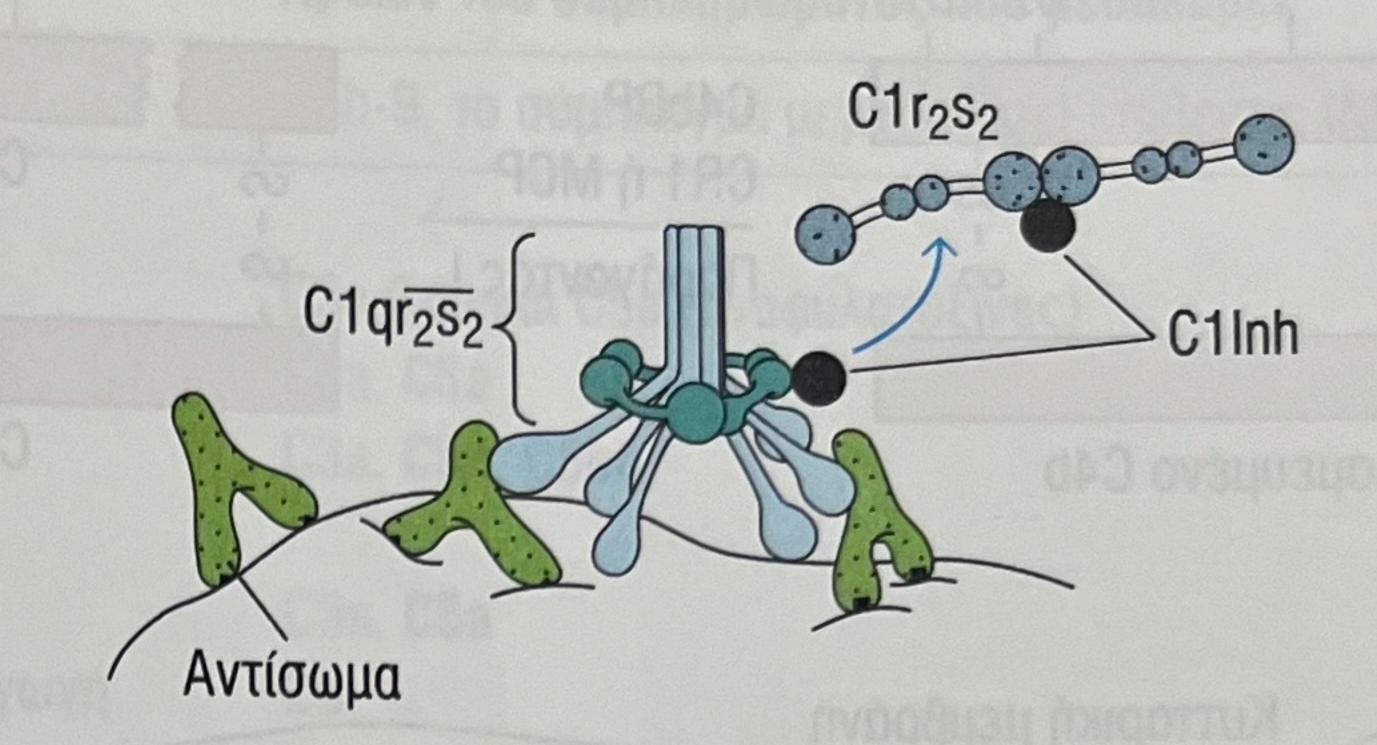
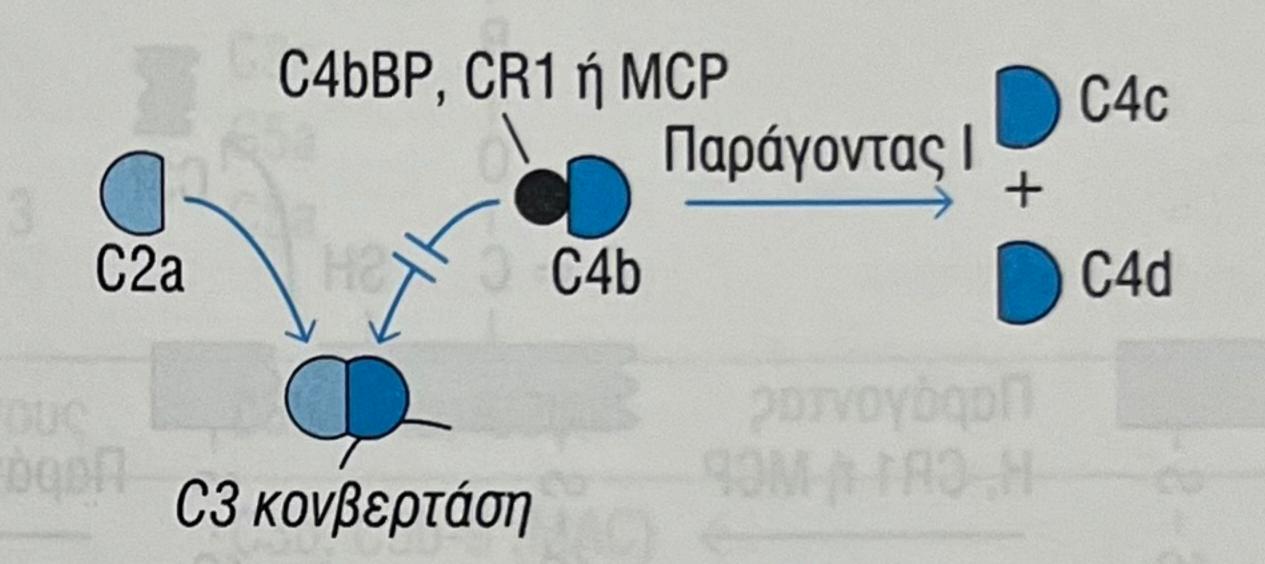
ΠΑΡΑΣΤΑΤΙΚΗ ΑΠΕΙΚΟΝΙΣΗ

