Statistical learning and deep learning: theoretical background and hands-on sessions

Lezione 2

S. Biffani

IBBA/CNR

27 gennaio, 2023

- 1. metodo semplice e potente per predire una risposta lineare (Y) a partire da una o più variabili indipendenti $(X_1,...,X_n)$
- 2. può sembrare *vetusto* ma è tuttora estremamente efficace e facile da interpretare
- tra i migliori strumenti per fare sia inferenza che predizione
 - \triangleright c'é un rapporto tra la mia Y e le diverse X?
 - quanto è forte?
 - ▶ Quale *X* contribuisce di più?
 - ▶ Posso predire la *Y*? con che accuratezza?

- algoritmo supervised
 - impara a modellare la risposta (Y) in funzione di alcune features (X_s) identificando una linea (od una superficie) che aggiusta meglio i dati
- predire il prezzo di una casa sulla base del numero di stanze (...e del quartiere)
- predire la produzione di latte sulla base dell'ordine di parto

$$y = \beta_0 + \beta_1 x_1 + \beta_2 x_2 + \dots + \beta_p x_p + \epsilon$$

 $\beta_i =$ le fondamenta del nostro modello. Rappresenta ciò che il nostro modello *impara* (*learn*) attraverso i dati ed attraverso la funzione utilizzata (lineare in questo caso)

Una volta stimati i parametri, posso fare una previsione

$$\hat{\mathbf{y}} = \hat{\beta_0} + \hat{\beta_1 x_1} + \hat{\beta_2 x_2} + \dots + \hat{\beta_p x_p} + \epsilon$$

Esempio: Stimare il prezzo di una casa sulla base della sua dimensione in mq $prezzo = \beta 0 + \beta_1 * mq$ quale può essere la stima più semplice ?

Il prezzo medio = prezzo = 290000 + 0 * mq

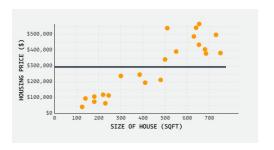


Figura 1: esempio regressione: prezzo di una casa in funzione della dimensione

non mi sembra un buona soluzione, soprattutto se guardo agli errori singoli

$$\epsilon_i = f(x_i) - \hat{f}_i(x) = y_i - \hat{y}_i$$

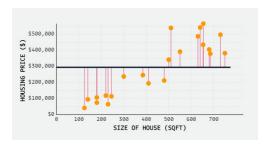


Figura 2: esempio regressione: prezzo di una casa in funzione della dimensione

Somma dei Residui: $RSS = \sum_{i=1}^n \epsilon_i^2 = \sum_{i=1}^n (y_i - \hat{y}_i)^2$

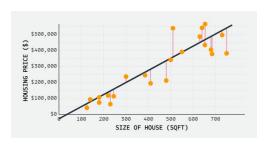


Figura 3: esempio regressione: prezzo di una casa in funzione della dimensione

Devo trovare i coefficienti β_0 e β_1 che minimizzano:

Somma dei Residui: $RSS = \sum_{i=1}^{n} \epsilon_i^2 = \sum_{i=1}^{n} (y_i - \hat{y}_i)^2$

Come valutare la bontà del mio modello ? loss function

ightharpoonup funzione che calcola la distanza tra Y e \hat{Y}

$$MSE = 1/n \sum_{i=1}^{n} (y_i - \hat{y_i})^2 = \mathsf{L2}$$
 regularization

o la sua radice

$$RMSE = \sqrt{1/n\sum_{i=1}^{n}(y_i - \hat{y}_i)^2}$$

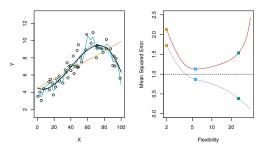
Come valutare la bontà del mio modello ? R-Quadro

$$R^{2} = 1 - \frac{\sum_{i=1}^{n} (y_{i} - \hat{y}_{i})^{2}}{\sum_{i=1}^{n} (y_{i} - \overline{y})^{2}}$$

Che proporzione della varianza totale $(\sum_{i=1}^{n} (y_i - \overline{y})^2)$ è spiegata dal nostro modello

domanda: scegliereste il vostro modello sulla base del solo R^2 ?

