

Species	LFC Biochemical marker				p-value	Zon.	BH p-value				Zon.	Sensitivity pass				Significance	Sensitivity
	PGI	PGI	G17b	Zon.			PGI	PGI	G17b	Zon.		PGI	PGI	G17b	Zon.		
<i>Eubacterium oxidoreducens</i>	0.24	0.00	0.28	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
<i>Megamonas ruyellensis</i>	0.24	0.00	0.05	0.04	0.03	0.91	0.17	0.07	0.10	1.00	0.37	0.15	1	1	0	0	2
<i>Parabacteroides distans</i>	0.16	-0.01	-0.27	-0.01	0.04	0.10	0.04	0.21	0.12	0.33	0.12	0.36	1	1	0	0	2
<i>Bacteroides xylanisolvens</i>	0.14	-0.02	-0.02	-0.10	0.04	0.05	0.40	0.03	0.13	0.23	0.65	0.08	1	1	0	0	2
<i>Dialister succinatiphilus</i>	0.14	-0.02	0.01	0.02	0.00	0.00	0.72	0.09	0.00	0.00	0.95	0.17	0	1	0	0	2
<i>Phocaeicola vulgatus</i>	0.14	-0.01	-0.15	0.00	0.00	0.01	0.00	0.90	0.02	0.08	0.02	1.00	1	1	0	0	2
<i>Hesella stercoris</i>	0.11	-0.02	-0.05	0.00	0.05	0.07	0.21	0.52	0.14	0.27	0.42	0.75	0	1	0	0	2
<i>Parabacteroides merdae</i>	0.09	-0.01	0.08	0.05	0.07	0.22	0.14	0.07	0.17	0.48	0.30	0.15	0	1	0	0	2
<i>Lactobacillus ruminis</i>	0.09	-0.02	0.00	0.05	0.02	0.00	0.89	0.12	0.08	0.04	1.00	0.22	0	1	0	0	2
<i>Bifidobacterium breve</i>	0.09	0.00	0.09	0.17	0.00	0.78	0.01	0.00	0.02	1.00	0.03	0.00	0	1	0	0	2
<i>Roseburia faecis</i>	0.08	0.00	0.07	0.05	0.00	0.31	0.00	0.01	0.03	0.61	0.02	0.04	0	1	0	0	2
<i>Veillonella parvula</i>	0.08	0.00	-0.03	0.04	0.08	0.22	0.32	0.04	0.19	0.48	0.58	0.09	0	1	0	0	2
<i>Streptococcus thermophilus</i>	0.08	0.00	-0.04	0.05	0.00	0.20	0.05	0.00	0.02	0.46	0.17	0.01	0	1	0	0	2
<i>[Eubacterium] rectale</i>	0.07	-0.01	0.02	0.04	0.02	0.12	0.39	0.09	0.06	0.35	0.63	0.18	0	1	0	0	2
<i>Calidextribacter massiliensis</i>	0.07	-0.01	-0.01	0.04	0.08	0.12	0.59	0.09	0.19	0.35	0.85	0.17	0	1	0	0	2
<i>Lachnospiraceae bacterium GAM79</i>	0.07	0.00	0.03	0.00	0.00	0.58	0.11	0.92	0.04	0.91	0.24	1.00	0	1	0	0	2
<i>Prevotella copri</i>	0.06	0.00	0.05	0.03	0.02	0.70	0.04	0.18	0.10	1.00	0.12	0.31	0	1	0	0	2
<i>Ruminococcus sp. JET412</i>	0.06	-0.01	-0.05	-0.08	0.02	0.03	0.02	0.00	0.08	0.19	0.08	0.00	0	1	0	0	2
<i>Dialister hominis</i>	0.06	0.00	-0.01	0.01	0.03	0.12	0.71	0.49	0.11	0.35	0.95	0.71	1	1	1	1	2
<i>Anaerotruncus rubifantidis</i>	0.05	0.00	0.08	-0.11	0.01	0.69	0.00	0.00	0.05	1.00	0.02	0.00	0	1	0	0	2
<i>Prevotellamassilia timonensis</i>	0.05	0.00	0.15	-0.03	0.02	0.84	0.00	0.04	0.08	1.00	0.00	0.10	0	1	0	0	2
<i>Lactobacillus delbrueckii</i>	0.04	-0.01	0.13	-0.11	0.06	0.19	0.00	0.00	0.15	0.43	0.02	0.00	0	1	0	0	2
<i>Streptococcus sp. LPB0220</i>	0.04	-0.01	0.07	0.10	0.01	0.03	0.01	0.00	0.05	0.16	0.04	0.00	0	1	0	0	2
<i>Dysosmabacter welbionis</i>	0.04	0.00	0.08	-0.04	0.03	0.14	0.00	0.02	0.12	0.39	0.01	0.05	0	1	0	0	2
