

Factores asociados al rebrote de miasis por *Cochliomyia hominivorax* en Chiapas: Un enfoque de modelaje de la enfermedad.

Estrella Segobia, Blanca Osornio, Daniela Villanueva, Melissa Martinez

2025-11-25

Contents

1	Introducción	2
2	Antecedentes	2
3	Objetivos	2
3.1	Objetivo general	2
3.2	Objetivos específicos	3
4	Metodología	3
4.1	Integración y curación de bases de datos	3
4.2	Formulación del modelo SEIRS expandido	3
4.2.1	Módulos adicionales del modelo	4
4.2.2	Módulo climático	4
4.2.3	Módulo socioeconómico	4
4.2.4	Módulo de mitigación	5
4.2.5	Tabla de variables y parámetros del modelo	6
4.2.6	Obtención de Parámetros	7
4.3	Módulo de Mitigación: Técnica del Insecto Estéril (TIE)	8
4.3.1	Parámetros del Compartimento Bovino (SEIRS)	10
4.4	Parámetro σ (Susceptible \rightarrow Expuesto) - Período Pre-Eradicación	12
4.4.1	Paso 1: Cálculo de la proporción de incidencia	12
4.4.2	Paso 2: Conversión a tasa de incidencia	12
4.5	Muerte asociada a la miasis	13
4.6	Reincorporación a susceptibles: θ	13
4.7	Contacto larva-bovino: δ	14
4.8	Escenario donde hay moscas liberadas y entrada de ganado ilegal	14
4.9	Escenario donde hay sin liberación de moscas con ganado ilegal	15
4.10	Escenario sin ganado ilegal	18

5	Aproximado de R_0	19
6	Conclusión basada en los escenarios del modelo	19
7	Limitaciones y oportunidades de mejora del modelo	20
8	Referencias	20

1 Introducción

La reemergencia de la miasis por *Cochliomyia hominivorax* en México durante 2024 evidenció la necesidad de herramientas analíticas que permitan comprender la dinámica que favorece su persistencia en sistemas ganaderos. Como extensión del proyecto original presentado en la materia **proyecto de investigación**, la presente sección se enfoca exclusivamente en la construcción, calibración y validación de un modelo compartimental. Este modelo busca integrar parámetros biológicos, climáticos y socioeconómicos asociados al rebrote registrado en el estado de Chiapas, con el fin de identificar los factores que contribuyeron a su aparición y mantenimiento.

Los modelos compartimentales permiten descomponer procesos complejos en transiciones ordenadas entre estados epidemiológicos. Para *C. hominivorax*, esta aproximación resulta adecuada debido a que su ciclo incluye etapas definidas que pueden representarse mediante compartimentos susceptibles, expuestos, infestados y recuperados. A diferencia de las simulaciones centradas en la TIE (Técnica del Insecto Estéril) o modelos climáticos aislados, esta propuesta integra múltiples componentes para generar un panorama mayor de la dinámica observada.

2 Antecedentes

La literatura existente documenta modelos enfocados principalmente en evaluar estrategias de liberación de machos estériles (Dhahbi et al., 2020) y modelos ecofisiológicos que analizan el efecto del clima sobre la distribución del parásito (Gutiérrez et al., 2019). Sin embargo, no se han encontrado modelos que incorporen lo siguiente:

1. Ciclo de vida del parásito.
2. Datos climáticos (humedad, precipitación y temperatura)
3. Componentes socioeconómicos (entrada legal e ilegal de ganado)

Por ello, se plantea el desarrollo de un modelo SEIRS expandido que capture las transiciones biológicas del gusano, su interacción con factores ambientales y socioeconómicos.

3 Objetivos

3.1 Objetivo general

Desarrollar y validar un modelo epidemiológico SEIRS expandido que represente la dinámica del rebrote de miasis por *C. hominivorax* en Chiapas, integrando parámetros biológicos, climáticos y socioeconómicos.

3.2 Objetivos específicos

1. Construir un modelo compartimental SEIRS que represente la dinámica de infestación en ganado bovino.
2. Obtener y depurar parámetros biológicos y ambientales mediante revisión documental y bases oficiales.
3. Implementar análisis de sensibilidad local y global utilizando muestreo tipo Latin Hypercube e índices de Sobol.
4. Simular escenarios antes, durante y después del rebrote a fin de identificar los parámetros con mayor influencia en la dinámica observada.

4 Metodología

4.1 Integración y curación de bases de datos

La información se recopilará desde fuentes oficiales y científicas, incluyendo:

- SENASICA/SADER: número de casos confirmados y sus fechas.
- INEGI: ingreso de ganado.
- USDA/COMEXA: frecuencia y volumen de liberaciones de machos estériles.
- CONAGUA: registros de precipitación, humedad relativa y temperatura.

4.2 Formulación del modelo SEIRS expandido

El modelo propuesto describe la dinámica epidemiológica de la miasis por *Cochliomyia hominivorax* en bovinos mediante un esquema compartimental tipo SEIRS. El flujo básico considera cuatro estados:

$$S \rightarrow E \rightarrow I \rightarrow R \rightarrow S$$

donde:

- **S**: bovinos susceptibles.
- **E**: bovinos expuestos (oviposición o presencia temprana de larvas).
- **I**: bovinos infestados (lesiones con larvas activas).
- **R**: bovinos recuperados temporalmente (lesiones tratadas o cicatrizadas).

El retorno $R \rightarrow S$ representa la **pérdida de protección**, la **generación de nuevas heridas**, o el **reinicio del riesgo** tras la curación.

Además del ciclo SEIRS en bovinos, se incorpora explícitamente el ciclo biológico del gusano barrenador:

$$A \rightarrow H \rightarrow L \rightarrow P$$

con:

- **A** = adultos (moscas reproductivas)
- **H** = huevos
- **L** = larvas
- **P** = pupas

Estos dos subsistemas se acoplan mediante la **fuerza de infestación**, que depende del número de adultos y del clima.

4.2.1 Módulos adicionales del modelo

A continuación se describen los tres módulos que complementan el modelo SEIRS y que permiten incorporar mejor las condiciones reales del rebrote.

4.2.2 Módulo climático

El desarrollo del gusano barrenador depende mucho del clima. Para que pase de huevo \rightarrow larva \rightarrow pupa \rightarrow adulto, necesita buena temperatura, suficiente humedad y lluvia.

Por eso, cada parámetro del ciclo biológico $(\alpha, \eta, \kappa, \epsilon)$ se ajusta con una función que nos dice **qué tan favorable es el clima** en ese momento.

La función combina temperatura (T), precipitación (P) y humedad (H):

$$f_c(T, P, H) = \left(\frac{T - T_{min}}{K} \right) \left(\frac{P - P_{min}}{K} \right) \left(\frac{H - H_{min}}{K} \right)$$

- Si el clima está “ideal”, la función da valores grandes y el gusano se desarrolla rápido.
- Si el clima está “malo”, los valores bajan y el desarrollo se frena.

