Przywiązanie do miejsca - raport

Szymon Talaga 13.12.2014

Raport przedstawia procedurę skalowania baterii pytań odnoszących się do przywiązania do miejsca. Najpierw sprawdzona zostanie rzetelność ogólnej skali przywiązania do miejsca, zaś potem parametry 3-wymiarowej skali zakładającej nastepujące podskale: miejsce zastane, miejsce odkryte, brak przywiązania. Dokładny opis obu skal można znaleźć w: Lewicka, 2012. Jako, że wszystkie skale zostały już opracowane przez Lewicką, to sprawdzona zostanie tylko rzetelność uzyskana w próbie - analiza struktury (analiza czynnikowa) zostanie pominęta i zamiast tego zostanie przyjęte, że struktura odkryta przez autorkę skali obowiązuje i w tym przypadku. Ma to na celu zapewnienie porównywalności wyników. Procedura skalowania oparta jest o klasyczną teorię testów, zatem najważniejszym kryterium będzie współczynnik zgodności wewnętrznej α -Cronbacha.

Wczytanie niezbędnych pakietów i funckji oraz zbioru danych:

```
library(psych)
library(GPArotation)
library(doBy)

## Loading required package: survival
## Loading required package: splines

library(lattice)

load("../MainData/MainData3.RData")
D.back = D
```

Skala ogólna

Ograniczenie zbioru danych tylko do pytań ze skali ogólnej:

scale and were automatically reversed.

```
D = D[,which(names(D)=="attgen1"):which(names(D)=="attgen9")]
```

Rzetelność:

```
alpha(D)
## Warning in alpha(D): Some items were negatively correlated with total
```

```
##
## Reliability analysis
## Call: alpha(x = D)
##
## raw_alpha std.alpha G6(smc) average_r S/N ase mean sd
## 0.89 0.89 0.89 0.47 7.8 0.022 3.6 0.84
##
```

```
## lower alpha upper
                          95% confidence boundaries
## 0.84 0.89 0.93
##
##
  Reliability if an item is dropped:
##
            raw_alpha std.alpha G6(smc) average_r S/N alpha se
## attgen1
                 0.87
                           0.87
                                   0.87
                                             0.46 6.8
                                                         0.025
## attgen2-
                 0.88
                           0.88
                                   0.88
                                             0.47 7.2
                                                         0.024
## attgen3-
                                             0.49 7.7
                 0.88
                           0.88
                                   0.88
                                                         0.024
## attgen4
                 0.87
                           0.87
                                   0.87
                                             0.45 6.6
                                                         0.025
## attgen5
                 0.88
                           0.88
                                   0.88
                                             0.48 7.4
                                                         0.024
## attgen6
                 0.87
                           0.87
                                   0.87
                                             0.46 6.7
                                                         0.025
## attgen7
                 0.86
                           0.86
                                   0.86
                                             0.44 6.3
                                                         0.026
## attgen8
                 0.87
                           0.87
                                   0.87
                                             0.46 6.7
                                                         0.025
## attgen9
                           0.88
                                   0.88
                                             0.48 7.4
                 0.88
                                                         0.024
##
##
   Item statistics
##
                   r r.cor r.drop mean
              n
## attgen1
           231 0.75
                     0.72
                             0.68
                                   3.6 1.23
## attgen2- 231 0.68 0.63
                             0.59 4.4 0.96
## attgen3- 231 0.62 0.56
                             0.51 3.7 1.23
## attgen4 231 0.79 0.77
                             0.72 3.4 1.38
## attgen5
           231 0.66 0.59
                             0.56 3.0 1.21
## attgen6
           231 0.76 0.73
                             0.69 3.6 1.13
## attgen7
           231 0.84 0.83
                             0.79 3.5 1.23
## attgen8 231 0.76 0.73
                             0.68 3.7 1.07
## attgen9 231 0.66 0.60
                             0.55 3.9 0.97
##
## Non missing response frequency for each item
##
                   2
                        3
## attgen1 0.06 0.15 0.21 0.28 0.31
## attgen2 0.61 0.22 0.12 0.04 0.02
                                       0
## attgen3 0.36 0.26 0.21 0.12 0.06
                                       0
## attgen4 0.13 0.16 0.20 0.22 0.30
## attgen5 0.13 0.23 0.26 0.28 0.11
                                       0
## attgen6 0.05 0.10 0.30 0.29 0.25
                                       0
## attgen7 0.07 0.13 0.24 0.28 0.27
                                       0
## attgen8 0.05 0.09 0.26 0.39 0.23
                                       0
## attgen9 0.03 0.06 0.17 0.47 0.27
```

