

11 de abril de 2022

Actualización de la situación epidemiológica de las variantes de SARS-CoV-2 en España

Resumen ejecutivo de la situación e implicaciones para la salud pública

- Las variantes de mayor impacto para la salud pública (VOC) son aquellas más transmisibles, más virulentas o que pueden escapar, total o parcialmente, al efecto de los anticuerpos adquiridos tras la infección natural o la vacunación con variantes previas.
- La variante Ómicron es la dominante en estos momentos en España tras haber desplazado a la variante Delta.
- Las medidas de prevención (mascarilla, distancia interpersonal, higiene de manos y ventilación) son eficaces para todas las variantes, incluidas las VOC.

Variante Ómicron:

- Mayor capacidad de escape inmune que variantes previas, incremento en transmisibilidad y menor gravedad de los casos.
- Rápida expansión a nivel global. Actualmente predominante en España.
- De acuerdo con los datos de secuenciación y PCR específica el linaje BA.2 es el predominante.
- Mediante secuenciación de muestras aleatorias, en la semana 12 de 2022 (21 a 27 de marzo) el porcentaje se sitúa en 100%.
- Respecto a los diferentes linajes: los cribados aleatorios mediante PCR específica para el linaje **BA.2** han detectado en la semana 13 de 2022 (28 de marzo a 3 de abril), porcentajes que oscilan en las diferentes CCAA entre el 47,7% y el 95,1%. Esta misma semana, para los linajes **BA.1**, **BA.1.1** o **BA.3**, el rango entre CCAA oscila entre 3,5% y 47,1%.

Otras variantes:

- De acuerdo con los datos de secuenciación asociados a muestreos aleatorios, el resto de variantes del virus (incluida la variante Delta) se mantienen en niveles muy bajos de circulación. En las últimas cuatro semanas analizadas las otras variantes, en conjunto, alcanzan el 0,1% del total.

1. Introducción

Continuamente se van describiendo nuevas variantes de SARS-CoV-2. Desde el punto de vista de la vigilancia consideramos variantes de preocupación para la salud pública (VOC, por sus siglas en inglés, *Variant of Concern*) aquellas que pueden tener un impacto significativo en la situación epidemiológica de nuestro país y para las que existen evidencias de un posible incremento en la transmisibilidad, la gravedad de la enfermedad y/o el escape a la respuesta inmune. Consideramos variantes de interés (VOI, por sus siglas en inglés, *Variant of Interest*) aquellas que, con una probabilidad menor, podrían también tener un impacto en la situación epidemiológica en España o para las que existen indicios de un incremento en la transmisibilidad, la gravedad y/o el escape a la respuesta con un grado menor de certeza. El Comité Técnico Coordinador de la Red Nacional de Laboratorios de Secuenciación de SARS-CoV-2 (RELECOV) revisa periódicamente la clasificación de una variante como VOC o VOI para nuestro país. No obstante, a través la implementación de la secuenciación de muestras aleatorias se busca hacer una vigilancia integral tanto de las variantes conocidas como de la aparición de nuevas variantes que puedan representar un aumento del riesgo.

La información sobre la prevalencia de las distintas variantes se obtiene a partir de dos fuentes. Por un lado, se lleva a cabo la secuenciación del genoma que permite el análisis completo de todas las posibles mutaciones presentes y su asignación a un determinado linaje. Por otro, se realizan pruebas de cribado mediante PCR capaces de detectar una o varias mutaciones específicas que permiten hacer una identificación presuntiva de las variantes que comparten esa mutación o conjunto de mutaciones.