Este factor se multiplica directamente en tus parámetros de paso:

- α : oviposición ajustada
- η : paso huevo \rightarrow larva
- κ : paso larva \rightarrow pupa
- ϵ : paso pupa \rightarrow adulto

Así el modelo reacciona automáticamente a las condiciones reales.

4.2.3 Módulo socioeconómico

Además del clima, la entrada de animales al estado afecta la dinámica de la miasis. Aquí se consideran dos tipos:

- **entrada legal**, que aumenta bovinos susceptibles registrados,
- **entrada ilegal**, que puede mover casos entre municipios sin registros oficiales.

Como no podemos medir exactamente cuánto ganado ilegal entra, usamos un ajuste sencillo:

$$\rho_2 = \frac{\text{incautaciones}}{\text{estimación total}}$$

Este ajuste representa el nivel de ganado ilegal que pudo entrar. Lo cual influye directamente en:

- la cantidad de bovinos susceptibles S
- la posibilidad de introducir animales infestados
- y el mantenimiento del riesgo durante el rebrote

4.2.4 Módulo de mitigación

Este módulo representa la **Técnica del Insecto Estéril (TIE)**, que disminuye la reproducción del gusano.

Cuando se liberan machos estériles, compiten con los machos normales, pero si una hembra se aparea con un macho estéril, los huevos no son viables.

En el modelo esto se ajusta modificando la oviposición real:

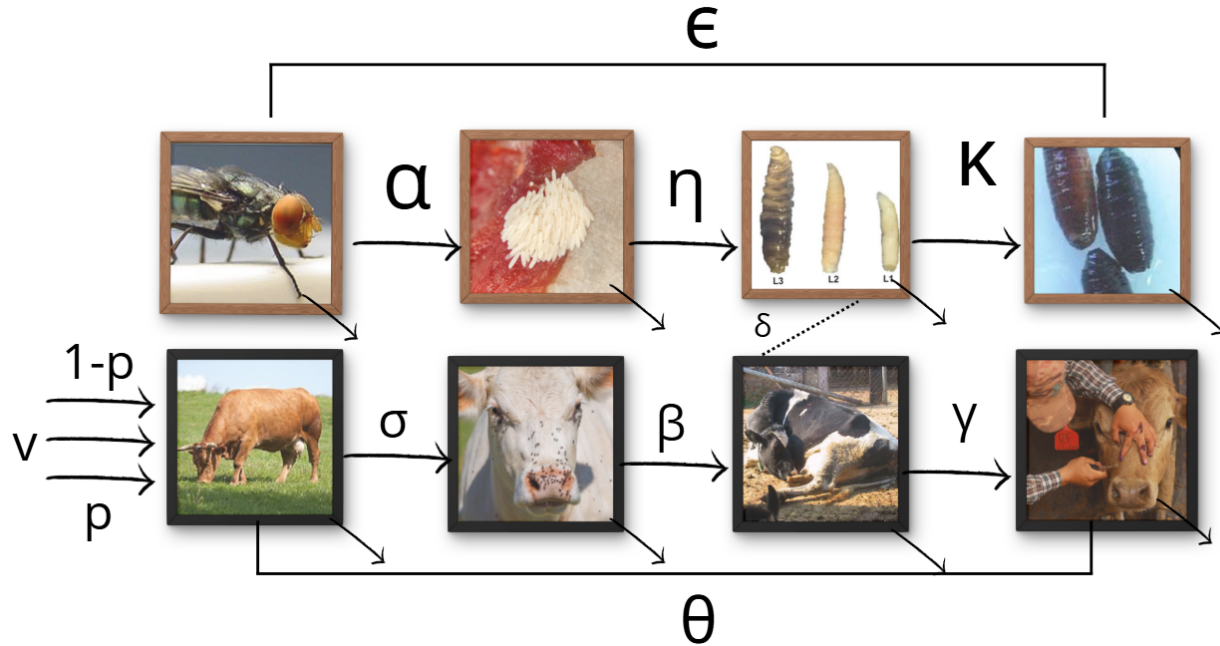
$$\alpha_{ef} = \alpha(1 - u)$$

donde:

- u = proporción de hembras que sí fueron fecundadas por machos estériles.

Entre mayor sea u , menor es la oviposición efectiva, y por lo tanto, disminuye la producción de larvas.

Este módulo permite simular escenarios con liberaciones bajas, medias o intensivas.



A continuación se presenta la formulación del modelo completo mediante ecuaciones diferenciales:

La población total del hospedero es:

$$N_v = S_v + E_v + I_v + R_v$$

Ecuaciones para el hospedero

→ Susceptibles

$$\frac{dS_v}{dt} = \text{natalidad} + p_1 + p_2 - \sigma S_v \left(\frac{M}{N_v} \right) - \mu_v S_v + \theta R_v$$

→ Expuestos

$$\frac{dE_v}{dt} = \sigma S_v \left(\frac{M}{N_v} \right) - \beta E_v - \mu_v E_v$$

-> Infestados

$$\frac{dI_v}{dt} = \sigma S_v \left(\frac{M}{N_v} \right) - \beta E_v - \gamma I_v + \delta M_l I_v - \mu_v I_v$$

-> Recuperados

$$\frac{dR_v}{dt} = \gamma I_v - \mu_v R_v - \theta R_v$$

Ciclo del gusano barrenador

-> Adultos

$$\frac{dM}{dt} = \epsilon M_p - \alpha M - \mu_m M$$

-> Huevos

$$\frac{dM_o}{dt} = \alpha M - (\eta + \mu_m) M_o$$

-> Larvas

$$\frac{dM_l}{dt} = \eta M_o - (\kappa + \mu_m) M_l$$

-> Pupas

$$\frac{dM_p}{dt} = \kappa M_l - (\epsilon + \mu_m) M_p$$

4.2.5 Tabla de variables y parámetros del modelo

Símbolo	Descripción
Sv	Hospedadores susceptibles (ganado sin infestación).
Ev	Hospedadores expuestos; animales con larvas en incubación (sin signos clínicos).
Iv	Hospedadores infectados; animales con infestación activa.
Rv	Hospedadores recuperados con inmunidad temporal.
Nv	Tamaño total de la población bovina: Sv + Ev + Iv + Rv.
Estado del díptero	Descripción
Mo	Huevos de <i>C. hominivorax</i> .
Ml	Larvas (estadios larvarios dentro del hospedador).
Mp	Pupas (transición de larva a mosca adulta).
M	Moscas adultas totales (fértils + estériles).