Jak widać dwie pozycje mają odwrócone skale, co musi zostać poprawione.

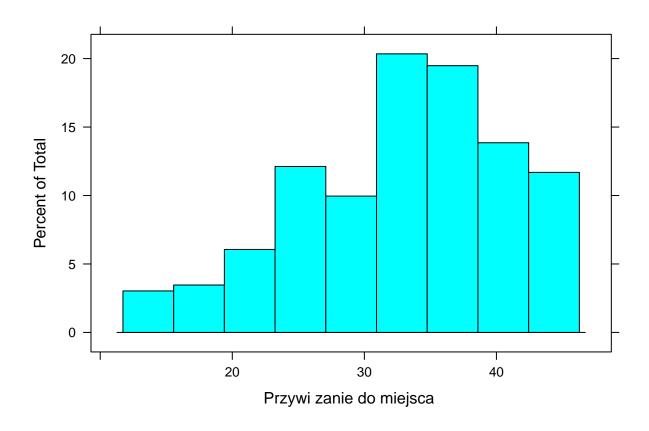
```
for(i in 2:3) D[,i] = recodeVar(D[,i], c(1,2,3,4,5), c(5,4,3,2,1))
alpha(D)
```

```
##
## Reliability analysis
## Call: alpha(x = D)
##
##
     raw_alpha std.alpha G6(smc) average_r S/N
                                                  ase mean
##
         0.89
                   0.89
                           0.89
                                     0.47 7.8 0.022 3.6 0.84
##
## lower alpha upper
                          95% confidence boundaries
## 0.84 0.89 0.93
```

```
##
   Reliability if an item is dropped:
##
           raw_alpha std.alpha G6(smc) average_r S/N alpha se
##
                           0.87
## attgen1
                0.87
                                   0.87
                                             0.46 6.8
                                                          0.025
## attgen2
                0.88
                           0.88
                                   0.88
                                             0.47 7.2
                                                          0.024
## attgen3
                0.88
                           0.88
                                   0.88
                                             0.49 7.7
                                                          0.024
## attgen4
                                   0.87
                                             0.45 6.6
                                                          0.025
                0.87
                           0.87
## attgen5
                0.88
                           0.88
                                   0.88
                                             0.48 7.4
                                                          0.024
## attgen6
                0.87
                           0.87
                                   0.87
                                             0.46 6.7
                                                          0.025
## attgen7
                0.86
                           0.86
                                   0.86
                                             0.44 6.3
                                                          0.026
## attgen8
                0.87
                           0.87
                                   0.87
                                             0.46 6.7
                                                          0.025
## attgen9
                0.88
                           0.88
                                   0.88
                                             0.48 7.4
                                                          0.024
##
##
    Item statistics
##
             n
                  r r.cor r.drop mean
## attgen1 231 0.75
                     0.72
                             0.68
                                   3.6 1.23
                             0.59
## attgen2 231 0.68
                     0.63
                                  4.4 0.96
## attgen3 231 0.62
                     0.56
                             0.51
                                  3.7 1.23
## attgen4 231 0.79
                             0.72 3.4 1.38
                     0.77
## attgen5 231 0.66
                     0.59
                             0.56
                                  3.0 1.21
## attgen6 231 0.76
                     0.73
                             0.69
                                  3.6 1.13
## attgen7 231 0.84
                     0.83
                             0.79
                                  3.5 1.23
## attgen8 231 0.76
                     0.73
                             0.68
                                  3.7 1.07
## attgen9 231 0.66 0.60
                             0.55 3.9 0.97
##
## Non missing response frequency for each item
##
                   2
                              4
              1
                        3
## attgen1 0.06 0.15 0.21 0.28 0.31
                                        0
## attgen2 0.02 0.04 0.12 0.22 0.61
                                        0
## attgen3 0.06 0.12 0.21 0.26 0.36
                                        0
## attgen4 0.13 0.16 0.20 0.22 0.30
                                        0
## attgen5 0.13 0.23 0.26 0.28 0.11
                                        0
## attgen6 0.05 0.10 0.30 0.29 0.25
                                        0
## attgen7 0.07 0.13 0.24 0.28 0.27
                                        0
## attgen8 0.05 0.09 0.26 0.39 0.23
                                        0
## attgen9 0.03 0.06 0.17 0.47 0.27
                                        0
```