ATTENZIONE



- Siamo nei training data: l'errore diminuisce all'aumentare del numero di predittori
- Esistono parametri alternativi: C_p, Akaike Information Criterion (AIC), Bayesian Information Criterion (BIC) e adjusted R².
- Penalizzano tutti l'RSS originale in funzione del numero di predittori

Quando abbiamo una regressione lineare semplice β_0 e β_1 , possono essere ottenuti con metodi diretti e corrispondono a :

$$\hat{\beta}_1 = \frac{\sum_{i=1}^n (x_i - \overline{x})(y_i - \overline{y})}{\sum_{i=1}^n (x_i - \overline{x})^2}$$

$$\hat{\beta_0} = \overline{y} - \hat{\beta_1} \overline{x}$$

Nel caso di regressioni lineari a più parametri dobbiamo ricorrere a metodi cosidetti *iterativi* (e.g. *gradient descent*)

Esempio

Librerie utilizzate: MASS (Nativa), ISLR2 (da installare) e tidyverse (da installare)

```
#install.packages('ISLR2')
library(MASS)
library(ISLR2)
library(tidyverse)
```

Useremo il **Boston** data set che contiene informazioni sul valore delle case (**medv**) e cercheremo di predirlo usando 12 predittori

Esempio di regressione lineare

```
lm.fit <- lm(medv~lstat , data = Boston)</pre>
lm.fit
##
## Call:
## lm(formula = medv ~ lstat, data = Boston)
##
## Coefficients:
## (Intercept)
                       lstat
         34.55
##
                       -0.95
```

Risultato

```
summary(lm.fit)
```

```
##
## Call:
## lm(formula = medv ~ lstat, data = Boston)
##
## Residuals:
      Min 10 Median 30
                                    Max
## -15.168 -3.990 -1.318 2.034 24.500
##
## Coefficients:
##
             Estimate Std. Error t value
                                        Pr(>|t|)
## (Intercept) 34.55384   0.56263   61.41 <0.000000000000000 ***
             -0.95005 0.03873 -24.53 < 0.00000000000000000 ***
## 1stat
## ---
## Signif. codes: 0 '*** 0.001 '** 0.01 '* 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 6.216 on 504 degrees of freedom
## Multiple R-squared: 0.5441, Adjusted R-squared: 0.5432
## F-statistic: 601.6 on 1 and 504 DF, p-value: < 0.00000000000000022
```

Rapporto tra X e Y

```
ggplot(Boston,aes(lstat,medv))+
  geom_point()+
  geom_smooth(method = 'lm')
```

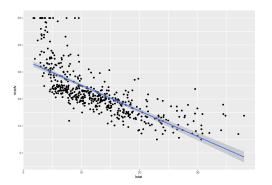


Figura 4: X = Istat, Y = medv

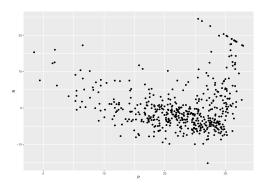


Figura 5: X = Valori Predetti dal Modello, Y = Residui del modello

Trasformazione non lineare dei predittori

```
lm.fit2 <- lm(medv ~ lstat + I(lstat^2), data=Boston)
summary(lm.fit2)</pre>
```

```
##
## Call:
## lm(formula = medv ~ lstat + I(lstat^2), data = Boston)
##
## Residuals:
       Min
                 10 Median
                                           Max
## -15.2834 -3.8313 -0.5295 2.3095 25.4148
##
## Coefficients:
##
               Estimate Std. Error t value
                                                     Pr(>|t|)
## (Intercept) 42.862007   0.872084   49.15 < 0.0000000000000000 ***
          -2.332821 0.123803 -18.84 < 0.00000000000000000 ***
## 1stat
## I(lstat^2) 0.043547 0.003745 11.63 <0.0000000000000000 ***
## ---
## Signif. codes: 0 '*** 0.001 '** 0.01 '* 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 5.524 on 503 degrees of freedom
## Multiple R-squared: 0.6407, Adjusted R-squared: 0.6393
## F-statistic: 448.5 on 2 and 503 DF, p-value: < 0.000000000000000022
```

