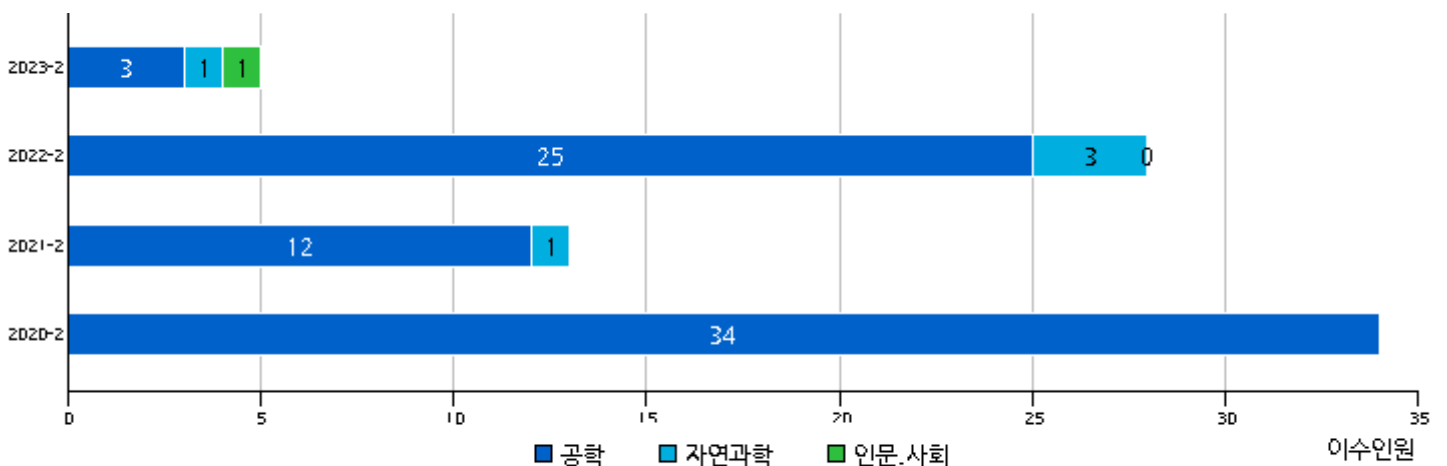
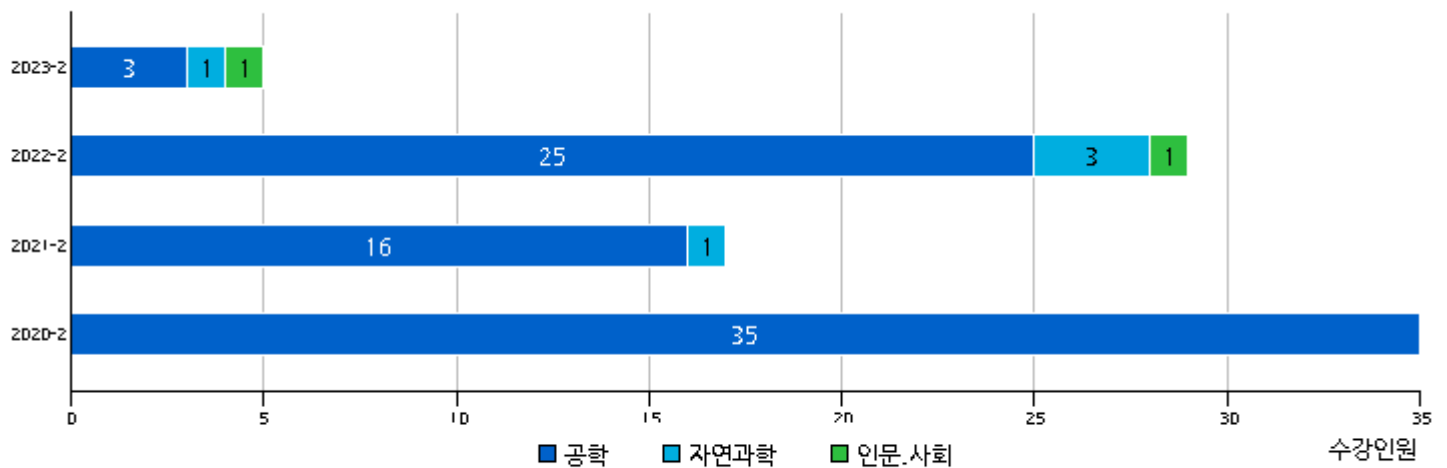
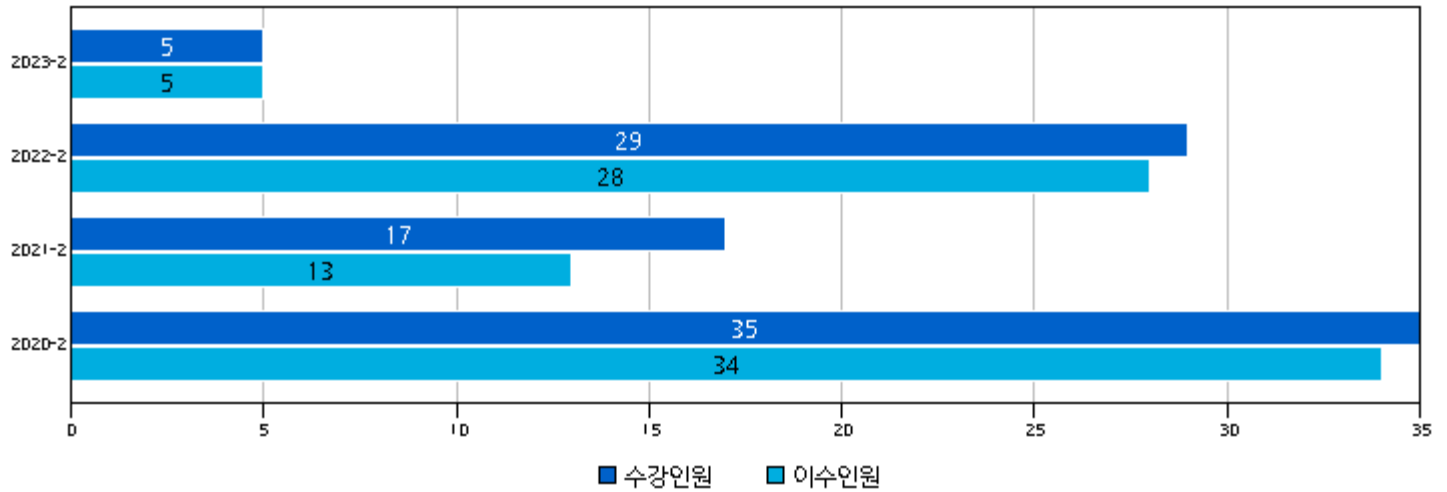


