파일열기



```
3) read.xlsx() 함수를 이용해서 엑셀데이터 읽어오기
# xlsx 패키지 설치
install.packages("xlsx")
install.packages("rJava")
# java의 설치경로를 지정한다.
Sys.setenv(JAVA_HOME='C:\text{WWProgram Files\text{WW}} Java\text{WWjre1.8.0_31'})
library(rJava) # 로딩
# xlsx 패키지 로드 시 주의사항
library(xlsx) # rJava를 로드하기 때문에 rJava 패키지 설치 필요
studenex <- read.xlsx(file.choose(), sheetIndex=1, encoding="UTF-8")</pre>
#한글인코딩, file="C:/Rwork/Part-I/studentexcel.xlsx"
studenex
```



4) 웹문서 가져오기

install.packages("XML")

```
library(XML)
# 주소확인: http://www.infoplease.com/ipa/A0104652.html
# 미국의 각 주별 1인당 소득자료
info.url <- "http://www.infoplease.com/ipa/A0104652.html"
# readHTMLTable() 함수 역할 - ,,, 태그 이용
info.df<-readHTMLTable(info.url, header=T, which=1, stringsAsFactors=F)
# header=T : 컬럼명 있음, which=1 : 첫번째
# stringsAsFactors 문자는 범주(값의 목록)처리 안함
info.df
str(info.df) # ipContentTable:'data.frame': 58 obs. of 12 variables:
dim(info.df) #[1] 54 12
names(info.df) # table 제목 출력
```



- 데이터 저장하기
 - (1) 화면(콘솔) 출력

```
1) cat() 함수
x <- 10
y <- 20
z <- x * y
cat("x*y의 결과는 ", z ," 입니다.\n") # \n 줄바꿈
cat("x*y = ", z)
```

2) print() 함수 print(z) # 변수 또는 수식만 가능



- (2) 파일에 데이터 저장

 1) sink() 함수를 이용 파일 저장

 setwd("C:/Rwork/output") # 현재 작업디렉토리 확인/폴더 생성

 sink("savework.txt") # 저장할 파일명

 # 파일 선택 창에서 studentexcel.xlsx 파일 선택
- studentx <- read.xlsx(file.choose(), sheetIndex=1, encoding="UTF-8") studentx #출력되는 값이 화면에 나타나지 않고 파일에 저장됨 sink() # 해제



- 2) write.table()함수 이용 파일 저장 getwd()
- ① 기본옵션으로 저장 행 이름과 따옴표 붙음 write.table(studentx, "stdt.txt") # 행 번호와 따옴표 출력
- ② 행 이름 제거하여 저장 write.table(studentx, "stdt2.txt", row.names=FALSE) # 행번호 제거
- ③ 따옴표 제거하여 저장
 write.table(studentx, "stdt3.txt", row.names=FALSE, quote=FALSE)
 # 행 이름와 따옴표 제거



- 3) write.xlsx() 함수 이용 파일 저장
- 엑셀 파일로 데이터 저장 함수

```
library(xlsx) # excel data 입출력 함수 제공
# studentexcel.xlsx 파일 선택
st.df <- read.xlsx(file.choose(), sheetIndex=1, encoding="UTF-8")
str(st.df) # data.frame
write.xlsx(st.df, "studentx.xlsx") # excel형식으로 저장
```



4) write.csv() 함수 이용 파일 저장

data.frame 형식의 데이터를 csv 형식으로 저장

setwd("C:/Rwork/Part-I")

st.df

write.csv(st.df, "stdf.csv", row.names=F, quote=F) # 행 이름 제거



Chap04_1_Control 수업내용

- 조건문
 - ✓ if(), ifelse(), switch()
- 반복문
 - ✓ for(), while(), repeat()



1) if()함수

```
if(x*y > 40){
  cat("x*y의 결과는 40 이상입니다.\n") # \n 줄바꿈
  cat("x*y =", z)
}else{
  cat("x*y의 결과는 40 미만입니다. x*y =", z,"\n")
}
```



2) ifelse(조건, 참, 거짓) - 3항 연산자 기능

ifelse(score>=80, "우수","노력") #우수

ifelse(score<=80, "우수","노력") #노력



3) switch 문

```
형식) switch(비교 구문, 실행구문1, 실행구문2, 실행구문3) switch("name", age=105, name="홍길동", id="hong", pwd="1234")
```

4) which 문

형식) which()의 괄호내의 조건에 해당하는 위치(인덱스)를 출력한다.

벡터에서 사용

name <- c("kim","lee","choi","park")
which(name=="choi") # [1] 3</pre>



```
# 데이터프레임에서 사용
no <- c(1:5)
name <-c("홍길동","이순신","강감찬","유관순","김유신")
score <- c(85,78,89,90,74)
exam <- data.frame(학번=no,이름=name,성적=score)
exam
which(exam$이름=="유관순") # [1] 4, 없으면 0
exam[4,] # 4번째 레코드 보기
```



```
1) 반복문
 형식) for(변수 in 값) {표현식} - 단일문{} 생략 가능
  i < -c(1:10)
  for(n in i){ # 10회 반복
    print(n * 10) # 계산식(numeric만 가능) 출력
    print(n)
```



```
for(n in i){
if(n\%\%2==0){
  next # 다음문장 skip -> 반복문 계속
}else{
  print(n) # 홀수만 출력
  [1] 1
  [1] 3
  [1] 5
  [1] 9
```



```
# 데이터 파일의 변수명 출력
name <- c(names(exam))
for(n in name){ # 변수명 출력
  print(n)
}

[1] "학번"
[1] "이름"
```