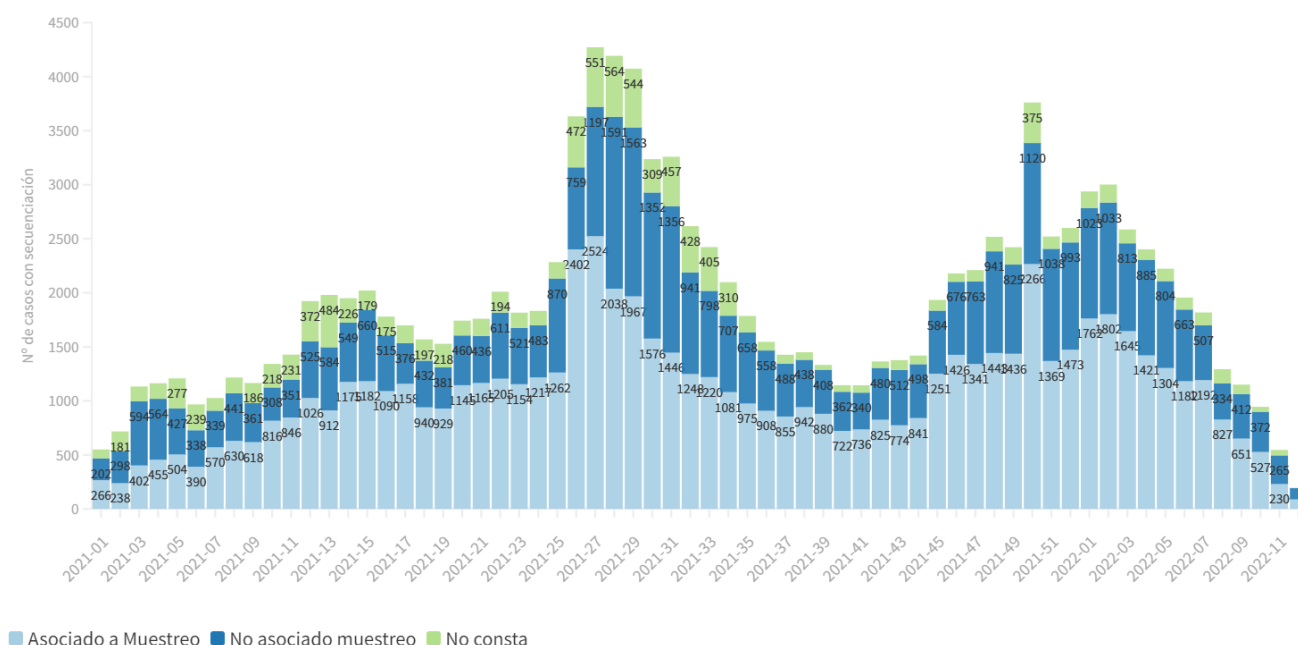
La variante Ómicron es la variante dominante en España en el momento actual. Comprende los linajes BA.1, BA.1.1, BA.2 y BA.3. Esta variante presenta un alto número de mutaciones, algunas de las cuales estaban presentes en variantes ya detectadas previamente y varias que se han relacionado con un aumento de la transmisibilidad o con un cierto grado de escape a la respuesta inmune. Es considerada como VOC por parte de la OMS, el ECDC y el Comité Técnico Coordinador de RELECOV. BA.1 ha sido el linaje mayoritario durante una primera fase de expansión de la variante Ómicron y, por lo tanto, las características descritas para la variante se corresponden con las de este linaje. BA.1.1, deriva de BA.1 y presenta una mutación añadida en el gen de la espícula; BA.2 es el linaje de Ómicron que más diferencias presenta respecto a BA.1 y su frecuencia ha ido aumentando hasta convertirse en el linaje predominante a nivel global. Hasta ahora no se ha encontrado diferencias en el riesgo de hospitalización entre BA.1 y BA.2. Los primeros estudios de efectividad vacunal tampoco han encontrado diferencias entre ambos linajes. Entre las mutaciones descritas para los linajes BA.1, BA.1.1 y BA.3 se encuentra la delección 60-70 (presente también en Alfa), que produce el fallo de la amplificación del gen S con algunas técnicas de PCR. Esta mutación no está presente en el linaje BA.2.

2. Información derivada de la secuenciación e integrada en el Sistema de Vigilancia de España

Desde el inicio de 2021, la vigilancia del SARS-CoV-2 en España incluye información genómica para la confirmación de la presencia de variantes mediante técnicas de secuenciación. Para conocer la incidencia de cada uno de los tipos de variantes VOC y VOI, se lleva a cabo la secuenciación de un muestreo aleatorio de los casos en cada comunidad de acuerdo a los procedimientos acordados (https://www.mscbs.gob.es/profesionales/saludPublica/ccayes/alertasActual/nCov/documentos/Integracion_de_la_secuenciacion_genomica-en_la_vigilancia_del_SARS-CoV-2.pdf).