<i>Howardella urethrae</i>	0.04	-0.01	-0.05	0.04	0.05	0.39	0.02	0.01	0.14	0.48	0.01	0.02	0	1	0	0	2
<i>Bifidobacterium bifidum</i>	0.04	-0.01	-0.03	0.01	0.01	0.00	0.18	0.08	0.05	0.07	0.37	0.16	0	1	0	0	2
<i>Roseburia hominis</i>	0.04	0.00	0.00	0.00	0.05	0.45	0.81	0.77	0.14	0.75	1.00	1.00	0	1	0	0	2
<i>Dialister massiliensis</i>	0.04	-0.01	-0.21	0.06	0.02	0.05	0.00	0.00	0.08	0.23	0.00	0.00	1	1	0	0	2
<i>Oscillibacter sp. PE4192</i>	0.04	0.00	-0.01	-0.07	0.01	0.80	0.65	0.00	0.05	1.00	0.91	0.00	0	1	0	0	2
<i>Roseburia intestinalis</i>	0.04	0.00	0.00	0.01	0.05	0.73	0.84	0.34	0.14	1.00	1.00	0.51	0	1	1	1	2
<i>Mitsuokella jalaludinii</i>	0.04	-0.01	0.00	0.04	0.15	0.22	0.87	0.09	0.31	0.48	1.00	0.17	1	1	0	0	2
<i>Intestinimonas butyrificiproducens</i>	0.03	-0.01	0.01	-0.07	0.04	0.01	0.71	0.00	0.12	0.10	0.95	0.00	0	1	0	0	2
<i>Lachnospira eligens</i>	0.03	0.00	-0.02	0.01	0.02	0.35	0.19	0.32	0.09	0.66	0.39	0.50	0	1	0	0	2
<i>Ruminococcus bicirculans</i>	0.03	0.00	0.05	-0.03	0.08	0.60	0.03	0.02	0.19	0.93	0.10	0.05	0	1	0	0	2
<i>Flavonifractor plautii</i>	0.03	-0.01	0.04	0.01	0.06	0.01	0.05	0.47	0.16	0.10	0.13	0.68	0	1	0	0	2
<i>Agathobaculum butyrificiproducens</i>	0.03	0.00	-0.01	0.02	0.04	0.90	0.48	0.01	0.12	1.00	0.71	0.02	0	1	0	0	2
<i>Haldenella bififormis</i>	0.03	0.00	0.05	-0.01	0.08	0.44	0.00	0.04	0.19	0.74	0.02	0.10	0	1	0	0	2
<i>Lachnospiridium sp. Y432</i>	0.02	0.00	-0.23	0.12	0.05	0.08	0.02	0.00	0.14	0.28	0.01	0.00	0	1	0	0	2
<i>Oscillibacter valericigenes</i>	0.02	0.00	0.06	-0.07	0.37	0.86	0.02	0.00	0.59	1.00	0.07	0.00	1	1	0	0	2
<i>Robinsoniella peoriensis</i>	0.02	0.01	-0.06	0.01	0.12	0.01	0.03	0.23	0.25	0.11	0.10	0.38	1	1	0	0	2
<i>Ruthenibacterium lactiformans</i>	0.02	0.00	0.00	0.03	0.07	0.12	0.82	0.00	0.16	0.35	1.00	0.00	0	1	0	0	2
<i>Ruminococcus champanellensis</i>	0.02	-0.01	0.06	0.16	0.20	0.04	0.02	0.00	0.36	0.21	0.08	0.00	1	1	0	0	2
<i>Papillibacter cinnamivorans</i>	0.02	0.00	0.00	0.01	0.15	0.65	0.90	0.07	0.30	0.98	1.00	0.15	1	1	1	1	2
<i>Blautia producta</i>	0.02	0.00	0.05	0.00	0.17	0.10	0.01	0.86	0.34	0.33	0.05	1.00	1	1	0	0	2
<i>Eubacterium xylanophilum</i>	0.02	-0.02	-0.01	0.04	0.12	0.00	0.49	0.00	0.25	0.04	0.75	0.01	1	1	0	0	2
<i>Roseburia inulinivorans</i>	0.02	0.01	0.04	0.00	0.48	0.15	0.04	0.89	0.72	0.40	0.12	1.00	1	1	0	0	2
<i>Pseudoflavonifractor phocaensis</i>	0.02	0.00	0.01	-0.09	0.18	0.33	0.66	0.00	0.34	0.64	0.91	0.00	1	1	1	1	2
<i>Catabacter hongkongensis</i>	0.01	-0.01	0.06	0.10	0.28	0.07	0.08	0.00	0.46	0.26	0.18	0.01	1	1	0	0	2
<i>[Ruminococcus] faecis</i>	0.01	0.00	0.04	0.05	0.55	0.51	0.07	0.08	0.77	0.82	0.18	0.16	1	1	0	0	2