Parámetro	Descripción
p1	Proporción de animales legales.
p2	Proporción de animales ilegales.
sigma (σ)	tasa de transición Susceptible \rightarrow Expuesto (oviposición e incubación)
mu (μ)	Tasa de mortalidad natural.
theta (θ)	tasa de transición Recuperado \rightarrow Susceptible (pérdida de protección)
beta (β)	tasa de transición Expuesto \rightarrow Infestado (desarrollo larvario temprano)
gamma (γ)	tasa de transición Infestado \rightarrow Recuperado (tratamiento y cicatrización).
alpha (α)	tasa efectiva de oviposición
delta (δ)	Contacto larva-bovino.

4.2.6 Obtención de Parámetros

Estos se basan en la biología conocida de la mosca *Cochliomyia hominivorax* y se obtienen principalmente de literatura científica, estudios entomológicos y reportes de programas de erradicación (como el de COPEG o agencias gubernamentales como SENASICA/USDA). La siguiente información se obtuvo de SENASICA (2020):

- El parámetro α_{base} representa la tasa promedio de producción de huevos por mosca adulta por día en condiciones ideales.

$$\alpha_{\text{base}} = \frac{\text{Huevos totales puestos en su vida}}{\text{Esperanza de vida reproductiva de la hembra (días)}}$$

Dato Biológico	Valor	Uso en α_{base}
Población en A	50% Hembras, 50% Machos	Solo las hembras oviponen.
Oviposición por Masa	200 a 400 huevos (Usamos 300)	Se usa para calcular la producción total.
Masas Totales	Hasta cuatro masas de huevos en su vida.	Se usa para calcular la producción total.
Vida Reproductiva	El apareamiento ocurre entre el día 3-5, y la oviposición comienza al día 6. La vida es de ≈ 20 días.	La fase reproductiva dura aproximadamente $20 - 6 = 14$ días.

Cálculo:

1. Huevos Totales por Hembra (en su vida):

$$\text{Huevos totales} = \text{Promedio de Huevos por Masa} \times \text{Número de Masas}$$

$$\text{Huevos totales} \approx 300 \text{ huevos/masa} \times 4 \text{ masas} = 1200 \text{ huevos}$$

2. Tasa de Oviposición por Hembra (diaria, durante su vida reproductiva):

$$\text{Tasa Hembra} = \frac{1200 \text{ huevos}}{14 \text{ días}} \approx 85.7 \text{ huevos/día/hembra}$$

3. Tasa de Oviposición por Adulto (α_{base}):

Dado que el compartimento A incluye machos y hembras (50% de cada uno), la tasa promedio por individuo en A es la mitad de la tasa de la hembra.

$$\alpha_{\text{base}} = \text{Tasa Hembra} \times 0.50 \approx 85.7 \times 0.50 \approx 42.85$$

Valor que usaremos para el modelo: $\alpha_{\text{base}} \approx 43$ por día.

4.3 Módulo de Mitigación: Técnica del Insecto Estéril (TIE)

La efectividad de la **Técnica del Insecto Estéril (TIE)** para reducir la tasa de oviposición de la mosca se cuantifica mediante el **factor de esterilidad** (u), que representa la proporción de apareamientos que resultan en huevos estériles.

1. Definición de la Competitividad (C)

La **competitividad** C se usa porque el macho estéril no siempre compite igual que el silvestre. Por ello, se pondera su “calidad”.

Se tomó $C = 0.5$ como **valor medio estimado** para *Cochliomyia hominivorax*, ya que se basa en la literatura de otros vectores, donde la competitividad suele rondar entre 0.3 y 0.7.

$$\text{Competitividad } (C) = 0.5$$

2. Cálculo de la Tasa de Esterilidad (u)

Para determinar u , se utilizan los datos del programa de liberación de SENASICA y la proporción de moscas estériles a silvestres.

Datos de Liberación (SENASICA): * **Moscas estériles liberadas:** 885 millones (lib_{tot}) en un periodo de 168 días. * **Tasa de liberación diaria** (S):

$$S = \frac{885,000,000}{168 \text{ días}} \approx 5,267,857 \text{ moscas estériles/día}$$

* **Población silvestre estimada** (W): El programa opera con una **relación de** 10 moscas estériles por cada 1 silvestre.

$$W = \frac{5,267,857}{10} \approx 526,786 \text{ moscas silvestres/día}$$

Cálculo de u : Se sustituyen los valores en la fórmula de la proporción de apareamientos estériles:

$$u = \frac{C \cdot S}{C \cdot S + W}$$

$$u = \frac{0.5 \cdot 5,267,857}{(0.5 \cdot 5,267,857) + 526,786} \approx 0.8333$$

El factor de esterilidad obtenido es:

$$u \approx 0.83$$

Esto significa que alrededor del **83% de las hembras quedan estériles**.

3. Ajuste de la Fecundidad del Modelo

El factor u se utiliza para **ajustar la fecundidad efectiva** del modelo, reduciendo la tasa de oviposición original (α_{base}) mediante la siguiente relación:

$$\alpha_{\text{efectiva}} = \alpha_{\text{base}}(1 - u)$$

Asumiendo que la tasa de oviposición base (α_{base}) es de 43 huevos/día, con $u = 0.83$ se obtiene:

$$\alpha_{\text{ajustada}} = 43 \cdot (1 - 0.83) \approx 7.17 \text{ huevos/día}$$

La tasa efectiva de oviposición utilizada en el modelo es:

$$\alpha_{\text{ajustada}} \approx 7.17 \text{ huevos/día}$$

Tasa de Mortalidad del Adulto (μ_A) El parámetro μ_A es el inverso de la esperanza de vida promedio del adulto en la naturaleza.

- Vida de los Machos: 14 a 21 días (Promedio: 17.5 días)
- Vida de las Hembras: 10 a 30 días (Promedio: 20 días)
- Vida Promedio Ponderada (asumiendo 50% machos, 50% hembras):

$$\text{Vida Promedio} \approx \frac{17.5 + 20}{2} = 18.75 \text{ días}$$

La tasa de mortalidad diaria (μ_A) se calcula como el inverso del tiempo promedio de vida:

$$\mu_A = \frac{1}{\text{Vida Promedio}} \approx \frac{1}{18.75} \approx 0.0533$$

Valor que usaremos para el modelo: $\mu_A \approx 0.053$ por día

Suposiciones para las Tasas de Mortalidad

Parámetro	Fase	Suposición	Valor Sugerido (Diario)	Razón
μ_H	Huevo	Mínima mortalidad (principalmente por factores intrínsecos).	0.005 (0.5%)	El texto SENASICA 2020 indica que eclosionan rápidamente (1 día). Los huevos en la masa están protegidos por la hembra y por estar en el borde de una herida (ambiente nutritivo).