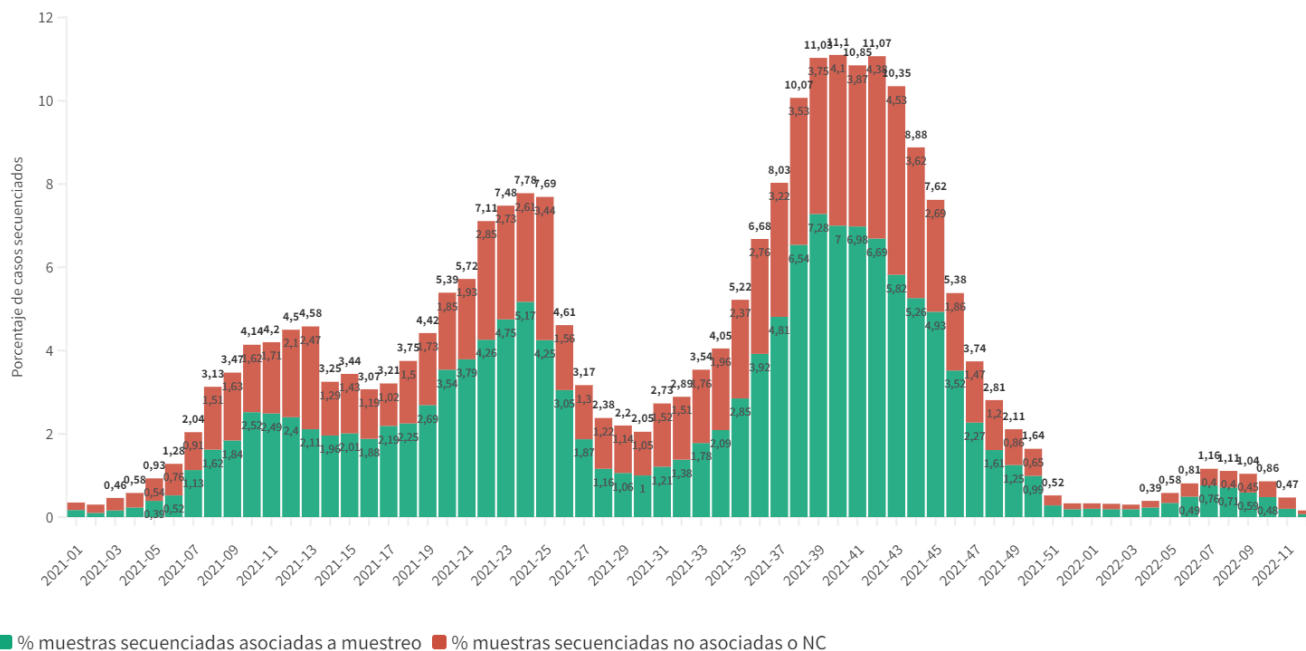
La información disponible en el Sistema de Vigilancia en España (SiViEs) se analiza de forma semanal. Dado que las técnicas de secuenciación completa son laboriosas, los resultados presentan mayor retraso que los cribados con PCR. Desde la semana 48 de 2021 a la 10 de 2022 (29.11.2021 a 20.03.2022) un promedio de 2022 casos semanales (1198 asociadas a muestreo aleatorio, 700 no asociadas a muestreo aleatorio y 124 en las que no consta esta información) cuenta con información derivada de la secuenciación (Figura 1, tablas 5 y 6). En estas mismas semanas, el porcentaje medio de muestras secuenciadas, de las que se dispone de información en SiViEs, sobre el total de casos detectados en España, ha sido 1,3% (con un rango entre 0,3% y 3%) (Figura 2).

Figura 1. Número de casos secuenciados en España, en las semanas 1 de 2021 a 12 de 2022 (4.01.2021 a 27.03.2022).



Fuente: SiViEs a 08.04.2022. Datos preliminares, sujetos a modificaciones por retrasos de notificación.

Figura 2. Porcentaje de casos secuenciados respecto del total de casos en cada comunidad (de aquellas para las que hay información disponible) en las semanas 1 de 2021 a 12 de 2022 (4.01.2021 a 27.03.2022).



Fuente: SiViEs a 08.04.2022. Datos preliminares, sujetos a modificaciones por retrasos de notificación.

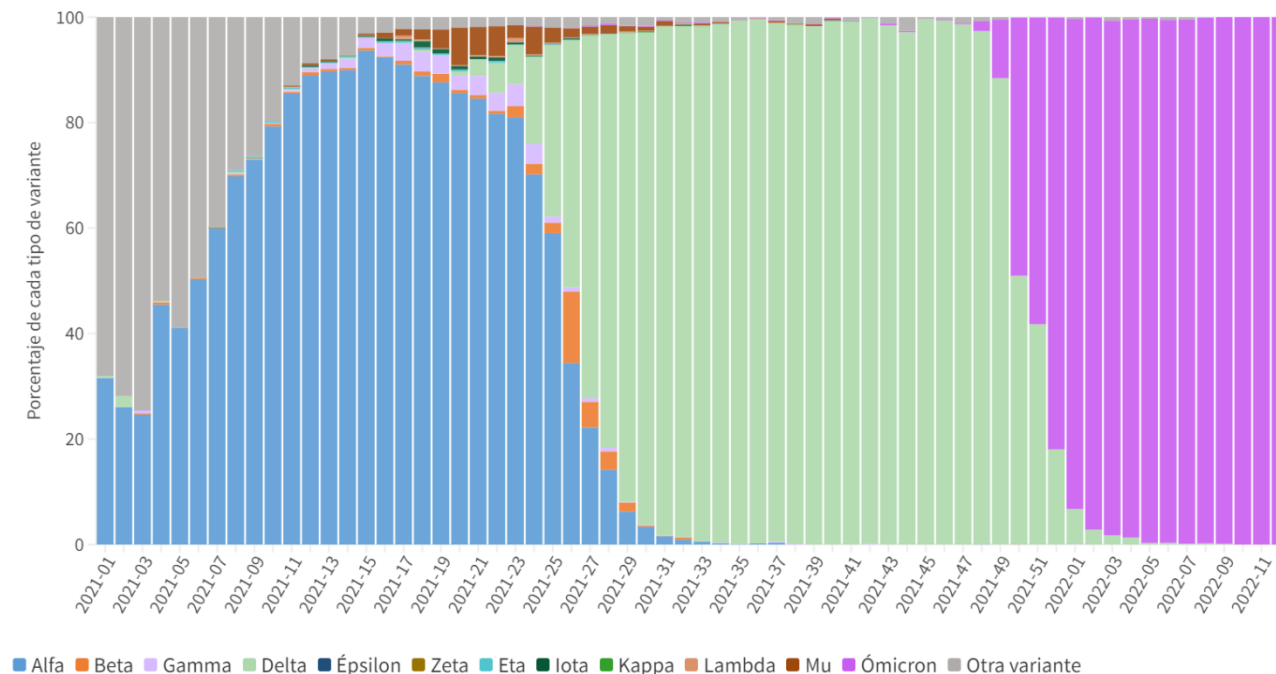
La distribución de variantes respecto al total de muestras aleatorias secuenciadas se representa en la Figura 3. Estos porcentajes no son totalmente representativos a nivel nacional ya que, a pesar de que los muestreos se realizan de forma aleatoria, la ausencia de datos de algunas comunidades (especialmente en las semanas más recientes) y la diferente proporción en la que contribuye cada una de ellas, limitan la interpretación de esta información. Además, hay que tener en cuenta que, debido al retraso de la información, las últimas semanas son menos valorables.

