# blatt06\_nitschke\_grisard

November 29, 2018

#### 1 Aufgabe 15

**a)** Da beim *kNN*-Algorithmus muss die (euklidische) Norm zwischen den Test und Traningsdatenpunkten berechnet werden. Weichen die GröSSenordnungen der Attribute stark voneinander ab, kann es z.B. zu Rundungsfehlern kommen. Zudem ist der Abstandsbegriff sinnvoller, wenn die einzelnen Skalen normiert werden, da dann relative Abstände für alle Attribute gleich gewichtet werden.

**b)** Der Algorithmus wird als *lazy learner* bezeichnet, da er eigentlich gar nicht lernt. Der Trainingsdatensatz wird einfach nur abgespeichert und für jeden neuen Testdatensatz die k nächsten Nachbarn neu berechnet werden. Die Laufzeit der Lernphase ist verschwindend klein, während die Anwendungsphase lang dauert. Bei der *SVM* ist es genau andersherum.

c)

```
In [1]: import numpy as np
        import pandas as pd
        from pandas import DataFrame, Series
        from collections import Counter
        import matplotlib.pyplot as plt
        from ml import plots
        %matplotlib inline
        from graphviz import Source
        from matplotlib.colors import ListedColormap

Die Klassenstruktur:

In [2]: class KNN:
        def __init__(self, k):
        self.k = k
```

def fit(self, X, y):

def predict(self, X):

self.training\_data = X
self.training\_labels = y

#cause its a monoton function)

#between each test event and each training event

#calculate the eucleadian distance (ignore the root,

```
distance = (-2 * np.dot(X, self.training_data.T)
                            + np.sum(X**2, axis=1)[:, np.newaxis]
                            + np.sum(self.training_data**2, axis=1)[np.newaxis, :])
                #generate matrix with labels of the k nearest neighbours
                labels = self.training_labels.values[(np.argsort(distance))[:, :self.k]]
                #most common label of the k nearest neighbours as
                #prediction for each test event
                prediction = []
                for i in range(np.shape(labels)[0]):
                    count = Counter(labels[i, :])
                    prediction.append(count.most_common(1)[0][0])
                return prediction
  d) Bringe zunächst die Daten in die benötigte Form:
In [3]: #read hdf5 file
        neutrino_signal = pd.read_hdf('NeutrinoMC.hdf5', key = 'Signal')
        #select the accepted events
        neutrino_signal = neutrino_signal[neutrino_signal.AcceptanceMask]
        #delete the energy and the acceptancemask (not relevant for this task)
        neutrino_signal = neutrino_signal.drop(columns = ['Energy', 'AcceptanceMask'])
        #reset the index of the DataFrame
        neutrino_signal = neutrino_signal.reset_index(drop = True)
        #add label to the signal events
        neutrino_signal['label'] = Series(data = ['signal' for i in neutrino_signal.x])
  Das gleiche für die Untergrundevents:
In [4]: neutrino_background = pd.read_hdf('NeutrinoMC.hdf5', key = 'Background')
        neutrino_background['label'] = Series(data = ['background' for i in
                                                       neutrino_background.x])
  Eine Funktion um einen gewünschten gemischten Datensatz aus Signal und Untergrund zu
erstellen:
In [5]: def mix sample(signal events, background events, n signal, n background):
            data_set = pd.concat([background_events.sample(n_background),
                                  signal_events.sample(n_signal)],
                                 ignore_index=True)
            X = data_set.drop(columns = 'label')
            y = data_set['label']
            return X, y
```