<i>Monoglobus pectinilyticus</i>	0.01	-0.01	-0.21	-0.03	0.56	0.02	0.00	0.00	0.78	0.15	0.00	0.01	1	1	0	0	2
<i>Bacteroides ovatus</i>	0.01	0.02	0.78	0.48	0.50	0.01	0.00	0.00	0.74	0.11	0.01	0.00	0	1	0	0	2
<i>Christensenella minuta</i>	0.01	0.01	0.02	-0.28	0.54	0.01	0.37	0.00	0.77	0.11	0.63	0.00	1	1	0	0	2
<i>Hunatia hawthwayi</i>	0.01	0.00	0.04	-0.02	0.50	0.02	0.02	0.05	0.74	0.16	0.08	0.11	1	1	0	0	2
<i>Sporobacter termitidis</i>	0.01	0.00	0.04	-0.04	0.64	0.99	0.07	0.00	0.87	1.00	0.17	0.01	1	1	0	0	2
<i>[Ruminococcus] gnavus</i>	0.01	0.00	-0.02	0.02	0.75	0.15	0.26	0.08	1.00	0.40	0.49	0.16	1	1	0	0	2
<i>Ruminococcus bromii</i>	0.00	0.00	-0.07	-0.03	0.84	0.43	0.01	0.05	1.00	0.74	0.03	0.12	1	1	0	0	2
<i>Dorea formiciclenans</i>	0.00	0.00	-0.01	0.04	0.84	0.78	0.46	0.01	1.00	1.00	0.72	0.02	1	1	1	0	2
<i>Muribaculum intestinale</i>	0.00	0.00	-0.12	-0.16	0.91	0.24	0.09	0.02	1.00	0.50	0.21	0.06	0	1	1	0	2
<i>Flintibacter sp. KGBM00164</i>	0.00	0.00	0.01	-0.05	0.98	0.17	0.38	0.00	1.00	0.41	0.63	0.00	1	1	1	0	2
<i>Fusotribacter sp. saccharivorans</i>	0.00	0.00	0.02	0.00	0.98	0.06	0.26	0.85	1.00	0.24	0.49	1.00	1	1	0	0	2
<i>Subdoligranulum variabile</i>	0.00	0.00	0.02	-0.03	0.97	0.18	0.36	0.00	1.00	0.43	0.61	0.01	1	1	0	0	2
<i>Anaeromassiliibacillus senegalensis</i>	0.00	0.00	0.06	-0.08	0.95	0.28	0.00	0.00	1.00	0.56	0.02	0.00	1	1	0	0	2
<i>Faecalibaculum oroticum</i>	0.00	0.00	-0.03	0.00	0.90	0.67	0.00	0.00	0.75	1.00	0.99	0.20	1.00	1	1	0	2
<i>Escherichia coli</i>	0.00	0.00	0.13	0.05	0.91	0.35	0.00	0.18	1.00	0.68	0.02	0.31	1	1	0	0	2
<i>Catenibacterium mitsuokai</i>	-0.01	0.00	0.02	0.04	0.81	0.87	0.20	0.03	1.00	1.00	0.41	0.08	1	1	0	0	2
<i>Bifidobacterium ruminantium</i>	-0.01	0.00	0.05	-0.01	0.63	0.82	0.05	0.45	0.87	1.00	0.15	0.66	1	1	0	0	2
<i>Clostridium merdae</i>	-0.01	0.00	0.01	-0.04	0.55	0.16	0.69	0.00	0.77	0.41	0.95	0.00	1	1	1	1	2
<i>Faecalimonas umbilicata</i>	-0.01	0.00	-0.04	-0.02	0.48	0.53	0.02	0.01	0.72	0.84	0.07	0.04	1	1	1	0	2
<i>Lactobacillus rogosae</i>	-0.01	0.00	0.00	0.02	0.27	0.05	0.97	0.02	0.45	0.21	1.00	0.07	0	1	1	1	2
<i>Lachnospiraceae bacterium Choco86</i>	-0.01	0.00	-0.05	0.00	0.33	0.16	0.02	0.99	0.53	0.41	0.08	1.00	1	1	0	0	2
<i>Blautia wexlerae</i>	-0.01	0.00	-0.04	-0.02	0.50	0.10	0.01	0.07	0.74	0.33	0.07	0.15	0	1	1	1	2
<i>Blautia luti</i>	-0.02	0.00	-0.01	-0.03	0.39	0.88	0.54	0.01	0.61	1.00	0.80	0.02	0	1	0	0	2
<i>Neglecta timonensis</i>	-0.02	0.00	-0.02	-0.06	0.31	0.89	0.26	0.00	0.51	1.00	0.49	0.00	0	1	0	0	2
<i>Christensenella massiliensis</i>	-0.02	0.01	0.04	-0.03	0.20	0.01	0.06	0.00	0.36	0.11	0.16	0.01	1	1	0	0	2
<i>Olsenella sp. G4M18</i>	-0.02	0.00	0.06	-0.07	0.92	0.25	0.09	0.02	0.4								