Teraz skale odpowiedzi są poprawne. Jak widać skala osiąga bardzo wysoką rzetelność: $\alpha = 0.89$. Może być zatem użyta bez przeszkód w dalszych analizach.

Rozkład wyników skali:



Przywiązanie do miejsca - skala 3-wymiarowa

Teraz zostanie przedstawiona procedura skalowania skali 3-wymiarowej. Najpierw zbadana zostanie rzetelność wymiaru "miejsce zastane".

Miejsce zastane

```
D = D.back[,which(names(D.back)=="attmult1"):which(names(D.back)=="attmult18")]
place.given = names(D)[c(5,10,11,15,8,7)]
D.place.given = D[, place.given]
alpha(D.place.given)
## Warning in alpha(D.place.given): Some items were negatively correlated
## with total scale and were automatically reversed.
##
## Reliability analysis
## Call: alpha(x = D.place.given)
##
     raw_alpha std.alpha G6(smc) average_r S/N
##
                                                  ase mean
##
         0.59
                    0.6
                           0.64
                                      0.2 1.5 0.055 2.2 0.71
##
   lower alpha upper
                          95% confidence boundaries
## 0.48 0.59 0.7
##
##
   Reliability if an item is dropped:
              raw_alpha std.alpha G6(smc) average_r S/N alpha se
                             0.47
                   0.47
                                     0.48
                                               0.15 0.87
                                                             0.068
## attmult5
```

```
0.48
                             0.48
                                     0.50
                                               0.16 0.94
                                                            0.068
## attmult10
## attmult11-
                   0.63
                             0.64
                                     0.65
                                               0.26 1.79
                                                            0.055
                   0.57
                             0.58
                                     0.62
                                                            0.060
## attmult15
                                               0.21 1.36
## attmult8
                   0.51
                                     0.57
                                               0.19 1.14
                                                            0.065
                             0.53
## attmult7
                   0.57
                             0.58
                                     0.64
                                               0.22 1.38
                                                            0.060
##
##
   Item statistics
##
                n
                     r r.cor r.drop mean
## attmult5
              231 0.72 0.72
                               0.50 2.2 1.14
## attmult10 231 0.69
                        0.67
                               0.47 2.2 1.23
## attmult11- 231 0.38
                        0.18
                               0.13 2.4 1.37
## attmult15 231 0.53
                               0.24 2.0 1.12
                        0.37
                               0.40 2.8 1.50
## attmult8
              231 0.61
                        0.50
## attmult7
              231 0.52 0.32
                               0.26 1.8 0.97
##
## Non missing response frequency for each item
##
                     2
                          3
                               4
                                    5 miss
                1
## attmult5 0.30 0.38 0.16 0.11 0.05
## attmult10 0.37 0.30 0.15 0.11 0.06
## attmult11 0.12 0.12 0.19 0.23 0.34
## attmult15 0.42 0.29 0.16 0.11 0.03
## attmult8 0.29 0.18 0.17 0.17 0.19
## attmult7  0.52  0.28  0.13  0.05  0.02
```