Funktionen für Reinheit usw:

```
In [6]: #Reinheit
        def precision(true_pos, false_pos):
            return len(true_pos) / (len(true_pos) + len(false_pos))
        #Effizienz
        def recall(true_pos, false_neg):
            return len(true_pos) / (len(true_pos) + len(false_neg))
        #Signifikanz
        def significance(true_pos, false_pos):
            return len(true_pos) / np.sqrt(len(true_pos) + len(false_pos))
  Generiere den Trainings- und Testdatensatz:
In [7]: X_training, y_training = mix_sample(neutrino_signal, neutrino_background, 5000, 5000)
        X_test, y_test = mix_sample(neutrino_signal, neutrino_background, 10000, 20000)
  Ab hier ist das Vorgehen für die Aufgabenteile d)-f) analog, wesegen eine Funktion für die
Prozedur geschrieben wird:
In [8]: def procedure(k, X_training, y_training, X_test, y_test):
            #use the knn algorithm
            knn = KNN(k = k)
            knn.fit(X = X_training, y = y_training)
            prediction = knn.predict(X = X_test)
            #add results to test data set
            X_test['prediction'] = Series(prediction)
            X_test['truth'] = y_test
            #calculate true positive etc
            true_positive = X_test[(X_test.truth == 'signal') &
                                     (X_test.prediction == 'signal')]
            true_negative = X_test[(X_test.truth == 'background') &
                                     (X_test.prediction == 'background')]
            false_positive = X_test[(X_test.truth == 'background') &
                                     (X_test.prediction == 'signal')]
            false_negative = X_test[(X_test.truth == 'signal') &
                                     (X_test.prediction == 'background')]
            #calculate precision etc
            precision_knn = precision(true_positive, false_positive)
```

recall\_knn = recall(true\_positive, false\_negative)

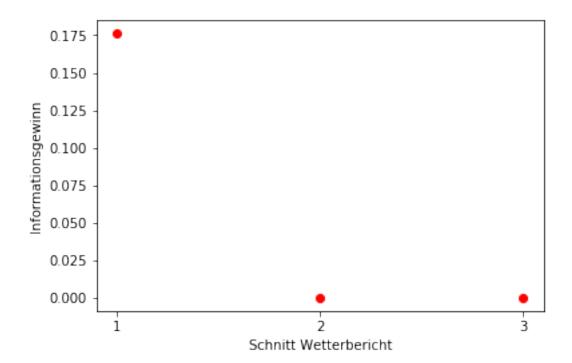
```
significance_knn = significance(true_positive, false_positive)
            print(f'Reinheit: \t{precision_knn}\nEffizienz: \t{recall_knn}\nSignifikanz: \t{signifikanz: \tfootnote{\text{signifikanz}}
   Hier nun KNN Algorithmus mit k = 10:
In [9]: procedure(10, X_training, y_training, X_test, y_test)
Reinheit:
                   0.8294626788927929
Effizienz:
                    0.9679
                      89.60116778816749
Signifikanz:
   e) Nun log_{10}(N) statt N:
In [10]: neutrino_signal_e = neutrino_signal
         neutrino_signal_e['log10NumberOfHits'] = np.log10(neutrino_signal['NumberOfHits'])
         neutrino_signal_e = neutrino_signal_e.drop(columns = 'NumberOfHits')
         neutrino_background_e = neutrino_background
         neutrino_background_e['log10NumberOfHits'] = np.log10(neutrino_background['NumberOfHits'])
         neutrino_background_e = neutrino_background_e.drop(columns = 'NumberOfHits')
   Nun das gleiche wie oben:
In [11]: X_training, y_training = mix_sample(neutrino_signal_e,
                                               neutrino_background_e,
                                               5000, 5000)
         X_test, y_test = mix_sample(neutrino_signal_e,
                                       neutrino_background_e,
                                       10000, 20000)
In [12]: procedure(10, X_training, y_training, X_test, y_test)
Reinheit:
                   0.8692259952123416
Effizienz:
                    0.9804
                      92.31409240772395
Signifikanz:
   Kommentar: Alle Attribute werden besser. Wie oben erwähnt ist dies durch eine Um-
skalierung des Attributs 'Hits' bedingt.
   f) Nun das ganze mit k = 20:
In [13]: X_training, y_training = mix_sample(neutrino_signal, neutrino_background, 5000, 5000)
         X_test, y_test = mix_sample(neutrino_signal, neutrino_background, 10000, 20000)
In [14]: procedure(20, X_training, y_training, X_test, y_test)
Reinheit:
                   0.8204801900398745
Effizienz:
                    0.9671
Signifikanz:
                      89.07785312789944
```

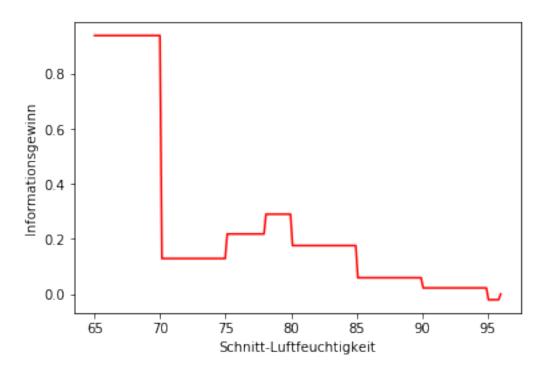
Kommentar: Alle Attribute werden schlechter.