La variante **Ómicron** supone un porcentaje de 100% de las muestras secuenciadas aleatoriamente en la semana 12 (88 muestras procedentes de tres CCAA), del 21.03.2022 al 27.03.2022. Entre los distintos linajes de esta variante, BA.2 se sitúa como el más frecuente seguido de BA.1 y BA.1.1 (Figura 4).

El resto de variantes continúa detectándose a niveles muy bajos. En las últimas 4 semanas analizadas, de las 1496 muestras aleatorias secuenciadas, 1 corresponde a linajes diferentes a los de Ómicron (incluyendo Delta).

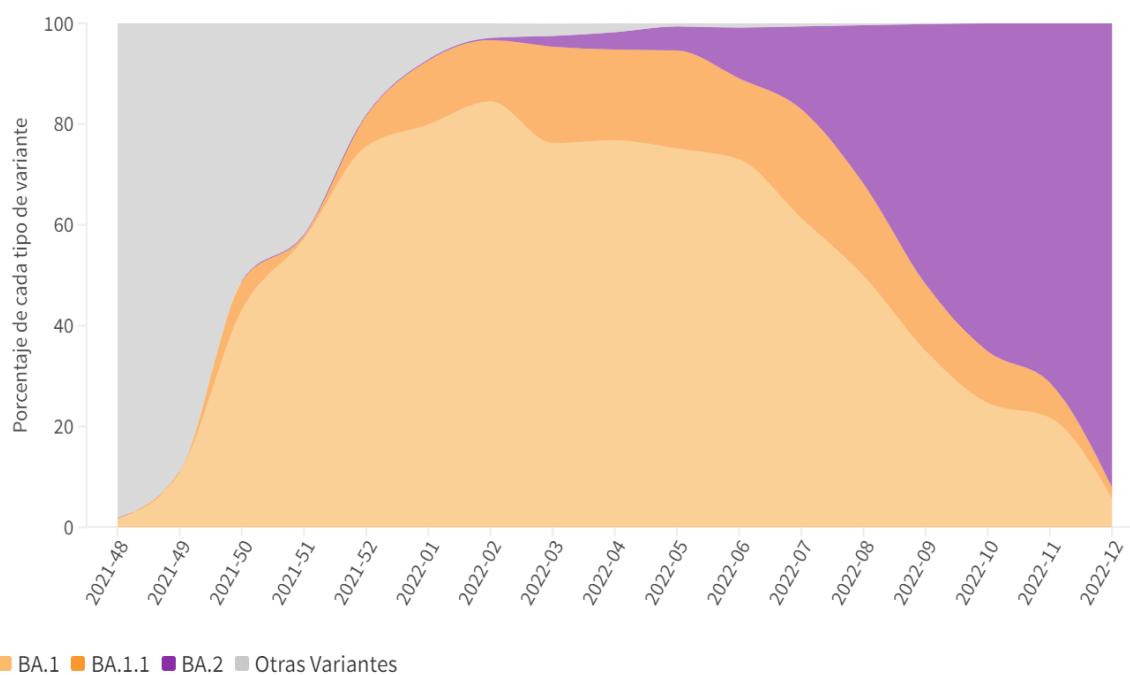
La información detallada del número de secuencias correspondiente a cada linaje entre las totales secuenciadas y entre las secuenciadas por muestreo aleatorio se puede encontrar en el anexo 1, en las tablas 5 y 6.