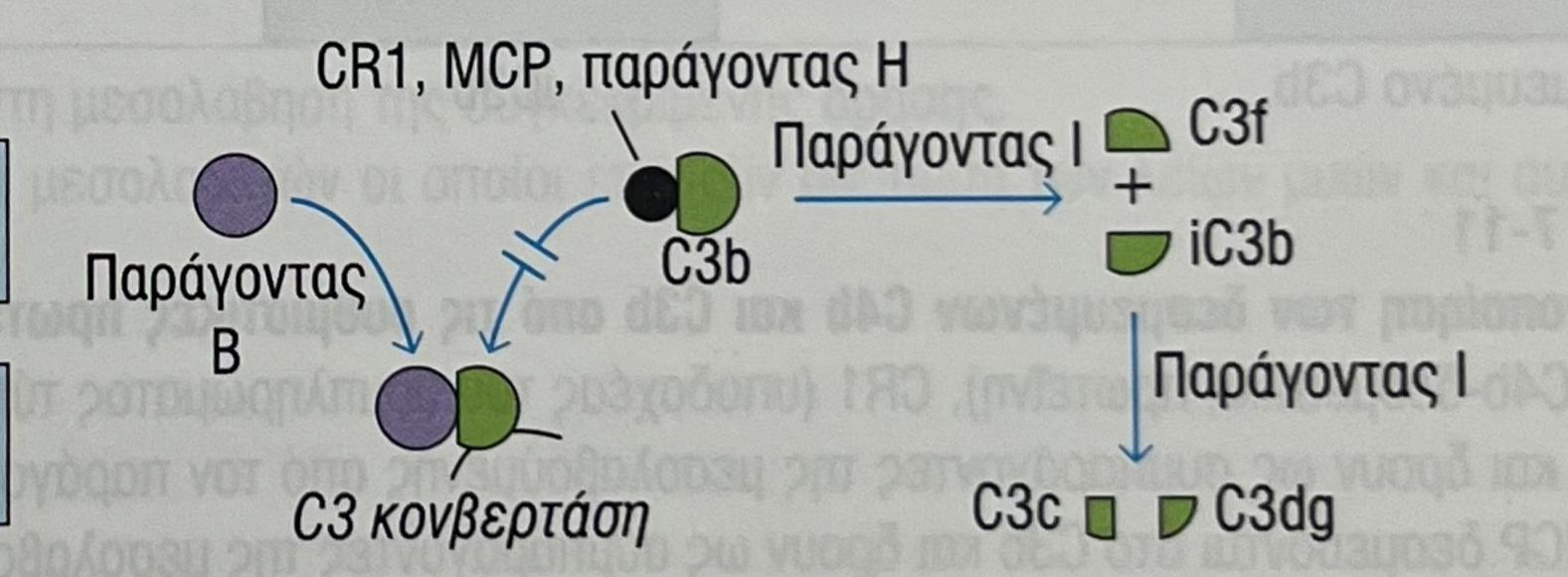
Εικόνα 7-10: Ρύθμιση του Συστήματος του Συμπληρώματος από τις Ρυθμιστικές Πρωτεΐνες