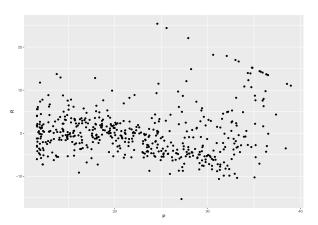
Trasformazione non lineare dei predittori - uso funzione poly

```
lm.fit3 <- lm(medv ~ poly(lstat,2,raw=T), data=Boston)
summary(lm.fit3)</pre>
```

```
##
## Call:
## lm(formula = medv ~ poly(lstat, 2, raw = T), data = Boston)
##
## Residuals:
       Min
                10 Median
                                        Max
## -15.2834 -3.8313 -0.5295 2.3095 25.4148
##
## Coefficients:
##
                          Estimate Std. Error t value
                                                            Pr(>|t|)
## (Intercept)
                         ## poly(lstat, 2, raw = T)1 -2.332821 0.123803 -18.84 <0.000000000000000000 ***
## poly(lstat, 2, raw = T)2 0.043547 0.003745 11.63 <0.000000000000000000 ***
## ---
## Signif. codes: 0 '*** 0.001 '** 0.01 '* 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 5.524 on 503 degrees of freedom
## Multiple R-squared: 0.6407, Adjusted R-squared: 0.6393
## F-statistic: 448.5 on 2 and 503 DF, p-value: < 0.000000000000000022
```

Ricontrolliamo ora il plot dei residui

```
data.frame(R=residuals(lm.fit3),
    P=predict(lm.fit3))-> X
ggplot(X,aes(P,R))+
    geom_point()-> quad
quad
```



```
un approccio tidy: library(broom)
funzione: augment
library(broom)
augment(lm.fit) %>%
    head()

## # A tibble: 6 x 8
```

```
medv lstat .fitted .resid .hat .sigma
                                      .cooksd .std.resid
   <dbl>
                                               <db1>
## 1 24
         4.98 29.8 -5.82 0.00426 6.22 0.00189
                                               -0.939
## 2 21.6 9.14 25.9 -4.27 0.00246 6.22 0.000582
                                               -0.688
## 3 34.7 4.03 30.7 3.97 0.00486 6.22 0.00100
                                              0.641
## 4 33.4 2.94 31.8 1.64 0.00564 6.22 0.000198
                                               0.264
## 5 36.2 5.33 29.5 6.71 0.00406 6.21 0.00238
                                               1.08
## 6 28.7 5.21 29.6 -0.904 0.00413
                                6.22 0.0000440
                                               -0.146
```

l'oggetto creato (tibble) contiene molte delle informazioni di cui abbiamo bisogno

Funzioni e Iterazioni 1

funzione

```
'nomeFunzione <-
function(lista_argomenti){
comando1
return(valore) }'</pre>
```

```
my_fun2 <- function( a , b , c) -
    y <- a**b
return(y + a*b + c)
}
my_fun2(10,5,-2)</pre>
```

Funzioni e Iterazioni 2

Loop

```
for (i in sequenza) {
comando }
for (x in 1:5) {
   print(x)
## [1] 1
## [1] 2
## [1] 3
## [1] 4
## [1] 5
```

```
vect_1 <- c(2, 7, 4, 9, 8)
vect_2 <- numeric()

for(num in vect_1) {
    vect_2 <- c(vect_2, num * 10)
}
vect_2
## [1] 20 70 40 90 80</pre>
```