Parámetro	Fase	Suposición	Valor Sugerido (Diario)	Razón
μ_L	Larva	Mortalidad baja (protegida dentro del huésped).	0.01 (1%)	La larva es un parásito obligado; está protegida dentro del tejido vivo de la herida. La principal amenaza es el tratamiento (que está fuera de esta μ) o que la herida se seque.
μ_P	Pupa	Mortalidad más alta (fase ambiental más vulnerable).	0.03 (3%)	La pupa se encuentra en el suelo, donde está expuesta a la depredación, inundaciones, desecación extrema o temperaturas desfavorables (aunque el clima base sea óptimo, hay riesgos).

- Para estimar directamente los parámetros de tasas de transición (η, κ, ϵ) para el ciclo de vida del parásito ($H \rightarrow L \rightarrow P \rightarrow A$). Usaremos la siguiente formula

$$\text{Tasa de Transición } (\lambda) = \frac{1}{\text{Tiempo Promedio de la Fase } (\tau \text{ días})}$$

Parámetro	Fase	Duración Promedio (τ)	Tasa Diaria ($\lambda = 1/\tau$)	Valor que usaremos para el modelo
η_{base}	Huevo \rightarrow Larva	0.4167 días	1/0.4167	2.4
κ_{base}	Larva \rightarrow Pupa	6 días	1/6	0.167
ϵ_{base}	Pupa \rightarrow Adulto	8.5 días	1/8.5	0.118

4.3.1 Parámetros del Compartimento Bovino (SEIRS)

Los parámetros del modelo SEIRS para bovinos se calculan utilizando datos epidemiológicos del rebrote de miasis por *Cochliomyia hominivorax* en Chiapas durante 2024-2025, en combinación con información biológica documentada por SENASICA.

Notación de parámetros:

- σ : tasa de transición Susceptible \rightarrow Expuesto (oviposición e incubación)
- β : tasa de transición Expuesto \rightarrow Infestado (desarrollo larvario temprano)
- γ : tasa de transición Infestado \rightarrow Recuperado (tratamiento y cicatrización)
- θ : tasa de transición Recuperado \rightarrow Susceptible (pérdida de protección)

4.3.1.1 Obtención de Parámetros Estos parámetros se basan en datos epidemiológicos oficiales de SENASICA/INEGI.

Parámetro σ (Susceptible \rightarrow Expuesto)

El parámetro σ representa la **tasa de incidencia**, calculada a partir de la proporción de casos observados durante el período del brote.

Paso 1: Cálculo de la proporción de incidencia

La proporción de incidencia se calcula como la fracción de la población bovina que fue infestada durante el período del brote:

$$\text{Proporción de incidencia} = \frac{\text{Casos confirmados}}{\text{Población total}}$$

Datos:

	Valor	Fuente
Población bovina 2022 (Censo INEGI)	1,653,718 cabezas	INEGI (2022)
Tasa de crecimiento anual	8.06%	INEGI (2022)
Período de proyección	2022 \rightarrow 2025 (3 años)	-
Casos confirmados en Chiapas	1,326 casos	SENASICA (2025)

Cálculo de la población bovina en 2025:

$$N_{2025} = N_{2022} \times (1 + r)^t$$

$$N_{2025} = 1,653,718 \times (1.0806)^3 = 1,653,718 \times 1.2617 = 2,086,688 \text{ cabezas}$$

Cálculo de la proporción de incidencia:

$$\text{Proporción} = \frac{1,326}{2,086,688} = 6.35 \times 10^{-4}$$

Paso 2: Conversión a tasa de incidencia

$$\sigma = \frac{\text{Proporción de incidencia}}{\text{Duración del brote (días)}}$$

Datos temporales del brote:

	Valor	Fuente
Inicio del brote	Noviembre 2024	SENASICA (2024)
Casos reportados hasta	24 de noviembre 2025	SENASICA (2025)
Duración del brote	365 días	Calculado

Cálculo de σ (tasa de incidencia):

$$\sigma = \frac{6.35 \times 10^{-4}}{365 \text{ días}} = 1.74 \times 10^{-6} \text{ día}^{-1}$$

Valor que usaremos para el modelo: $\sigma \approx 1.74 \times 10^{-6} \text{ día}^{-1}$ (0.00000174 día^{-1})

4.4 Parámetro σ (Susceptible \rightarrow Expuesto) - Período Pre-Eradicación

4.4.1 Paso 1: Cálculo de la proporción de incidencia

$$\text{Proporción de incidencia} = \frac{\text{Casos confirmados}}{\text{Población total}}$$

Datos:

	Valor	Fuente
Casos totales (1972-1990)	286,750 casos	SENASICA
Población bovina México (~1980-1990)	24,600,000 cabezas	INEGI/SAGARPA (1991)
Período analizado	1972 \rightarrow 1990 (18 años)	

Nota sobre la población: Se utilizó la población bovina nacional de México estimada en aproximadamente 24.6 millones de cabezas durante el período 1980-1990, que representa el punto medio del período analizado.

Cálculo de la proporción de incidencia:

$$\text{Proporción} = \frac{286,750}{24,600,000} = 1.17 \times 10^{-2}$$

4.4.2 Paso 2: Conversión a tasa de incidencia

Para obtener la tasa por día, dividimos la proporción entre la duración del período:

$$\sigma_{\text{pre-erradicación}} = \frac{\text{Proporción de incidencia}}{\text{Duración del período (días)}}$$

Datos temporales del período pre-erradicación:

	Valor
Inicio del período	1972
Fin del período	1990
Duración del período	18 años
Duración en días	6,570 días

Cálculo de σ pre-erradicación (tasa de incidencia):

$$\sigma_{\text{pre-erradicación}} = \frac{1.17 \times 10^{-2}}{6,570 \text{ días}} = 1.78 \times 10^{-6} \text{ día}^{-1}$$

Valor que usaremos para el modelo: $\sigma_{\text{pre-erradicación}} \approx 1.78 \times 10^{-6} \text{ día}^{-1}$ (0.00000178 día⁻¹)

Parámetro β (Expuesto \rightarrow Infestado)

El parámetro β representa la tasa a la cual bovinos con huevos depositados o larvas recién eclosionadas desarrollan una infestación clínicamente detectable.

Base biológica (SENASICA, 2020): Entre 12 y 24 horas después de la oviposición las larvas eclosionan y se alimentan de tejido vivo durante 4 a 8 días.

Componentes del estado Expuesto (E):

Fase	Duración
Huevos (pre-eclosión)	12-24h (promedio 18h)
Larvas recién nacidas	24-32h (promedio 30h)
Total en estado E	~2 días (48 h)

$$\text{Tasa de Transición } (\beta) = \frac{1}{\text{Tiempo Promedio en E } (\tau_E \text{ días})}$$

$$\beta = \frac{1}{2 \text{ días}} = 0.5 \text{ día}^{-1}$$

Valor que usaremos para el modelo: $\beta \approx 0.5 \text{ día}^{-1}$

4.4.2.1 Parámetro γ (Infestado \rightarrow Recuperado) El parámetro γ representa la tasa a la cual bovinos infestados se recuperan tras eliminación natural de larvas.