[1] "성적"



```
score = c(85, 95, 98)
name = c('홍길동', '이순신', '강감찬')
i<- 1
for (s in score){
  cat(name[i]," -> ", s, "₩n")
  i < -i + 1
홍길동 -> 85
이순신 -> 95
강감찬 -> 98
```



2) 반복문 - while(조건){표현식}

```
i = 0
while(i < 10){
    i <- i + 1
    print(i) # 1~10까지 출력됨
}
```



3) 반복문 - repeat{ 탈출조건 }

```
cnt <-1
repeat{
  print(cnt)
  cnt <- cnt + 2
  if(cnt>15) break # cnt가 15보다 크면 탈출 - continue없음
}
```



Chap04_2_Function 수업내용

- 사용자 정의함수 형식
 - ✓ 사용자가 정의한 함수
- R 내장함수
 - ✓ R 설치 시 제공하는 함수



● 사용자 정의함수 형식

```
(형식)
함수명 <- function(매개변수){ }
# 매개변수가 없는 함수 예
f1 <- function(){
 cat("매개변수가 없는 함수")
f1() # 함수 호출
```



● 매개변수가 있는 함수 예

```
f2<- function(x){
    cat("x의 값 = ",x, "₩n") # ₩n 줄바꿈
    print(x) # 변수만 사용
}
f2(15) # 함수 호출
```



파타고라스 정의 증명- 식: a^2+b^2=c^2 pytha <- function(s,t){</pre> $a < - s^2 - t^2$ b < -2*s*t $c < - s^2 + t^2$ cat("피타고라스의 정리 : 3개의 변수 : ",a,b,c) pytha(2,1) # s,t는 양의 정수 -> 3 4 5



구구단 출력하기 gugu <- function(i,j){</pre> for(x in i){ cat("**", x , "단 **₩n") for(y in j){ cat(x, "*", y, "=", x*y, "₩n") cat("₩n") i < -c(2:9)j < -c(1:9)gugu(i,j)



● 기술통계량 처리 내장함수

table(x) : 데이터 빈도수

```
min(vec) # 벡터 대상 최소값
max(vec) # 벡터 대상 최대값
range(vec) # 벡터 대상 범위 값
mean(vec) # 벡터 대상 평균값
median(vec) # 벡터 대상 사분위수
sum(vec) # 벡터 대상 합계
sort(x) : 벡터 정렬 (단, 원래의 값을 바꾸지는 않음)
order(x) : 벡터의 정렬된 값의 인덱스를 보여줌
rank(x) : 벡터의 각 원소의 순위를 알려줌
sd(x) # 표준편차
summary(x) : 데이터에 대한 기본적인 통계 정보 요약
```



● 수학관련 내장함수

```
abs(x) # 절대값
sqrt(x) # 제곱근
ceiling(x), floor(), round() # 값의 올림, 내림, 반올림
factorial(x) # 팩토리얼 함수
which.min(x), which.max(x) # 벡터 내의 최소값과 최대값의 인덱스
pmin(x), pmax(x) # 여러 벡터에서의 원소 단위 최소값과 최대값
prod() # 벡터의 원소들의 곱
cumsum(), cumprod() # 벡터의 원소들의 누적합과 누적곱
cos(x), sin(x), tan(x) # 삼각함수 (also acos(x), cosh(x), acosh(x), etc)
log(x) # 자연로그(natural logarithm)
log10(x) # 10을 밑으로 하는 일반로그 함수(e^x)
```



● 행렬연산 내장함수

```
ncol(x) # 열의 수
nrow(x) # 행의 수
t(x) # 전치행렬
cbind(...) # 열을 더할 때 이용되는 함수
rbind(...) # 행을 더할 때 이용되는 함수
diag(x) # 대각행렬
det(x) # 행렬식
apply(x, m, fun) # 행 또는 열에 함수 적용
x %*% y # 두 행렬의 곱
solve(x) # 역 행렬
svd(x) # Singular Value Decomposition
qr(x) # QR Decomposition (QR 분해)
eigen(x) # Eigenvalues(고유값)
chol(x) # choleski decomposition(Choleski 분해)
```



● 집합연산 내장함수

```
union (x, y) # 집합 x와 y의 합집합
intersect (x, y) # 집합 x와 y의 교집합
setdiff (x, y) # x의 모든 원소 중 y에는 없는 x와 y의 차집합
setequal (x, y) # x와 y의 동일성 테스트
c %in% y # c가 집합 y의 원소인지 테스트
choose (n, k) # 크기 n의 집합에서 크기 k의 가능한 부분 집합 개수
```



● 기초 통계량 관련 함수

```
getwd()
setwd("c:/Rwork/Part-I")
#excel에서 csv(쉼표로 분리)형식으로 저장한 파일 가져오기
excel <- read.csv("excel.csv", header=TRUE)</pre>
# head()함수이용 앞쪽 10줄 출력
head(excel,10) # q1 q2 q3 q4 q5
#colMeans()함수 이용 각 열의 평균 계산
colMeans(excel[1:5])
#q1 q2 q3 q4
                         q5
#2.733831 2.907960 3.621891 2.509950 3.385572
```

summary()함수 이용 각 열단위 기초 통계량 summary(excel)