Figura 3. Porcentaje de cada tipo de variante por semana epidemiológica entre las 1 de 2021 a 12 de 2022 (4.01.2021 a 27.03.2022) entre el número de muestras secuenciadas seleccionadas de forma aleatoria



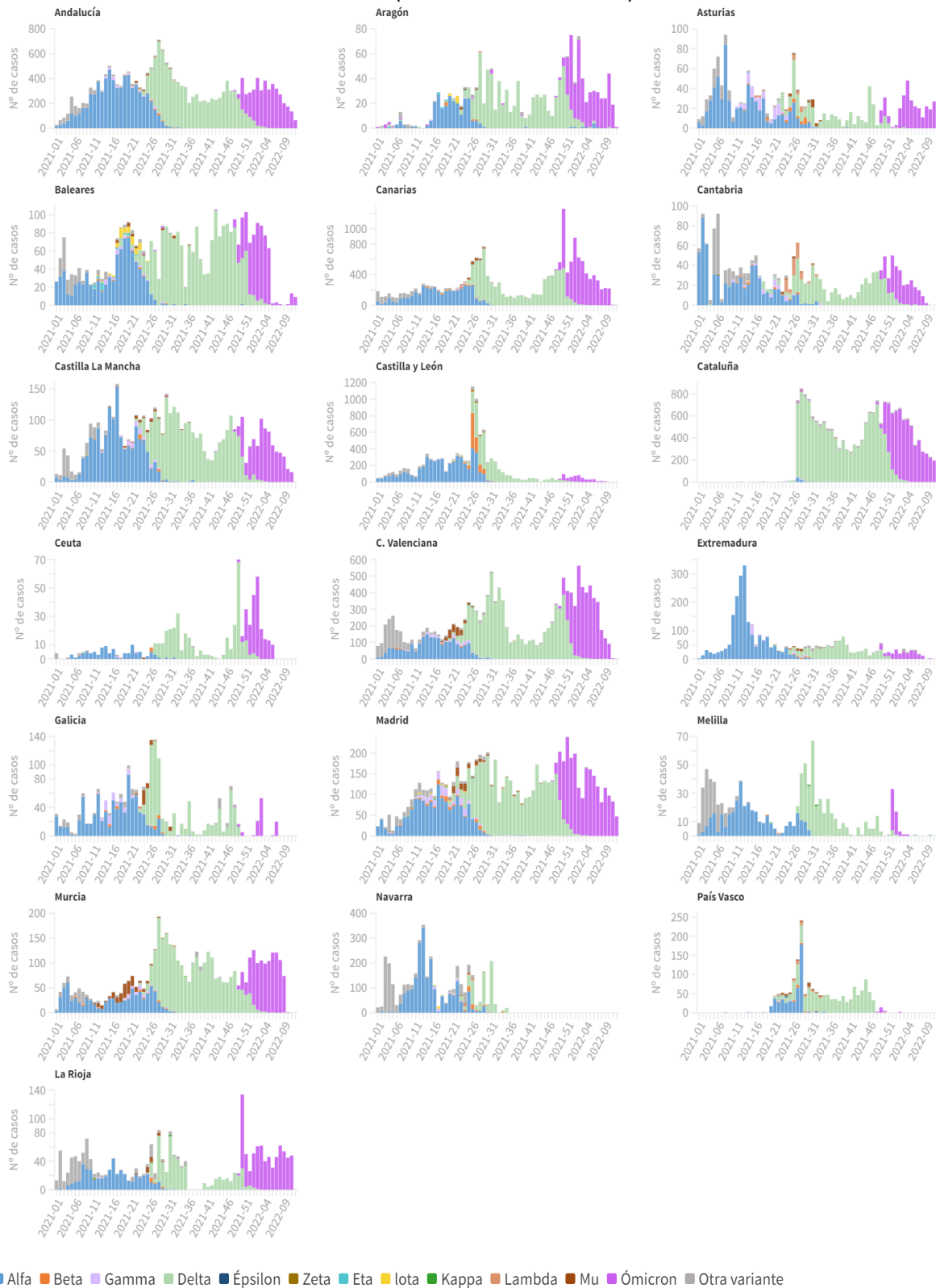
Fuente: SiViEs a 08.04.2022. Datos preliminares, sujetos a modificaciones por retrasos de notificación.

Figura 4. Evolución de los linajes de Ómicron entre las semanas 48 de 2021 y 12 de 2022 (29.11.2021 a 27.03.2022) y entre el número de muestras secuenciadas seleccionadas de forma aleatoria.