Base biológica:

- **Sin tratamiento:** La miasis puede ser fatal en 7-10 días

Cálculo:

$$\tau_{\text{recuperación}} = 7 \text{ días}$$

$$\gamma = \frac{1}{\tau_{\text{recuperación}}} = \frac{1}{7} \approx 0.143 \text{ día}^{-1}$$

Valor que usaremos para el modelo: $\gamma \approx 0.14 \text{ día}^{-1}$

4.5 Muerte asociada a la miasis

La tasa de muerte por gusa barrenador es de 4.8%, por lo que consideraremos 0.048 como valor. Esto fue reportado por Rogel & Tamayo en 2007.

4.6 Reincorporación a susceptibles: θ

Tras una infestación, si esta es tratada, la recuperación consta de 30 días, aunque a los 10 días ya hay una notable recuperación en el animal. Se realiza una cuarentena aislando al animal del resto, pasados los treinta días el animal vuelve al rebaño.

$$\theta = \frac{1}{30}$$

4.7 Contacto larva-bovino: δ

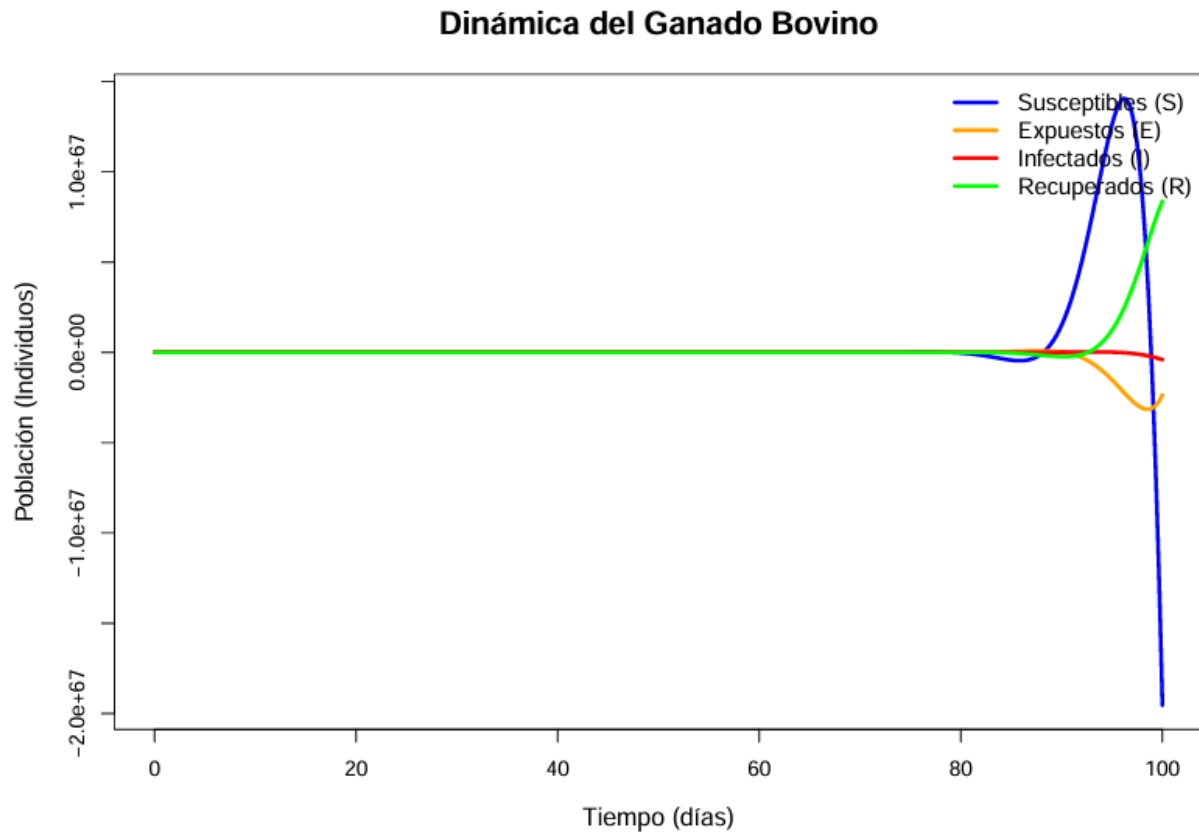
De acuerdo Kotzé et al. en 2016 la ovosición es de 300 a 400 huevos por puesta, aunque esto está sujeto a el área disponible y a otros factores como los recursos disponibles de la mosca, consideramos que todas los huevos eclosionaron y pasaron a ser larvas **en el bovino**. Para ello hacemos uso del inverso del promedio de la información proporcionada por dichos autores.

