## Разминка

- 1. Какой ближайший таксон объединяет:
  - 1. человека и мышь?

Euarchontoglires

2. человека и бабочку?

Bilateria

3. человека и дрожжи?

Opisthokonta

4. человека и капусту?

Eukaryota

2. Согласно схеме http://tolweb.org/Eukaryotes/3, какой из организмов является ближайшим к человеку, а какой самым удаленным от человека:

ламинария сахаристая: удаленный дизентерийная амеба: ближайший

## Основная часть

1. Взять человеческий ген.

KRT1 keratin 1

2. Получить его последовательность в формате FASTA.

см. файл krt-1.fasta

3. С помощью NCBI BLAST найти не менее 10 (десяти) гомологичных генов в других видах.

найдено с помощью BLAST было больше генов, выписала часть из них:

Gorilla gorilla keratin 1 (KRT1), mRNA

Hylobates moloch keratin 1 (KRT1), mRNA

Macaca mulatta keratin 1 (KRT1), transcript variant X1, mRNA

Myotis myotis keratin 1 (KRT1), mRNA

Equus quagga keratin, type II cytoskeletal 1-like (LOC124225722), mRNA

Pteropus alecto keratin 1 (KRT1), mRNA

Rousettus aegyptiacus keratin 1 (KRT1), mRNA

Phyllostomus hastatus keratin 1 (KRT1), mRNA

Lemur catta keratin 1 (KRT1), mRNA

Callithrix jacchus keratin 1 (KRT1), mRNACallithrix jacchus keratin 1 (KRT1), mRNA

4. Построить единое множественное выравнивание полученных последовательностей.

см. файл alignment.txt

5. Проанализировать полученное выравнивание с точки зрения консервативных участков.

В конце находится больше всего консервативных участков. Много консервативных участков находится в начале выравнивания (но меньше, чем в конце).

6. С помощью баз данных биологической систематики определить ближайший таксон, объединяющий виды, полученные в результате анализа.

Использовался NCBI Taxonomy Browser.

ближайший таксон - Boreoeutheria