# 교과목 포트폴리오 (ITE4080 지능형생물정보학)

## 1. 교과목 수강인원



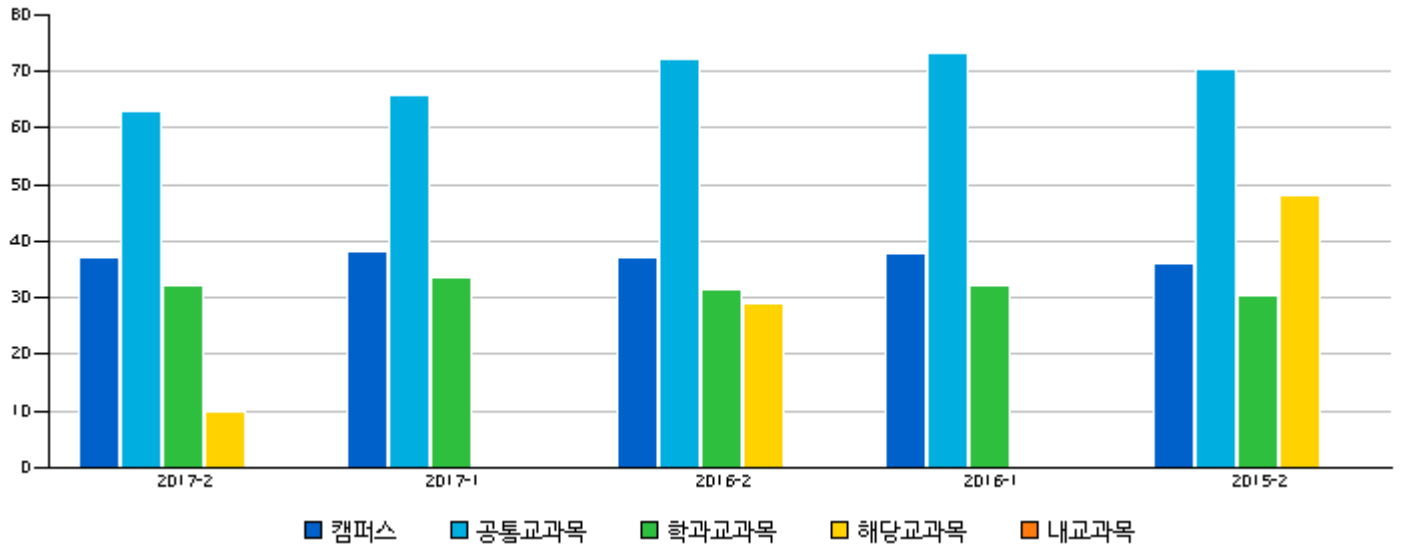
# 교과목 포트폴리오 (ITE4080 지능형생물정보학)