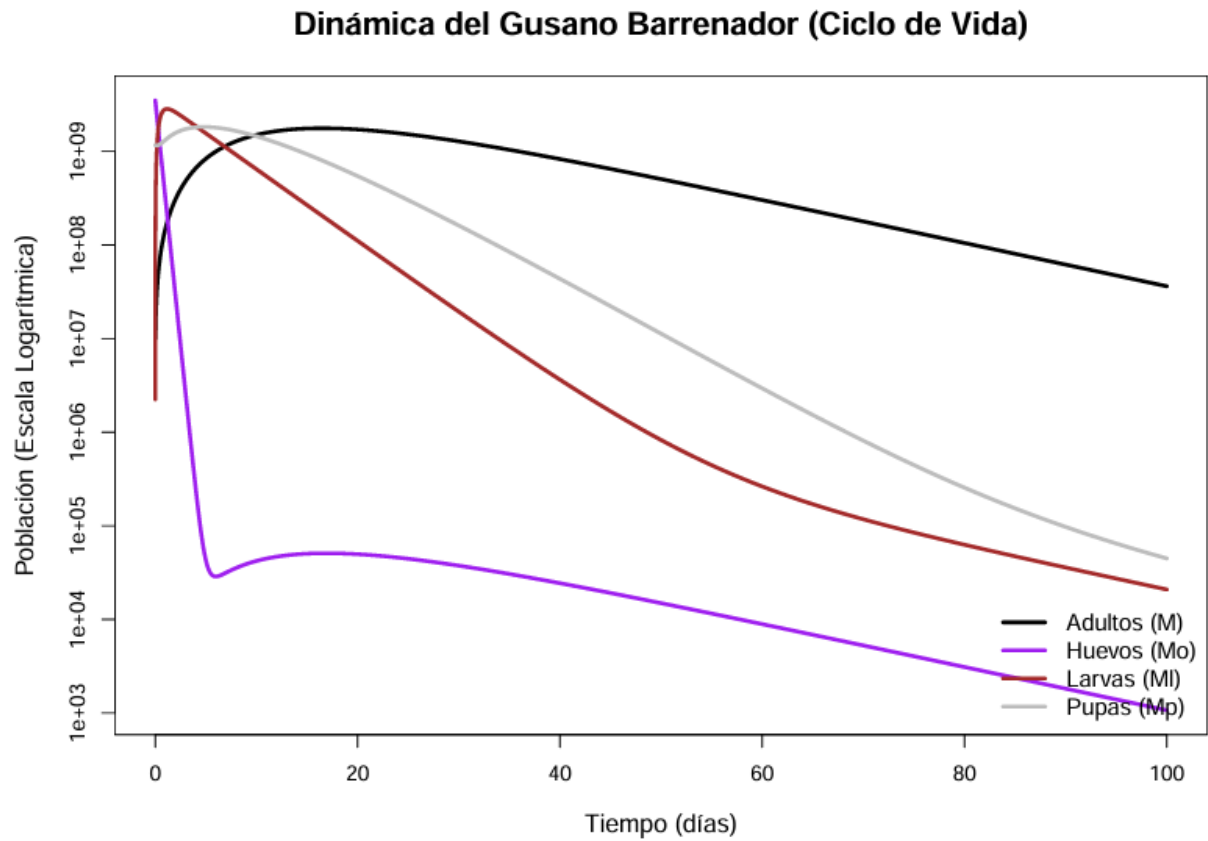
$$\delta = \frac{1}{350}$$

Natalidad

Aguilar y colaboradores, determinaron que en Chiapas había una tasa de natalidad de 0.4 en bovinos, por lo que se aplicó a nuestra población.

4.8 Escenario donde hay moscas liberadas y entrada de ganado ilegal

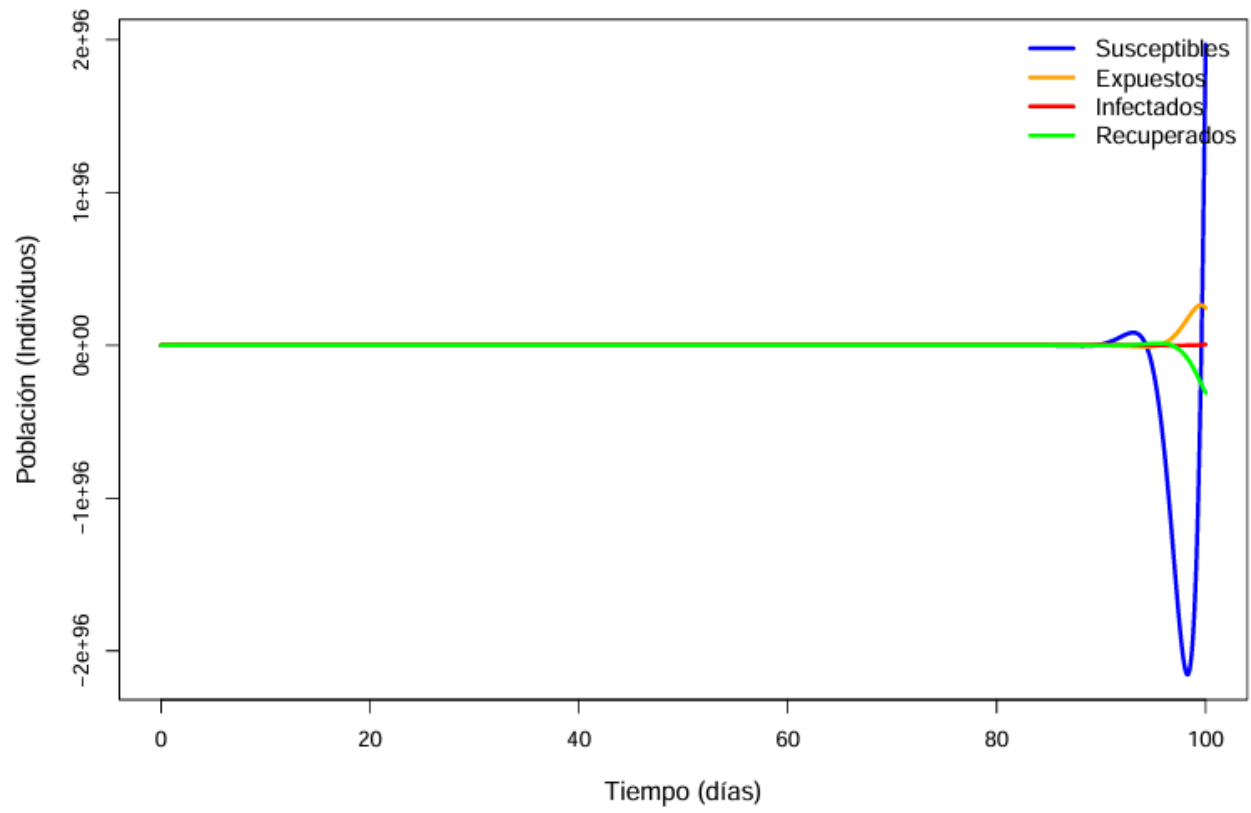




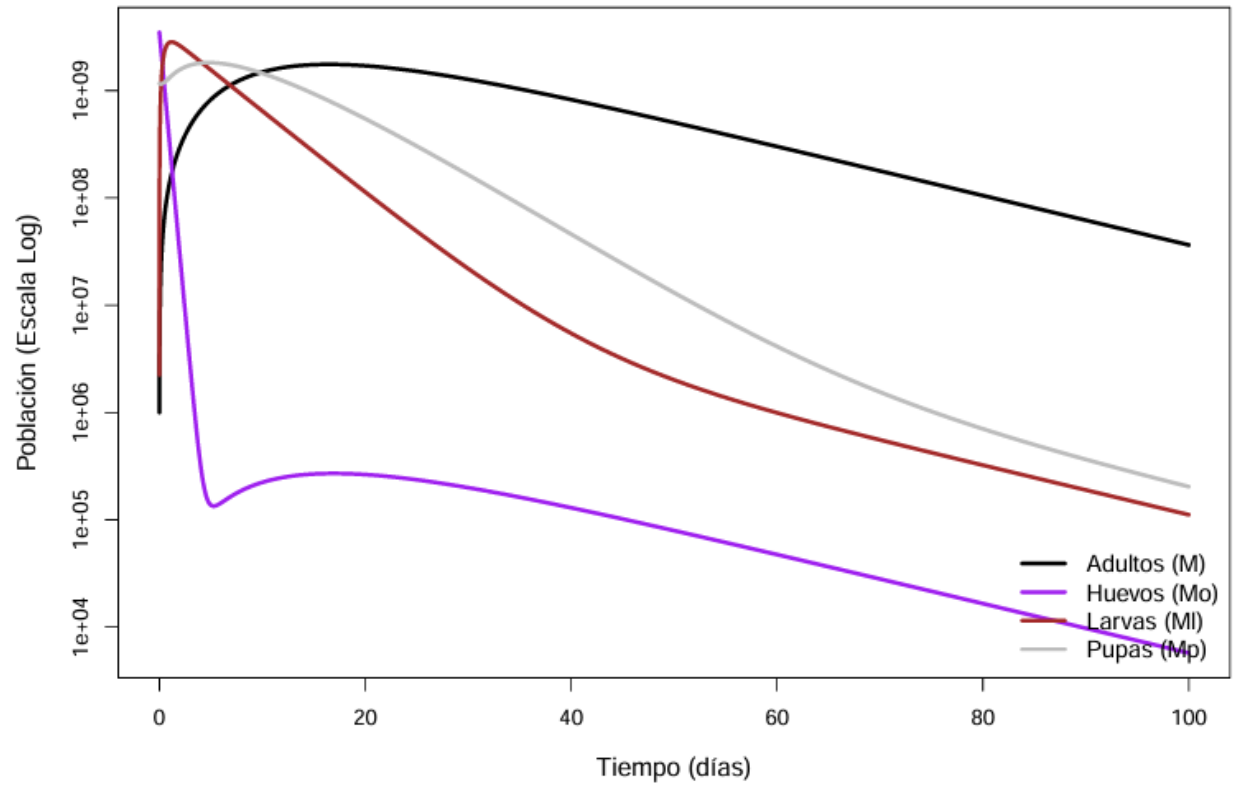
4.9 Escenario donde hay sin liberación de moscas con ganado ilegal