Pozycja attmult11 musi zostać odwrócona.

```
D.place.given[,"attmult11"] = recodeVar(D[,"attmult11"], c(1,2,3,4,5), c(5,4,3,2,1))
alpha(D.place.given)
```

```
##
## Reliability analysis
## Call: alpha(x = D.place.given)
##
##
    raw_alpha std.alpha G6(smc) average_r S/N
                                                            sd
                                                 ase mean
##
         0.59
                    0.6
                           0.64
                                      0.2 1.5 0.055 2.2 0.71
##
## lower alpha upper
                          95% confidence boundaries
## 0.48 0.59 0.7
##
##
  Reliability if an item is dropped:
##
             raw_alpha std.alpha G6(smc) average_r S/N alpha se
## attmult5
                  0.47
                            0.47
                                    0.48
                                              0.15 0.87
                                                           0.068
## attmult10
                  0.48
                            0.48
                                    0.50
                                              0.16 0.94
                                                           0.068
                                              0.26 1.79
                  0.63
                            0.64
                                    0.65
                                                           0.055
## attmult11
## attmult15
                  0.57
                            0.58
                                    0.62
                                              0.21 1.36
                                                           0.060
## attmult8
                            0.53
                                    0.57
                                              0.19 1.14
                                                           0.065
                  0.51
## attmult7
                  0.57
                            0.58
                                    0.64
                                              0.22 1.38
                                                           0.060
##
## Item statistics
##
                    r r.cor r.drop mean
## attmult5 231 0.72 0.72
                              0.50
                                    2.2 1.14
                              0.47 2.2 1.23
## attmult10 231 0.69 0.67
## attmult11 231 0.38 0.18
                              0.13 2.4 1.37
```

```
## attmult15 231 0.53 0.37
                             0.24
                                   2.0 1.12
## attmult8 231 0.61 0.50
                             0.40
                                   2.8 1.50
## attmult7 231 0.52 0.32
                             0.26 1.8 0.97
##
## Non missing response frequency for each item
##
                1
                     2
                          3
## attmult5 0.30 0.38 0.16 0.11 0.05
## attmult10 0.37 0.30 0.15 0.11 0.06
## attmult11 0.34 0.23 0.19 0.12 0.12
## attmult15 0.42 0.29 0.16 0.11 0.03
## attmult8 0.29 0.18 0.17 0.17 0.19
## attmult7 0.52 0.28 0.13 0.05 0.02
```

Jak widać skala ma bardzo kiepską rzetelność. Zachodzi zatem ryzyko, że struktura czynnikowa skali w próbie może być inna. Najpierw jednak trzeba sprawdzić poziom rzetelności dwóch pozostałych skal.

Miejsce odkryte

Rzetelność tej skali sprawdzona w ten sam sposób, czyli w oparciu o współczynnik α -Cronabacha:

```
place.discovered = names(D)[c(16,6,3,9,14,4)]
D.place.discovered = D[, place.discovered]
alpha(D.place.discovered)
```

```
##
## Reliability analysis
## Call: alpha(x = D.place.discovered)
##
##
    raw alpha std.alpha G6(smc) average r S/N
                                                 ase mean sd
##
         0.77
                   0.78
                           0.76
                                     0.37 3.6 0.039 3.4 0.8
##
   lower alpha upper
                          95% confidence boundaries
##
## 0.7 0.77 0.85
##
##
   Reliability if an item is dropped:
##
             raw_alpha std.alpha G6(smc) average_r S/N alpha se
## attmult16
                  0.73
                            0.74
                                    0.71
                                              0.36 2.9
                                                           0.047
                  0.71
                            0.72
                                              0.34 2.6
## attmult6
                                    0.68
                                                           0.049
                  0.78
                            0.78
                                    0.75
                                              0.42 3.6
                                                           0.043
## attmult3
## attmult9
                  0.73
                            0.74
                                    0.70
                                              0.36 2.8
                                                           0.048
## attmult14
                  0.73
                            0.74
                                    0.70
                                              0.36 2.8
                                                           0.047
## attmult4
                  0.75
                            0.76
                                    0.73
                                              0.39 3.2
                                                           0.045
##
   Item statistics
##
               n
                    r r.cor r.drop mean sd
## attmult16 231 0.71
                      0.63
                              0.54 3.9 1.1
## attmult6 231 0.77
                      0.72
                              0.63 3.8 1.1
## attmult3 231 0.57 0.42
                              0.38
                                    2.5 1.3
## attmult9 231 0.73 0.66
                              0.57
                                    3.8 1.1
## attmult14 231 0.72 0.65
                              0.56
                                    3.8 1.1
## attmult4 231 0.65 0.53
                              0.47 2.7 1.3
##
## Non missing response frequency for each item
##
                1
                     2
                          3
                               4
                                    5 miss
```

```
## attmult16 0.05 0.07 0.17 0.38 0.33 0
## attmult6 0.03 0.13 0.14 0.39 0.31 0
## attmult3 0.31 0.23 0.17 0.21 0.08 0
## attmult9 0.04 0.10 0.18 0.39 0.29 0
## attmult14 0.04 0.09 0.14 0.48 0.25 0
## attmult4 0.20 0.31 0.16 0.24 0.09 0
```