| 수업년도 | 수업학기 | 계열구분  | 수강인원 | 이수인원 |
|------|------|-------|------|------|
| 2020 | 2    | 공학    | 35   | 34   |
| 2021 | 2    | 자연과학  | 1    | 1    |
| 2021 | 2    | 공학    | 16   | 12   |
| 2022 | 2    | 인문.사회 | 1    | 0    |
| 2022 | 2    | 자연과학  | 3    | 3    |
| 2022 | 2    | 공학    | 25   | 25   |
| 2023 | 2    | 인문.사회 | 1    | 1    |
| 2023 | 2    | 자연과학  | 1    | 1    |
| 2023 | 2    | 공학    | 3    | 3    |



# 교과목 포트폴리오 (ITE4080 지능형생물정보학)

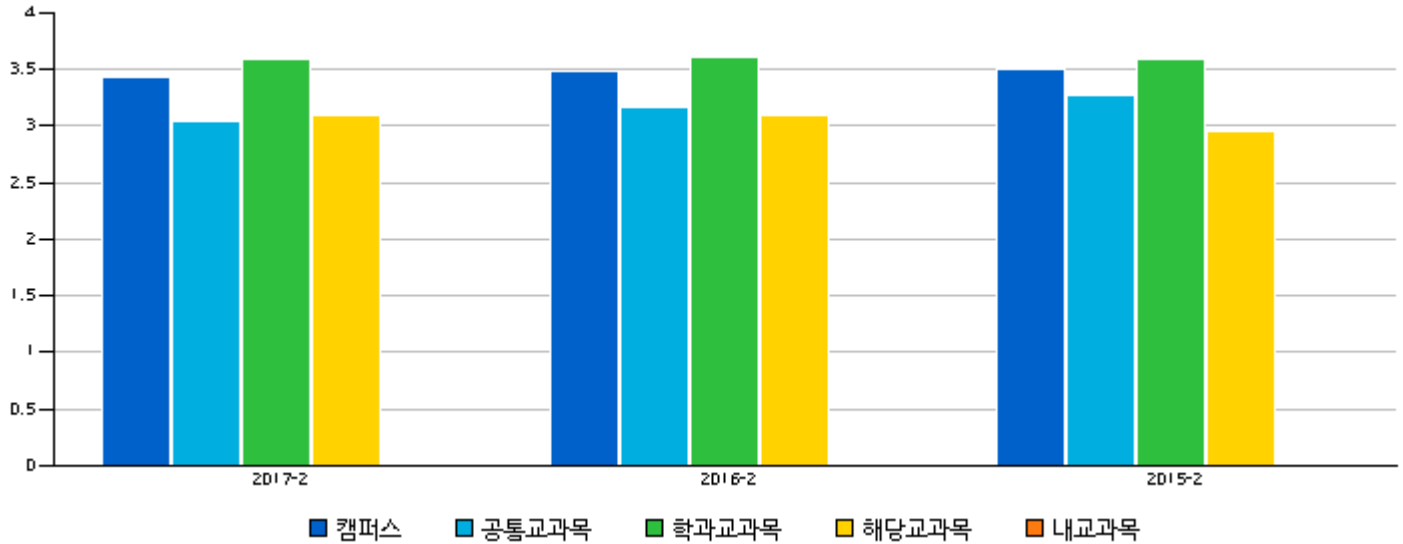
## 2. 평균 수강인원



| 수업년도 | 수업학기 | 캠퍼스   | 공통교과목 | 학과교과목 | 해당교과목 | 내교과목 |
|------|------|-------|-------|-------|-------|------|
| 2017 | 2    | 37.26 | 63.09 | 32.32 | 10    |      |
| 2017 | 1    | 38.26 | 65.82 | 33.5  |       |      |
| 2016 | 2    | 37.24 | 72.07 | 31.53 | 29    |      |
| 2016 | 1    | 37.88 | 73.25 | 32.17 |       |      |
| 2015 | 2    | 36.28 | 70.35 | 30.36 | 48    |      |