Ρύθμιση του συστήματος του συμπληρώματος

- (α) Πριν τη συγκρότηση της δραστικότητας κονβερτάσης
- ο αναστολέας του C1 (C1Inh) δεσμεύεται στο C1r2s2 προκαλώντας αποσύνδεσή του από το C1q.
- Η σύνδεση των C4b και C2a αναστέλλεται με δέσμευση της πρωτεΐνης C4bBP, του υποδοχέα του συμπληρώματος τύπου Ι ή του μεμβρανικού πρωτεϊνικού συνυποδοχέα (MCP).
- Το δεσμευμένο με αναστολέα C4b διασπάται από τον παράγοντα Ι.
- Στην εναλλακτική οδό, οι CR1, MCP ή παράγοντας Η εμποδίζουν τη δέσμευση του C3b και του παράγοντα B.
- Το δεσμευμένο στον αναστολέα C3b διασπάται από τον παράγοντα Ι.







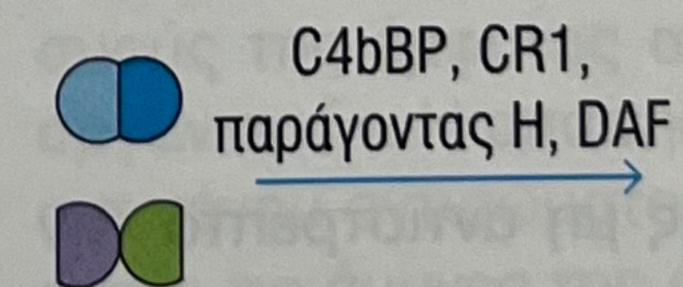
(β) Μετά τη συγκρότηση της κονβερτάσης

Οι C3 κονβερτάσες αποδιατάσσονται από C4bBP, CR1, τον παράγοντα Η και τον παράγοντα επιτάχυνσης της διάσπασης (DAF).