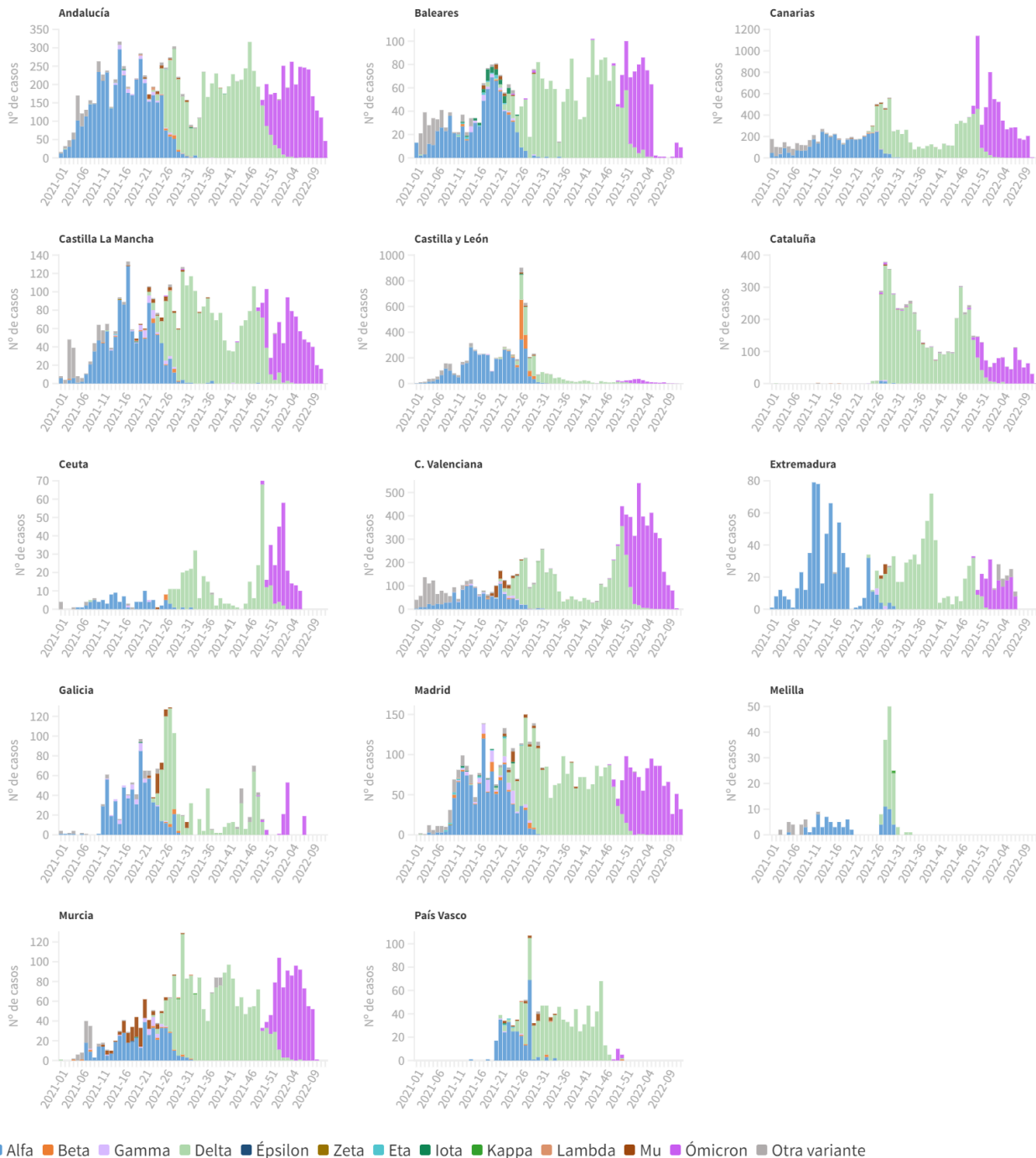
Fuente: SiViEs a 08.04.2022. Datos preliminares, sujetos a modificaciones por retrasos de notificación.

Figura 5. Número de secuencias totales por tipo de variante y semana para cada Comunidad Autónoma entre las semanas 1 de 2021 a 12 de 2022 (4.01.2021 a 27.03.2022).



Fuente: SiViEs a 08.04.2022. Datos preliminares, sujetos a modificaciones por retrasos de notificación.

Figura 6. Número de secuencias asociadas a muestreo aleatorio por tipo de variante y semana para cada Comunidad Autónoma de la que se dispone de datos entre las semanas 1 de 2021 a 12 de 2022 (4.01.2021 a 27.03.2022).



Fuente: SiViEs a 08.04.2022. Datos preliminares, sujetos a modificaciones por retrasos de notificación.

3. Información derivada de los cribados mediante PCR específicas

Los cribados mediante PCR permiten detectar cambios en la frecuencia de estas variantes más rápidamente que la secuenciación. En las tablas 2 y 3 y 4 se muestran los resultados de las últimas semanas para el cribado de Ómicron (BA.2) y Ómicron (BA.1, BA.1.1 o BA.3)¹.