# 교과목 포트폴리오 (ITE4080 지능형생물정보학)

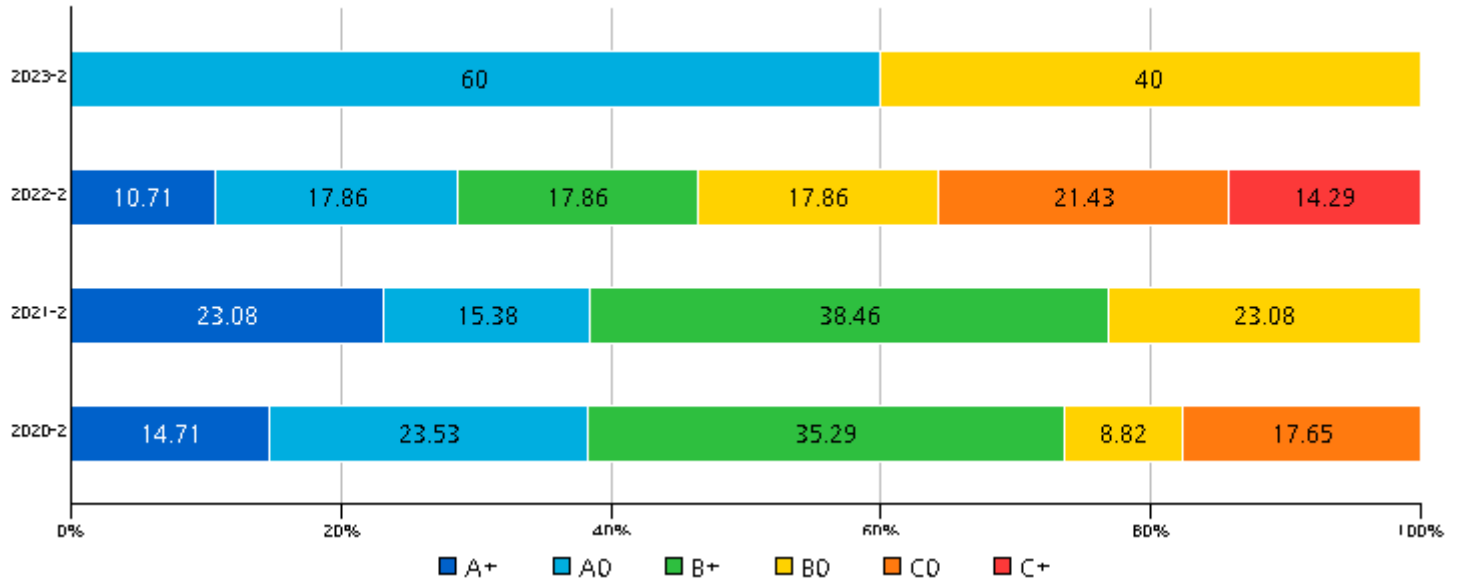
## 3. 성적부여현황(평점)



| 수업년도 | 수업학기 | 캠퍼스  | 공통교과목 | 학과교과목 | 해당교과목 | 내교과목 |
|------|------|------|-------|-------|-------|------|
| 2017 | 2    | 3.44 | 3.05  | 3.59  | 3.1   |      |
| 2016 | 2    | 3.49 | 3.16  | 3.61  | 3.1   |      |
| 2015 | 2    | 3.51 | 3.28  | 3.6   | 2.95  |      |

# 교과목 포트폴리오 (ITE4080 지능형생물정보학)

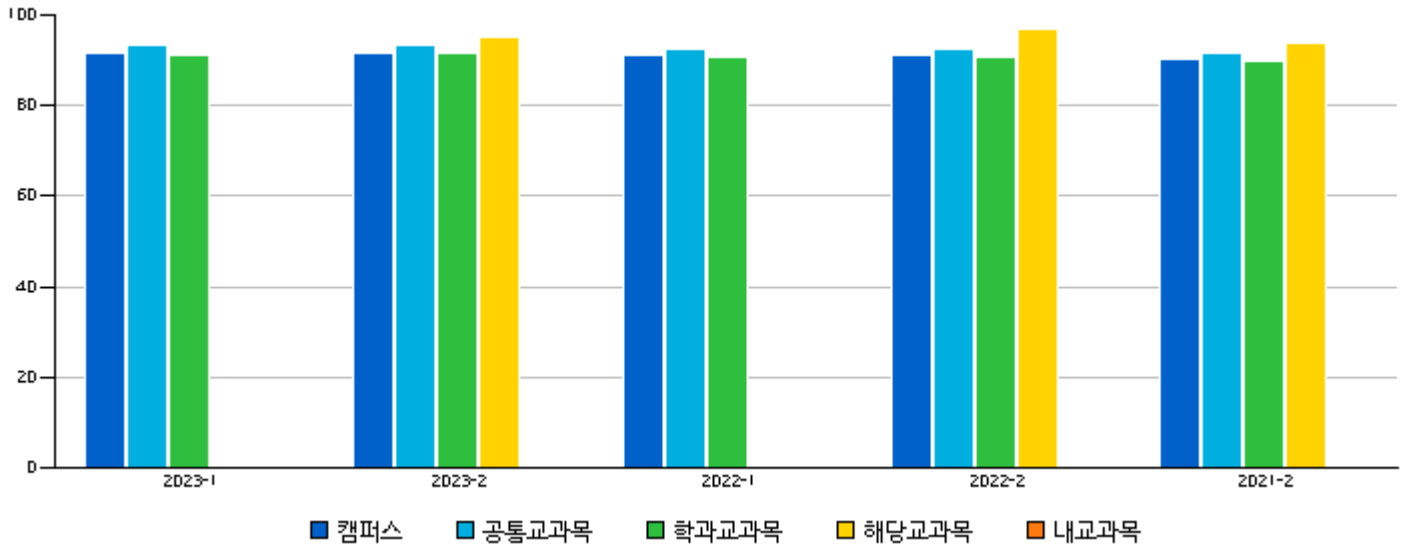
## 4. 성적부여현황(등급)