Jak widać ta skala osiągnęła satysfakcjonujący poziom rzetelności: $\alpha=0,77$. Sugeruje to zatem, że struktura czynnikowa narzędzia jest właściwa.

Brak przywiązania

Rzetelność:

```
no.attachment = names(D)[c(1,17,13,12,18,2)]
D.no.attachment = D[, no.attachment]
alpha(D.no.attachment)
```

```
##
## Reliability analysis
## Call: alpha(x = D.no.attachment)
##
##
    raw_alpha std.alpha G6(smc) average_r S/N ase mean
##
         0.76
                   0.76
                           0.75
                                     0.35 3.2 0.04 2.9 0.77
##
##
   lower alpha upper
                          95% confidence boundaries
## 0.69 0.76 0.84
##
   Reliability if an item is dropped:
##
##
             raw_alpha std.alpha G6(smc) average_r S/N alpha se
## attmult1
                  0.76
                            0.76
                                    0.74
                                              0.38 3.1
                                                           0.044
                  0.74
                            0.73
                                    0.71
                                              0.36 2.8
                                                           0.046
## attmult17
## attmult13
                  0.74
                            0.74
                                    0.73
                                              0.36 2.8
                                                           0.046
                                              0.30 2.2
## attmult12
                  0.69
                            0.69
                                    0.66
                                                           0.051
## attmult18
                  0.71
                            0.71
                                    0.68
                                              0.33 2.5
                                                           0.049
                            0.73
                                    0.70
                                              0.35 2.7
                                                           0.047
## attmult2
                  0.73
##
##
   Item statistics
##
                    r r.cor r.drop mean sd
               n
## attmult1 231 0.59 0.44
                              0.39
                                    3.0 1.1
## attmult17 231 0.66 0.56
                              0.48 1.9 1.0
## attmult13 231 0.64 0.52
                              0.46
                                    2.5 1.0
## attmult12 231 0.78 0.75
                              0.65
                                    2.6 1.2
## attmult18 231 0.72 0.66
                              0.56 3.6 1.2
## attmult2 231 0.67 0.59
                              0.50 3.6 1.2
##
## Non missing response frequency for each item
                1
                     2
                          3
                               4
## attmult1 0.08 0.28 0.30 0.23 0.10
## attmult17 0.41 0.35 0.14 0.06 0.03
                                         0
## attmult13 0.17 0.37 0.30 0.11 0.04
## attmult12 0.22 0.26 0.25 0.19 0.07
## attmult18 0.08 0.13 0.18 0.32 0.29
                                         0
## attmult2 0.06 0.15 0.20 0.38 0.22
```

Ta skala również ma zadowoalającą rzetelność: $\alpha = 0.76$. Oznacza to, że problemem w przypadku pierwszej skali nie jest nieodpowiednia względem próby struktura czynnikowa narzędzia, ale po prostu niedopasowanie niektórych pytań do jej specyfiki.