Tabla 2. Porcentaje de probables Ómicron (linaje BA.2) estimado mediante marcador PCR específica y número de muestras analizadas (n) durante las semanas epidemiológicas a las que se hace referencia

Comunidad autónoma	Última semana epidemiológica con datos disponibles	% Probable Ómicron (BA.2) (n)	% semana previa (n)
Andalucía	14 (04/4 a 10/4)	84,4 (379)	82,2 (387)
Baleares	13 (28/3 a 03/4)	89,9 (308)	86,6 (344)
Canarias	13 (28/3 a 03/4)	95,1 (1048)	94 (1621)
Cantabria	13 (28/3 a 03/4)	89,4 (188)	80,5 (333)
Castilla- La Mancha	13 (28/3 a 03/4)	66,7 (261)	49,7 (173)
Castilla y León	13 (28/3 a 03/4)	79 (229)	72,8 (195)
Cataluña	13 (28/3 a 03/4)	85,3 (394)	79,5 (478)
Comunidad Valenciana	13 (28/3 a 03/4)	93,3 (164)	80,3 (147)
Extremadura	13 (28/3 a 03/4)	73,8 (172)	76,5 (272)
Galicia	13 (28/3 a 03/4)	88,8 (1047)	81,3 (1044)
Madrid	13 (28/3 a 03/4)	47,7 (172)	36,2 (276)
Navarra	13 (28/3 a 03/4)	92,1 (127)	89,3 (439)
País Vasco	13 (28/3 a 03/4)	83,2 (1229)	80,5 (1879)

Fuente: elaboración propia con información aportada por las CCAA.

¹ En la comunidad de Aragón se realizó un cribado capaz de detectar Ómicron (cualquiera de los linajes): en la semana 13 el 100% de las muestras probadas (61) resultaron compatibles con esta variante.

Tabla 3. Porcentaje de probables Ómicron (linajes BA.1, BA.1.1 y BA.3) estimado mediante marcador PCR específica y número de muestras analizadas (n) durante las semanas epidemiológicas a las que se hace referencia

Comunidad autónoma	Última semana epidemiológica con datos disponibles	% Probable Ómicron (BA.1, BA.1.1, BA.3) (n)	% semana previa (n)
Andalucía	14 (04/4 a 10/4)	15,3 (379)	16,8 (387)
Baleares	13 (28/3 a 03/4)	10,1 (308)	14,7 (344)
Canarias	13 (28/3 a 03/4)	3,5 (1048)	5 (1621)
Cantabria	13 (28/3 a 03/4)	10,6 (188)	19,2 (333)
Castilla- La Mancha	13 (28/3 a 03/4)	32,2 (292)	56,7 (305)
Castilla y León	13 (28/3 a 03/4)	26,6 (327)	42,3 (326)
Cataluña	13 (28/3 a 03/4)	10,8 (638)	14 (802)
Comunidad Valenciana	13 (28/3 a 03/4)	6,7 (164)	19,7 (147)
Extremadura	13 (28/3 a 03/4)	20,3 (172)	16,9 (272)
Galicia	13 (28/3 a 03/4)	11,2 (1047)	18,7 (1044)
Madrid	13 (28/3 a 03/4)	47,1 (172)	56,2 (276)
Murcia	13 (28/3 a 03/4)	21,3 (155)	28,7 (188)
Navarra	13 (28/3 a 03/4)	7,9 (127)	10,7 (439)
País Vasco	13 (28/3 a 03/4)	6,9 (1229)	11,5 (1879)

Fuente: elaboración propia con información aportada por las CCAA.

Anexo 1

Tabla 5. Número de muestras secuenciadas en España por linaje y por semana epidemiológica entre las semanas 49 de 2021 y 12 de 2022 (05.12.2021 a 27.03.2022) notificadas a SiViEs.

	S-49	S-50	S-51	S-52	S-01	S-02	S-03	S-04	S-05	S-06	S-07	S-08	S-09	S-10	S-11	S-12
B.1.617.2	410	425	302	149	78	37	20	8	1	2	1	2	1	0	0	0
AY.1	1	0	0	4	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0
AY.3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.3.1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4	313	281	122	62	33	12	9	5	1	1	0	0	0	0	0	0
AY.4.1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.2	49	62	29	11	7	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.2.1	8	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.2.2	8	21	1	4	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.2.3	53	50	25	14	6	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.4	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.5	1	0	4	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.6	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.7	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.8	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.9	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.10	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.11	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.5	19	14	3	1	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.5.3	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.5.4	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.6	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.7	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.7.1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0
AY.9	4	1	1	1	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.9.2	17	13	14	11	1	2	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0
AY.10	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.11	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.12	38	1	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.14	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.18	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.19	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0
AY.20	9	13	4	3	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.22	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.23	3	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.25	5	4	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.26	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.29.1	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.32	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.33	23	22	7	8	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.34	19	16	7	9	6	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.34.1	5	12	7	2	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0
AY.36	45	38	6	3	2	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.39	3	4	2	1	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0
AY.41	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.42	19	20	6	4	5	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0
AY.43	529	458	219	109	45	27	15	9	3	0	0	0	0	0	0	0
AY.43.3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
AY.43.4	2	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.43.5	3	3	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.44	4	2	0	1	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.45	3	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.46	8	2	4	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.46.1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.46.5	1	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.46.6	17	27	2	6	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0