| 수업년도 | 수업학기 | 등급 | 인원 | 비율    |
|------|------|----|----|-------|
| 2020 | 2    | A+ | 5  | 14.71 |
| 2020 | 2    | A0 | 8  | 23.53 |
| 2020 | 2    | B+ | 12 | 35.29 |
| 2020 | 2    | B0 | 3  | 8.82  |
| 2020 | 2    | C0 | 6  | 17.65 |
| 2021 | 2    | A+ | 3  | 23.08 |
| 2021 | 2    | A0 | 2  | 15.38 |
| 2021 | 2    | B+ | 5  | 38.46 |
| 2021 | 2    | B0 | 3  | 23.08 |
| 2022 | 2    | A+ | 3  | 10.71 |
| 2022 | 2    | A0 | 5  | 17.86 |
| 2022 | 2    | B+ | 5  | 17.86 |
| 2022 | 2    | B0 | 5  | 17.86 |
| 2022 | 2    | C+ | 4  | 14.29 |
| 2022 | 2    | C0 | 6  | 21.43 |
| 2023 | 2    | A0 | 3  | 60    |
| 2023 | 2    | B0 | 2  | 40    |

# 교과목 포트폴리오 (ITE4080 지능형생물정보학)

## 5. 강의평가점수



| 수업년도 | 수업학기 | 캠퍼스   | 공통교과목 | 학과교과목 | 해당교과목 | 내교과목 |
|------|------|-------|-------|-------|-------|------|
| 2023 | 1    | 91.47 | 93.45 | 91.13 |       |      |
| 2023 | 2    | 91.8  | 93.15 | 91.56 | 95    |      |
| 2022 | 1    | 90.98 | 92.29 | 90.75 |       |      |
| 2022 | 2    | 90.98 | 92.48 | 90.7  | 97    |      |
| 2021 | 2    | 90.19 | 91.47 | 89.98 | 94    |      |

# 교과목 포트폴리오 (ITE4080 지능형생물정보학)

## 6. 강의평가 문항별 현황

| 번호   | 평가문항 | 본인<br>평<br>균<br>(가중<br>치적용) | 소속학과, 대학평균과의<br>차이<br>(+초과, -:미달) |    |    |  | 점수별 인원분포            |                       |                  |             |                   |
|------|------|-----------------------------|-----------------------------------|----|----|--|---------------------|-----------------------|------------------|-------------|-------------------|
|      |      |                             |                                   |    |    |  | 매우<br>그렇<br>지않<br>다 | 그<br>렇<br>지<br>않<br>다 | 보<br>통<br>이<br>다 | 그<br>렇<br>다 | 매우<br>그<br>렇<br>다 |
|      |      |                             |                                   |    |    |  |                     |                       |                  |             |                   |
|      |      | 5점<br>미만                    | 학과                                |    | 대학 |  | 1점                  | 2점                    | 3점               | 4점          | 5점                |
| 교강사: | 차이   | 평균                          | 차이                                | 평균 |    |  |                     |                       |                  |             |                   |

No data have been found.