Aumenta el alfa y delta.

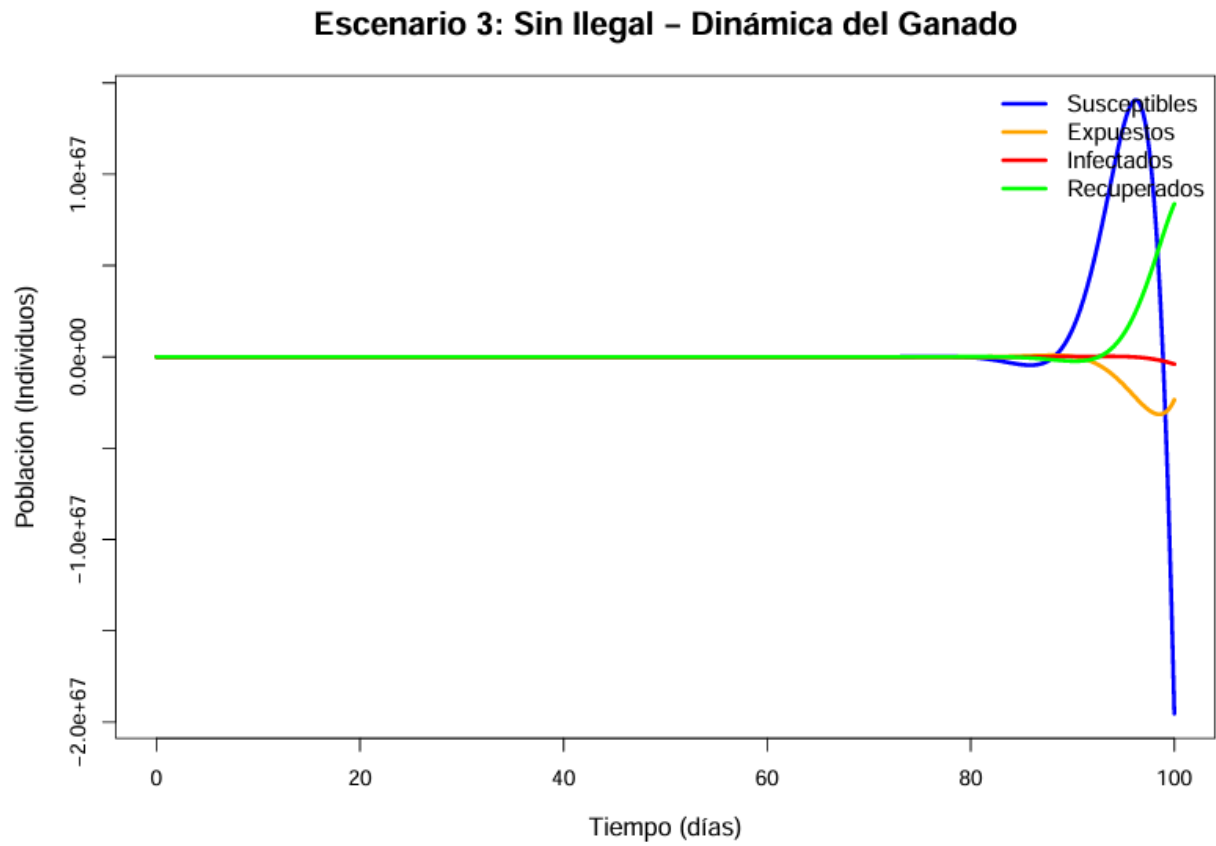
Escenario 2: Sin TIE – Dinámica del Ganado



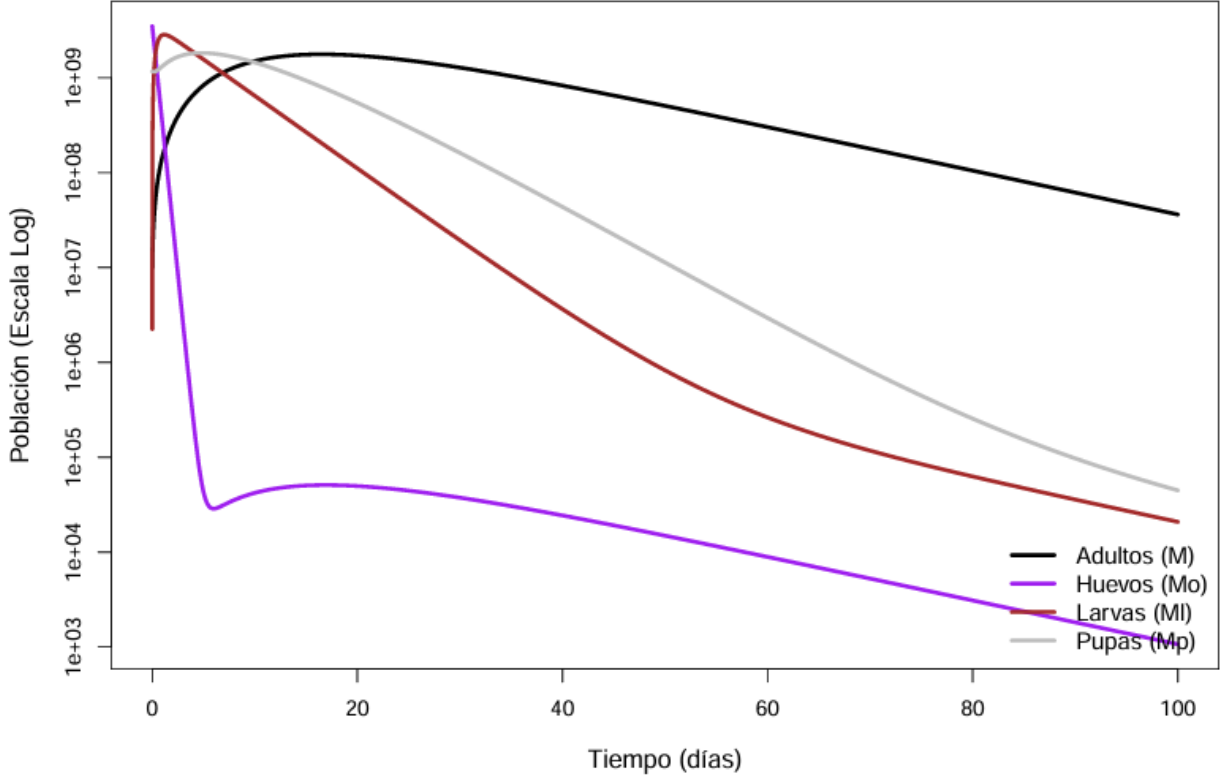
Escenario 2: Sin TIE – Dinámica del Parásito