Miejsce zastane - poprawa

Kolejno sprawdzane było, które pozycje mogą zostać usunięte w celu poprawienia rzetelności całej skali. W ten sposób pozbyto się pozycji attmult11, attmult8, attmult7 i attmult15. Pozostały zatem jedynie pozycje attmult5 i attmult10. Rzut oka na treści pytań zdaje się potwierdzać słuszność tego podejścia - wszystkie odrzucone pozycje brzmią dosyć anachronicznie względem badanej tu próby, co sprawia, że udzielane na nie odpowiedzi mogą być w małym związku z rzeczywistym natężeniem przywiązania u osoby badanej, co w oczywisty sposób obniża rzetelność całej skali.

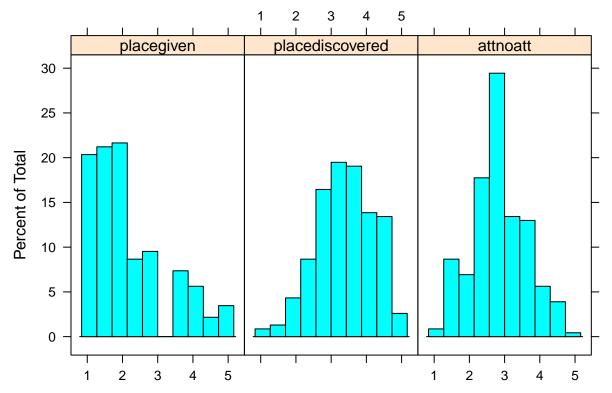
Rzetelność po usunięciu pozycji:

```
##
## Reliability analysis
  Call: alpha(x = D.place.given)
##
##
     raw_alpha std.alpha G6(smc) average_r S/N
                                                   ase mean sd
##
          0.8
                    0.8
                            0.66
                                      0.66
                                              4 0.089
                                                       2.2 1.1
##
##
    lower alpha upper
                           95% confidence boundaries
## 0.62 0.8 0.97
##
##
    Reliability if an item is dropped:
             raw_alpha std.alpha G6(smc) average_r S/N alpha se
##
                  0.66
                             0.66
## attmult5
                                     0.44
                                                0.66
                                                     NA
                                                               NA
  attmult10
                  0.66
                             0.66
                                     0.44
##
                                                0.66 NA
                                                               NA
##
##
    Item statistics
##
               n
                    r r.cor r.drop mean sd
## attmult5 231 0.91 0.74
                               0.66
                                     2.2 1.1
  attmult10 231 0.91 0.74
                               0.66
##
## Non missing response frequency for each item
##
                      2
                           3
                                4
                1
## attmult5  0.30  0.38  0.16  0.11  0.05
## attmult10 0.37 0.30 0.15 0.11 0.06
                                          0
```

Jak widać po tych zabiegach podskala 'miejsce zastane' osiągnęła zdecydowania zadowalającą rzetelność: $\alpha = 0.80$. Wartość współczynnika jest zbliżona do rzetelności dla pozostałych skal oraz wyników oryginalnie otrzymanych przez Lewicką (2012).

Rozkłady skal:

```
D.back$attgen = attgen
D.back$placegiven = apply(D.place.given, 1, mean)
D.back$placediscovered = apply(D.place.discovered, 1, mean)
D.back$attnoatt = apply(D.no.attachment, 1, mean)
histogram(~placegiven+placediscovered+attnoatt, data=D.back, xlab="")
```



Oznacza to zatem, że wszystkie skale przywiązania są wystarczająca dobrej jakości oraz ich struktury czynnikowe są zgodne z oryginalnymi wynikami. Jedyną różnicą była konieczność ograniczenia zbioru pytań dla skali 'miejsce zastane' w celu dopasowania narzędzia do specyfiki badanej próby. Skale mogą być zatem użyte w dalszych analizach, przy czym najlepiej opierać się na skali ogólnej, która ma bardzo mały błąd pomiaru.

Koniec raportu