## 7. 개설학과 현황

| 학과         | 2025/2   | 2023/2   | 2022/2   | 2021/2   | 2020/2   |
|------------|----------|----------|----------|----------|----------|
| 컴퓨터소프트웨어학부 | 1강좌(3학점) | 1강좌(3학점) | 1강좌(3학점) | 1강좌(3학점) | 1강좌(3학점) |

## 8. 강좌유형별 현황

| 강좌유형 | 2020/2  | 2021/2  | 2022/2  | 2023/2 | 2025/2 |
|------|---------|---------|---------|--------|--------|
| 일반   | 1강좌(35) | 1강좌(17) | 1강좌(29) | 0강좌(0) | 0강좌(0) |
| 온니버스 | 0강좌(0)  | 0강좌(0)  | 0강좌(0)  | 1강좌(5) | 0강좌(0) |

## 9. 교과목개요

| 교육과정                | 관장학과               | 국문개요  | 영문개요  | 수업목표 |
|---------------------|--------------------|---|---|------|
| 학부 2024 - 2027 교육과정 | 서울 공과대학 컴퓨터소프트웨어학부 | 염기서열 데이터베이스, 구조 데이터베이스, 염기서열 분석 데이터베이스, 생명과학 데이터베이스 등으로부터 염기서열 정렬과 데이터베이스 탐색, 계통분류학적 분석, 염기서열로부터 예측할 수 있는 정보의 습득과 이용 방법에 대해 실습을 통해 탐구한다. 아울러, 단백질 서열로부터 예측할 수 있는 정보, 사람과 생쥐의 생리 지도 데이터베이스, 게놈 정보학, 염기 서열 등록 방법 등에 대하여 이론적 바탕위에 실습을 통해 실무에 응용할 수 있는 능력을 배양한다. 데이터베이스의 구축 및 효율적 분석 알고리즘의 복잡도를 분석하고 효율적인 알고리즘을 설계하는 기법을 익힌다. | Bioinformatics use information technology to organize, visualize, interpret and distribute biological informations to answer complex biological questions. In this class we study, along with laboratory work, the nucleotide sequence alignment, database search, systematic analyses of the species diversity, and acquire the information predicted from the nucleotide sequences and the way to use it, by means of nucleotide databases, structural databases, nucleotide analysis database, and various databases related to the life science. The students are encouraged to get the ability to investigate the algorithmic complexity in analyzing large databases. |      |

# 교과목 포트폴리오 (ITE4080 지능형생물정보학)

| 교육과정                | 관장학과                         | 국문개요  | 영문개요  | 수업목표 |
|---------------------|------------------------------|---|---|------|
| 학부 2020 - 2023 교육과정 | 서울 공과대학<br>컴퓨터소프트웨어학부        | 염기서열 데이터베이스, 구조 데이터베이스, 염기서열 분석 데이터베이스, 생명과학 데이터베이스 등으로부터 염기서열 정렬과 데이터베이스 탐색, 계통분류학적 분석, 염기서열로부터 예측할 수 있는 정보의 습득과 이용 방법에 대해 실습을 통해 탐구한다. 아울러, 단백질 서열로부터 예측할 수 있는 정보, 사람과 생쥐의 생리 지도 데이터베이스, 게놈 정보학, 염기 서열 등록 방법 등에 대하여 이론적 바탕위에 실습을 통해 실무에 응용할 수 있는 능력을 배양한다. 데이터베이스의 구축 및 효율적 분석 알고리즘의 복잡도를 분석하고 효율적인 알고리즘을 설계하는 기법을 익힌다. | Bioinformatics use information technology to organize, visualize, interpret and distribute biological informations to answer complex biological questions. In this class we study, along with laboratory work, the nucleotide sequence alignment, database search, systematic analyses of the species diversity, and acquire the information predicted from the nucleotide sequences and the way to use it, by means of nucleotide databases, structural databases, nucleotide analysis database, and various databases related to the life science. The students are encouraged to get the ability to investigate the algorithmic complexity in analyzing large databases. |      |
| 학부 2016 - 2019 교육과정 | 서울 공과대학<br>컴퓨터공학부<br>소프트웨어전공 | 염기서열 데이터베이스, 구조 데이터베이스, 염기서열 분석 데이터베이스, 생명과학 데이터베이스 등으로부터 염기서열 정렬과 데이터베이스 탐색, 계통분류학적 분석, 염기서열로부터 예측할 수 있는 정보의 습득과 이용 방법에 대해 실습을 통해 탐구한다. 아울러, 단백질 서열로부터 예측할 수 있는 정보, 사람과 생쥐의 생리 지도 데이터베이스, 게놈 정보학, 염기 서열 등록 방법 등에 대하여 이론적 바탕위에 실습을 통해 실무에 응용할 수 있는 능력을 배양한다. 데이터베이스의 구축 및 효율적 분석 알고리즘의 복잡도를 분석하고 효율적인 알고리즘을 설계하는 기법을 익힌다. | Bioinformatics use information technology to organize, visualize, interpret and distribute biological informations to answer complex biological questions. In this class we study, along with laboratory work, the nucleotide sequence alignment, database search, systematic analyses of the species diversity, and acquire the information predicted from the nucleotide sequences and the way to use it, by means of nucleotide databases, structural databases, nucleotide analysis database, and various databases related to the life science. The students are encouraged to get the ability to investigate the algorithmic complexity in analyzing large databases. |      |
| 학부 2016 - 2019 교육과정 | 서울 공과대학<br>컴퓨터공학부<br>컴퓨터전공   | 염기서열 데이터베이스, 구조 데이터베이스, 염기서열 분석 데이터베이스, 생명과학 데이터베이스 등으로부터 염기서열 정렬과 데이터베이스 탐색, 계통분류학적 분석, 염기서열로부터 예측할 수 있는 정보의 습득과 이용 방법에 대해 실습을 통해 탐구한다. 아울러, 단백질 서열로부터 예측할 수 있는 정보, 사람과 생쥐의 생리 지도 데이터베이스, 게놈 정보학, 염기 서열 등록 방법 등에 대하여 이론적 바탕위에 실습을 통해 실무에 응용할 수 있는 능력을 배양한다. 데이터베이스의 구축 및 효율적 분석 알고리즘의 복잡도를 분석하고 효율적인 알고리즘을 설계하는 기법을 익힌다. | Bioinformatics use information technology to organize, visualize, interpret and distribute biological informations to answer complex biological questions. In this class we study, along with laboratory work, the nucleotide sequence alignment, database search, systematic analyses of the species diversity, and acquire the information predicted from the nucleotide sequences and the way to use it, by means of nucleotide databases, structural databases, nucleotide analysis database, and various databases related to the life science. The students are encouraged to get the ability to investigate the algorithmic complexity in analyzing large databases. |      |
| 학부 2016 - 2019 교육과정 | 서울 공과대학<br>컴퓨터소프트웨어학부        | 염기서열 데이터베이스, 구조 데이터베이스, 염기서열 분석 데이터베이스, 생명과학 데이터베이스 등으로부터 염기서열 정렬과 데이터베이스 탐색, 계통분류학적 분석, 염기서열로부터  | Bioinformatics use information technology to organize, visualize, interpret and distribute biological informations to answer complex biological questions. In   |      |