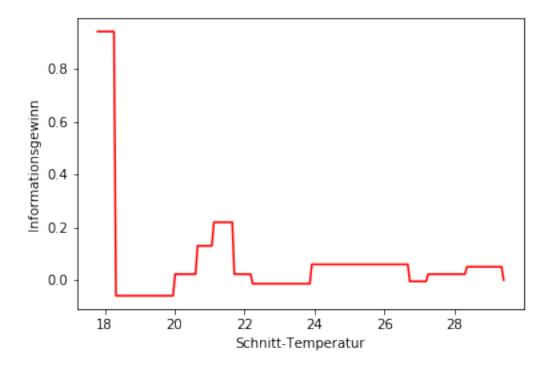
## 2 Aufgabe 16

Der handschriftliche Teil der Aufgabe befindet sich am Ende der pdf.

```
In [15]: X = DataFrame()
         X['temperature'] = Series([29.4, 26.7, 28.3, 21.1, 20, 18.3, 17.8, 22.2, 20.6, 23.9,
         X['report'] = Series([2, 2, 1, 0, 0, 0, 1, 2, 2, 0, 2, 1, 1, 0])
         X['humidity'] = Series([85, 90, 78, 96, 80, 70, 65, 95, 70, 80, 70, 90, 75, 80])
         X['wind'] = Series([False, True, False, False, False, True, True, False, False
         \#X
         y = DataFrame({'football': Series([False, False, True, True, True, False, True, False
In [16]: def entropy(y, splits = [[True for y in range(len(y))]]):
             H = []
             for split in splits:
                 entropy = 0
                 values = Counter(y[split]).most_common()
                 for value in values:
                     entropy -= value[1] / len(y[split]) * np.log2(value[1] / len(y[split]))
                 H.append(entropy)
             return np.array(H)
         def information_gain(y, splits):
             return entropy(y) - entropy(y, splits)
In [17]: print(entropy(y.football))
[0.94028596]
In [18]: report_split = [1, 2, 3]
         report_splits = [X.report <= report for report in report_split]</pre>
         report_information_gain = information_gain(y.football, report_splits)
         plt.plot(report_split, report_information_gain, 'ro')
         plt.xticks([1, 2, 3])
         plt.xlabel('Schnitt Wetterbericht')
         plt.ylabel('Informationsgewinn')
         None
```







Das Attribut Temperatur eignet sich am besten.

## 3 Aufgabe 17

Wie sollten nicht-numerische Datentypen wie beispielsweise Strings vor der Analyse behandelt werden müssen? b) Kann es hilfreich sein Attribute zu normieren? Wenn ja, wieso? c) Wie kann mit Lücken in den Daten oder NaNs und Infs verfahren werden? d) Was ist beim Zusammenführen von Datensätzen zu beachten? e) Welche Attribute sollten vor dem Trainieren des Klassifizierers aus dem Datensatz entfernt werden. Wie kann dabei eine Reduktion redundanter Informationen er- reicht werden? Was mum ss speziell bei simulationsbasierten Methoden berücksichtigt werden?

- a) Aus den Strings sollten vergleichbare Attribute generiert werden, z.B. die Länge oder die Anzahl an bestimmten Buchstaben. Falls die Strings nur eine Eigenschaft angeben, kann diese einer Zahl zugeordnet werden.
  - b) Dies kann z.B. für den kNN Algorithmus relevant sein, wie oben bereits erklärt.
- c) Man kann diese Attribute oder den jeweiligen Datenpunkt einfach weglassen. Oder interpretieren, was z.B. Infs in dem Kontext bedeuten und dann entsprechend einen anderen Wert

#### zuweisen.

- d) Die Datensätze müssen über die selben Attribute verfügen.
- **e)** Attribute, die für alle Daten gleich sind enthalten z.B. keinerlei Information. Manche Daten stehen vielleicht in einem funktionellen Zusammenhang zueinander. Einer Reduktion der Attribute kann z.B. mit der PCA erreicht werden.