AY.46.6.1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.48	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.50	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0
AY.57	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.60	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.65	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.69	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.70	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.71	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.72	4	6	4	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.73	8	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.75	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.78	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.82	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.84	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.87	2	0	4	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.88	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.92	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.93	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.98	12	6	6	2	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.98.1	7	5	5	2	3	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0
AY.99.2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.100	4	6	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.101	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.102	7	5	3	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.102.2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.103	4	4	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.106	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.108	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.109	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.111	2	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.112	2	2	2	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.113	16	6	4	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.114	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.118	1	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.119	7	5	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.119.1	1	3	3	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.120	1	4	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.121	38	25	11	6	4	1	1	2	0	1	0	0	0	0	0	0
AY.121.1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.122	91	78	28	20	7	0	3	1	0	1	0	0	0	0	0	0
AY.122.1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.122.4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.123	5	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.124	21	12	8	5	2	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.125	22	27	30	5	7	2	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0
AY.126	7	12	11	6	1	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.127	66	60	53	19	13	4	2	1	0	0	0	0	1	0	0	0
AY.129	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.133	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
B.1.1.7	0	1	0	2	1	1	4	3	0	5	1	0	0	0	0	0
B.1.351	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
B.1.351.3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
P.1.1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
B.1.621.1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
B.1.617	4	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
B.1.575	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
B.1.1.529	79	185	207	26	45	8	10	13	35	38	64	65	70	70	1	0
BA.1	347	1623	1296	1928	2321	2501	1848	1633	1440	1208	914	474	277	129	74	14
BA.1.1	3	136	30	127	285	339	562	554	563	405	477	296	195	106	40	5
BA.1.1.1	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	1	1
BA.1.8	0	0	0	0	0	1	0	3	1	0	0	0	0	0	0	0
BA.1.15	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
BA.1.17	0	0	0	0	0	0	4	26	0	0	0	0	0	0	1	0

BA.2	0	7	7	8	11	29	70	110	164	276	353	454	601	630	426	173
BA.2.3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1
BA.3	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0
Otros	12	8	15	11	16	12	21	19	11	13	7	2	3	8	1	1

Fuente: SiViEs a 08.04.2022. Datos preliminares, sujetos a modificaciones por retrasos de notificación.

Tabla 6. Número de muestras seleccionadas de forma aleatoria secuenciadas, por linaje y por semana epidemiológica entre las semanas 49 de 2021 y 12 de 2022 (05.12.2021 a 27.03.2022) notificadas a SiViEs.

	S-49	S-50	S-51	S-52	S-01	S-02	S-03	S-04	S-05	S-06	S-07	S-08	S-09	S-10	S-11	S-12
B.1.617.2	279	330	239	95	44	21	6	4	0	1	1	2	1	0	0	0
AY.3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4	219	193	70	34	18	8	7	2	1	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.2	27	42	14	6	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.2.1	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.2.2	8	21	1	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.2.3	30	29	13	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.5	1	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.6	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.7	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.8	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.10	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.4.11	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.5	7	5	2	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.5.3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.5.4	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.6	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.7	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.9	2	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.9.2	9	9	11	10	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0
AY.11	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.12	38	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.14	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.19	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0
AY.20	8	7	1	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.23	3	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.25	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.26	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.29.1	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.32	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.33	10	12	6	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.34	11	8	5	9	1	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.34.1	4	4	4	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0
AY.36	29	19	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.39	1	3	0	1	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0
AY.41	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.42	11	13	4	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.43	325	287	115	58	16	8	8	6	1	0	0	0	0	0	0	0
AY.43.4	2	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.43.5	2	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.44	3	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.46	6	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.46.1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.46.5	1	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.46.6	7	6	0	2	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.46.6.1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.48	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.50	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0
AY.65	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

AY.69	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.71	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.72	1	1	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.73	6	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.75	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.78	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.82	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.84	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.92	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.93	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.98	10	5	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.98.1	4	2	4	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.100	4	6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.101	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.102	5	5	3	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.102.2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.103	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.106	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.109	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.111	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.112	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.113	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.114	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.118	1	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.119	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.119.1	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.120	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.121	24	17	5	3	2	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.121.1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.122	61	45	12	6	4	0	2	1	0	1	0	0	0	0	0	0
AY.122.1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.122.4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.123	5	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.124	9	8	3	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.125	10	7	13	2	4	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.126	6	8	8	2	1	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.127	35	26	12	10	3	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.129	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AY.133	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
B.1.351	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
P.1.1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
B.1.1.529	27	60	135	18	42	5	10	12	31	32	54	60	59	60	1	0
BA.1	130	917	648	1095	1366	1518	1244	1071	949	831	677	353	169	70	49	5
BA.1.1	2	129	10	90	224	219	315	255	254	190	258	151	86	54	16	2
BA.1.1.1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
BA.1.8	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
BA.1.17	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0
BA.2	0	2	3	3	5	8	35	49	62	119	196	260	336	343	164	81
BA.3	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Otros	7	3	1	1	6	1	11	6	4	6	5	1	0	0	0	0

Fuente: SiViEs 08.04. 2022. Datos preliminares, sujetos a modificaciones.