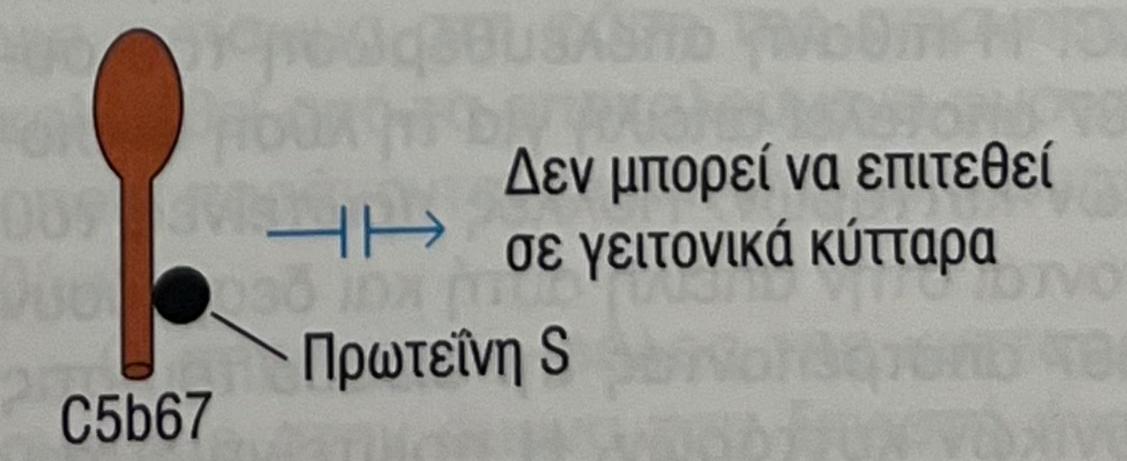
(γ) Ρύθμιση στη συγκρότηση του ΜΑС

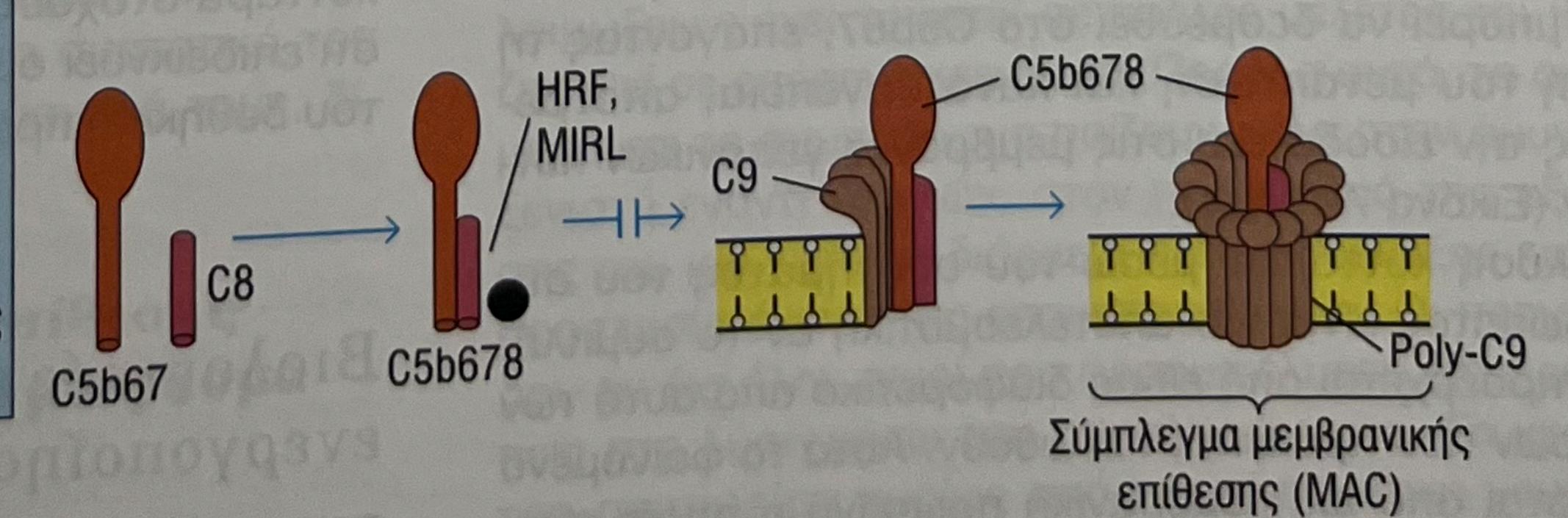
Η πρωτεΐνη S εμποδίζει την είσοδο του συστατικού του MAC C5b67 στη μεμβράνη.

Ο ομόλογος περιοριστικός παράγοντας (HRF) και ο μεμβρανικός αναστολέας της δραστικής λύσης (MIRL ή CD59) δεσμεύονται στο C5b678, εμποδίζοντας τη συγκρότηση του poly-C9 και αναστέλλοντας το σχηματισμό του ΜΑС



Αποδιάταξη της κονβερτάσης. Τα εναπομείναντα C4b και C3b διασπώνται από τον παράγοντα Ι





Αυτές οι ρυθμιστικές πρωτεΐνες (οι οποίες απεικονίζονται με μαύρο χρώμα) δρουν σε διάφορα στάδια του καταρράκτη του συμπληρώματος.