# 교과목 포트폴리오 (ITE4080 지능형생물정보학)

| 교육과정                | 관장학과                   | 국문개요   | 영문개요   | 수업목표 |
|---------------------|------------------------|--|--|------|
|                     |                        | <p>예측할 수 있는 정보의 습득과 이용 방법에 대해 실습을 통해 탐구한다. 아울러, 단백질 서열로부터 예측할 수 있는 정보, 사람과 생쥐의 생리 지도 데이터베이스, 게놈 정보학, 염기 서열 등록 방법 등에 대하여 이론적 바탕위에 실습을 통해 실무에 응용할 수 있는 능력을 배양한다. 데이터베이스의 구축 및 효율적 분석 알고리즘의 복잡도를 분석하고 효율적인 알고리즘을 설계하는 기법을 익힌다.</p>  | <p>this class we study, along with laboratory work, the nucleotide sequence alignment, database search. systematic analyses of the species diversity, and acquire the information predicted from the nucleotide sequences and the way to use it, by means of nucleotide databases, structural databases, nucleotide analysis database, and various databases related to the life science. The students are encouraged to get the ability to investigate the algorithmic complexity in analyzing large databases.</p>   |      |
| 학부 2013 - 2015 교육과정 | 서울 공과대학 컴퓨터공학부 소프트웨어전공 | <p>염기서열 데이터베이스, 구조 데이터베이스, 염기서열 분석 데이터베이스, 생명과학 데이터베이스 등으로부터 염기서열 정렬과 데이터베이스 탐색, 계통분류학적 분석, 염기서열로부터 예측할 수 있는 정보의 습득과 이용 방법에 대해 실습을 통해 탐구한다. 아울러, 단백질 서열로부터 예측할 수 있는 정보, 사람과 생쥐의 생리 지도 데이터베이스, 게놈 정보학, 염기 서열 등록 방법 등에 대하여 이론적 바탕위에 실습을 통해 실무에 응용할 수 있는 능력을 배양한다. 데이터베이스의 구축 및 효율적 분석 알고리즘의 복잡도를 분석하고 효율적인 알고리즘을 설계하는 기법을 익힌다.</p> | <p>Bioinformatics use information technology to organize, visualize, interpret and distribute biological informations to answer complex biological questions. In this class we study, along with laboratory work, the nucleotide sequence alignment, database search. systematic analyses of the species diversity, and acquire the information predicted from the nucleotide sequences and the way to use it, by means of nucleotide databases, structural databases, nucleotide analysis database, and various databases related to the life science. The students are encouraged to get the ability to investigate the algorithmic complexity in analyzing large databases.</p> |      |
| 학부 2013 - 2015 교육과정 | 서울 공과대학 컴퓨터공학부 컴퓨터전공   | <p>염기서열 데이터베이스, 구조 데이터베이스, 염기서열 분석 데이터베이스, 생명과학 데이터베이스 등으로부터 염기서열 정렬과 데이터베이스 탐색, 계통분류학적 분석, 염기서열로부터 예측할 수 있는 정보의 습득과 이용 방법에 대해 실습을 통해 탐구한다. 아울러, 단백질 서열로부터 예측할 수 있는 정보, 사람과 생쥐의 생리 지도 데이터베이스, 게놈 정보학, 염기 서열 등록 방법 등에 대하여 이론적 바탕위에 실습을 통해 실무에 응용할 수 있는 능력을 배양한다. 데이터베이스의 구축 및 효율적 분석 알고리즘의 복잡도를 분석하고 효율적인 알고리즘을 설계하는 기법을 익힌다.</p> | <p>Bioinformatics use information technology to organize, visualize, interpret and distribute biological informations to answer complex biological questions. In this class we study, along with laboratory work, the nucleotide sequence alignment, database search. systematic analyses of the species diversity, and acquire the information predicted from the nucleotide sequences and the way to use it, by means of nucleotide databases, structural databases, nucleotide analysis database, and various databases related to the life science. The students are encouraged to get the ability to investigate the algorithmic complexity in analyzing large databases.</p> |      |
| 학부 2009 - 2012 교육과정 | 서울 공과대학 컴퓨터공학부 소프트웨어전공 | <p>염기서열 데이터베이스, 구조 데이터베이스, 염기서열 분석 데이터베이스, 생명과학 데이터베이스 등으로부터 염기서열 정렬과 데이터베이스 탐색, 계통분류학적 분석, 염기서열로부터 예측할 수 있는 정보의 습득과 이용 방법에 대해 실습을 통해 탐구한다. 아울러, 단백질 서열로부터 예측할 수 있는 정보, 사람과 생쥐의 생리 지도 데이터베이스, 게놈 정보학, 염기 서열 등</p>  | <p>Bioinformatics use information technology to organize, visualize, interpret and distribute biological informations to answer complex biological questions. In this class we study, along with laboratory work, the nucleotide sequence alignment, database search. systematic analyses of the species diversity, and acquire the</p>  |      |

