Problemă – Algoritm genetic pentru determinarea maximului unei funcții pozitive pe un domeniu dat.

Date de intrare:

- dimensiunea populației **n**
- domeniul de definiție al funcției
- precizia cu care se lucrează (cu care se discretizează intervalul)
- probabilitatea de recombinare (crossover, încrucişare)
- probabilitatea de mutatie
- numărul de etape ale algoritmului

Ieşire:

- Pe ecran: maximul determinat de algoritm
- Un fișier text care evidențiază operațiile **din prima etapă** a algoritmului, de tipul fișierului <u>Evolutie.txt</u> (obținut pentru funcția –x²+x+2, domeniul [-1, 2], dimensiunea populației 20, precizia 6, probabilitatea de recombinare 0.25, probabilitatea de mutație 0.01 și 50 de etape)

În fișier sunt scrise

• populația inițială sub forma

i: reprezentare cromozom x = valoarea corespunzătoare cromozomului în domeniul de definiție al funcției f = valoarea corespunzătoare cromozomului $(f(X_i))$

• probabilitățile de selecție pentru fiecare cromozom

$$p_i = \frac{f(X_i)}{\sum_j f(X_j)}$$

• probabilitățile cumulate care dau intervalele pentru selecție

$$q_i = p_1 + ... + p_i$$

- evidențierea procesul de selecție, care constă în generarea unui număr aleator u uniform pe [0,1) și determinarea intervalului [q_i, q_{i+1}) în care pică acest număr; corespunzător acestui interval se va selecta cromozomul i+1. Procesul se repetă până se selectează numărul dorit de cromozomi. **Cerință:** căutarea intervalului corespunzător lui u se va face folosind <u>căutarea binară</u>.
- evidențierea cromozomilor care participă la recombinare
- pentru recombinările care au loc se evidențiază perechile care participă la recombinare, punctul de rupere generat aleator precum şi cromozomii rezultați în urma recombinării
- populația rezultată după recombinare
- populația rezultată după mutații
- pentru restul generațiilor (populațiilor din etapele următoare) se va afișa doar

valoarea maximă
$$\max_{i} f(X_{i})$$
 și performanța medie $\left(\sum_{i} f(X_{i})\right)/n$