4.10 Escenario sin ganado ilegal



Escenario 3: Sin Ilegal – Dinámica del Parásito



5 Aproximado de R_0

$$R_0 = \frac{\text{beta} + \text{sigma}(M/Nv) + \text{alfa} + \text{tetha} +}{\text{tasasdemuertedelvector} + \text{gamma}}$$

6 Conclusión basada en los escenarios del modelo

El análisis dinámico mediante el modelo SEIRS expandido muestra que el rebrote de *Cochliomyia hominivorax* en Chiapas no fue un evento espontáneo, sino el resultado de la combinación crítica de **movilidad de ganado** y **ausencia de control biológico**. Las gráficas de los distintos escenarios aportan evidencia clara sobre el papel determinante de cada factor.

En el **escenario con liberación de moscas estériles y entrada de ganado**, las infestaciones aumentan inicialmente pero se mantienen contenidas. La Técnica del Insecto Estéril (TIE) actúa como modulador biológico capaz de impedir un rebrote explosivo, incluso con introducciones constantes de animales infestados. Este comportamiento es congruente con la estabilidad observada antes de 2024.

En el **escenario sin liberación de moscas estériles y con entrada de ganado**, las curvas muestran un aumento abrupto, sostenido y de gran magnitud, reproduciendo el comportamiento real del rebrote en Chiapas. La ausencia del TIE permite la rápida expansión del parásito, mientras que la entrada transfronteriza de animales funciona como el mecanismo de introducción. Este escenario es el que más se ajusta a la dinámica epidémica observada.

Por el contrario, en el **escenario sin entrada de ganado**, aun sin TIE, solo se observan incrementos pequeños y un comportamiento tendiente al equilibrio, sin explosiones epidémicas. Esto demuestra que la

reintroducción del parásito requiere entrada externa de animales infestados; el clima por sí solo no genera un brote de esta magnitud.

En conjunto, las simulaciones indican que **solo la combinación de entrada de ganado desde zonas limítrofes y ausencia del TIE reproduce la intensidad del rebrote real**. El clima cálido-húmedo de Chiapas favorece la amplificación, pero no es la causa primaria. El modelo evidencia que la **movilidad del ganado es el factor detonante**, y que el control biológico mediante TIE es fundamental para prevenir nuevas reintroducciones.

Conclusión general:

La reintroducción de *C. hominivorax* estuvo impulsada por el ingreso de animales infestados y amplificada por la suspensión del TIE. Esto resalta la necesidad de restablecer el control biológico y reforzar la trazabilidad, vigilancia y regulación fronteriza para evitar futuros brotes.

7 Limitaciones y oportunidades de mejora del modelo

Si bien este trabajo aporta una aproximación robusta a la dinámica del rebrote, es evidente que aún se requieren **más simulaciones con parámetros alternativos**, sensibilidad ampliada y escenarios más diversos. En este proyecto nos enfocamos en los parámetros “más obvios” respaldados por las referencias citadas, especialmente movilidad de ganado, ausencia del TIE y condiciones climáticas básicas. Sin embargo, el modelo podría enriquecerse de forma sustancial incorporando **nuevos factores de riesgo epidemiológico** indispensables para representar la complejidad real del sistema, tales como variación estacional detallada, tasas diferenciales de mortalidad larvaria, datos de decomisos e inspecciones, rutas ganaderas específicas, densidad de moscas silvestres, intervenciones locales, heterogeneidad entre municipios y cambios en prácticas de manejo pecuario. La inclusión de estos elementos permitiría aumentar la precisión predictiva y fortalecer la interpretación epidemiológica del rebrote.

8 Referencias

- Aguilar-Jiménez, C. E., et al. (2023). “Sistemas familiares de producción bovina de la región Frailesca de Chiapas, México, con base en el aporte de la ganadería al ingreso familiar”. *Tropical and Subtropical Agroecosystems*, 26(2), 4131
- Servicio Nacional de Sanidad, Inocuidad y Calidad Agroalimentaria [SENASICA]. (2020). Todo lo que usted debe saber sobre la erradicación de la miasis causada por el gusano barrenador del ganado (GBG). https://www.gob.mx/cms/uploads/attachment/file/936256/TODO_LO_QUE_DEBES_SABER SOBRE LA ERRADICACION DE LA MIASIS CAUSADA POR GBG.pdf
- De Sanidad Inocuidad Y Calidad Agroalimentaria, S. N. (n.d.). *Miasis por Gusano Barrenador*. gob.mx. <https://www.gob.mx/senasica/documentos/miasis-por-gusano-barrenador?state=published>
- *¿Qué lugar ocupa Chiapas en la producción nacional de carne de bovino? - El Herald de Chiapas | Noticias Locales, Policiacas, sobre México, Chiapas y el Mundo*. (n.d.). OEM. <https://oem.com.mx/elheraldodechiapas/local/que-lugar-ocupa-chiapas-en-la-produccion-nacional-de-carne-de-bovino-23023994>
- Kotzé, Z., Villet, M. H., & Weldon, C. W. (2016). Heat accumulation and development rate of massed maggots of the sheep blowfly, *Lucilia cuprina* (Diptera: Calliphoridae). *Journal of Insect Physiology*, 95, 98-104. <https://doi.org/10.1016/j.jinsphys.2016.09.009>
- Rogel, L., & Tamayo, R. (2007). Mortalidad de vacas en tres rebaños lecheros: Estudio preliminar (1994-2004). *Archivos de medicina veterinaria*, 39(3), 255-260. <https://doi.org/10.4067/S0301-732X2007000300009>