# 교과목 포트폴리오 (ITE4080 지능형생물정보학)

| 교육과정                | 관장학과                 | 국문개요   | 영문개요   | 수업목표 |
|---------------------|----------------------|--|--|------|
|                     |                      | <p>록 방법 등에 대하여 이론적 바탕위에 실습을 통해 실무에 응용할 수 있는 능력을 배양한다. 데이터베이스의 구축 및 효율적 분석 알고리즘의 복잡도를 분석하고 효율적인 알고리즘을 설계하는 기법을 익힌다.</p>   | <p>information predicted from the nucleotide sequences and the way to use it, by means of nucleotide databases, structural databases, nucleotide analysis database, and various databases related to the life science. The students are encouraged to get the ability to investigate the algorithmic complexity in analyzing large databases.</p>  |      |
| 학부 2009 - 2012 교육과정 | 서울 공과대학 컴퓨터공학부 컴퓨터전공 | <p>염기서열 데이터베이스, 구조 데이터베이스, 염기서열 분석 데이터베이스, 생명과학 데이터베이스 등으로부터 염기서열 정렬과 데이터베이스 탐색, 계통분류학적 분석, 염기서열로부터 예측할 수 있는 정보의 습득과 이용 방법에 대해 실습을 통해 탐구한다. 아울러, 단백질 서열로부터 예측할 수 있는 정보, 사람과 생쥐의 생리 지도 데이터베이스, 게놈 정보학, 염기 서열 등록 방법 등에 대하여 이론적 바탕위에 실습을 통해 실무에 응용할 수 있는 능력을 배양한다. 데이터베이스의 구축 및 효율적 분석 알고리즘의 복잡도를 분석하고 효율적인 알고리즘을 설계하는 기법을 익힌다.</p> | <p>Bioinformatics use information technology to organize, visualize, interpret and distribute biological informations to answer complex biological questions. In this class we study, along with laboratory work, the nucleotide sequence alignment, database search, systematic analyses of the species diversity, and acquire the information predicted from the nucleotide sequences and the way to use it, by means of nucleotide databases, structural databases, nucleotide analysis database, and various databases related to the life science. The students are encouraged to get the ability to investigate the algorithmic complexity in analyzing large databases.</p> |      |

## 10. CQI 등록내역

No data have been found.