

Base R

Cheat Sheet

사용법 도움받기

매뉴얼 보기

?mean

특정 함수에 대한 도움 받기

help.search('weighted mean')

특정 단어나 문구에 대한 사용법 찾기

help(package = 'dplyr')

패키지 사용법 찾기

오브젝트 정보 더보기

str(iris)

오브젝트의 구조에 대한 요약 보기

class(iris)

오브젝트가 소속된 클래스 찾기

패키지 사용하기

install.packages('dplyr')

CRAN에서 패키지를 다운로드하고 설치

library(dplyr)

세션에 패키지 불러오기

dplyr::select

패키지에서 특정 함수 사용

data(iris)

내장 데이터셋을 environment에 불러오기

작업 디렉토리

getwd()

현재 작업 디렉토리 찾기

setwd('C://file/path')

현재 작업 디렉토리 변경

RStudio의 project를 사용해 작업 디렉토리를 현재 폴더로 변경할 수 있음

벡터

벡터 생성하기

c(2, 4, 6)	2 4 6	주어진 원소를 가지는 벡터 생성
2:6	2 3 4 5 6	정수 수열
seq(2, 3, by=0.5)	2.0 2.5 3.0	복잡한 수열
rep(1:2, times=3)	1 2 1 2 1 2	벡터 반복
rep(1:2, each=3)	1 1 1 2 2 2	벡터의 원소 반복

벡터 함수

sort(x) rev(x)
x 정렬해서 반환 x 뒤집어서 반환

table(x) unique(x)
값들의 개수 보기. 값들의 종류 보기.

벡터 원소 선택

위치로 선택

x[4] 네번째 원소
x[-4] 네번째 빼고 전부
x[2:4] 두번째부터 네번째까지
x[-(2:4)] 두번째부터 네번째까지 빼고 전부

x[c(1, 5)] 첫번째와 다섯번째 원소

값으로 선택

x[x == 10] 값이 10인 원소
x[which(x==10)] 값이 10인 원소
x[x < 0] 0보다 작은 모든 원소
x[x%in%c(1, 2, 5)] {1, 2, 5}에 속한 원소

이름으로 선택

x['apple'] 이름이 'apple'인 원소.

프로그래밍

For문

```
for (variable in sequence) {  
  Do something  
}
```

예시

```
for (i in 1:4) {  
  j <- i + 10  
  print(j)  
}
```

If문

```
if (condition) {  
  Do something  
} else {  
  Do something  
}
```

예시

```
if (i > 3) {  
  print('Yes')  
} else {  
  print('No')  
}
```

While문

```
while (condition) {  
  Do something  
}
```

예시

```
while (i < 5) {  
  print(i)  
  i <- i + 1  
}
```

함수

```
func_name <- function(var) {  
  Do something  
  return(new_variable)  
}
```

예시

```
square <- function(x) {  
  squared <- x*x  
  return(squared)  
}
```

데이터 입출력

입력	출력	설명
df <- read.table('file.txt')	write.table(df, 'file.txt')	구분 문자로 분리된 텍스트 파일 입출력
df <- read.csv('file.csv')	write.csv(df, 'file.csv')	csv 파일 입출력 (read.table/write.table의 특수한 경우)
load('file.RData')	save(df, file = 'file.RData')	R 데이터 파일 입출력

readr 패키지 참조

관계 연산자

a == b	같다	a > b	크다 (초과)	a >= b	크거나 같다 (이상)	is.na(a)	값이 없다
a != b	같지 않다	a < b	작다 (미만)	a <= b	작거나 같다 (이하)	is.null(a)	값이 null

자료형

자주 쓰는 자료형간의 변환. 표 아래쪽의 값에서 위쪽의 값으로는 항상 변환 가능하다.

as.logical	TRUE, FALSE, TRUE	Boolean 값 (참 아니면 거짓)
as.numeric	1, 0, 1	정수나 실수
as.character	'1', '0', '1'	문자열. 팩터에서 자주 사용함
as.factor	'1', '0', '1' levels: '1', '0'	level이 정해진 문자열. 몇몇 통계모델에 필요함

수학 함수

log(x)	자연로그	sum(x)	합
exp(x)	지수함수	mean(x)	평균
max(x)	최댓값	median(x)	중앙값
min(x)	최솟값	quantile(x)	사분위수
(x, n)	소수점 n째자리까지 반올림	rank(x)	원소의 큰 순서
(x, n)	유효숫자 n자리	var(x)	분산
(x, y)	상관계수	sd(x)	표준편차.

변수 할당

```
> a <- 'apple'
> a
[1] 'apple'
```

Environment


ls() environment의 모든 변수 나열
rm(x) environment에서 x 제거
rm(list = ls()) environment에서 모든 변수 제거
RStudio의 environment 패널로 environment의 변수들을 볼 수 있음

리스트

```
l <- list(x = 1:5, y = c('a', 'b'))
리스트는 자료형에 상관없이 여러 개의 원소를 가지는 집합
```

<code>l[[2]]</code> l의 두번째 원소	<code>l[1]</code> 첫 번째 원소만 있는 새 리스트	<code>l\$x</code> x라는 이름의 원소	<code>l['y']</code> y라는 이름의 원소만 있는 새 리스트.
----------------------------------	--	---------------------------------	--

행렬

 <code>m[2,]</code> - 열 선택	<code>t(m)</code> 전치
 <code>m[, 1]</code> - 행 선택	<code>m %*% n</code> 행렬곱
 <code>m[2, 3]</code> - 원소 선택	<code>solve(m, n)</code> <code>m*x = n</code> 의 해 찾기

데이터프레임

dplyr 패키지 참조

```
df <- data.frame(x = 1:3, y = c('a', 'b', 'c'))
모든 원소의 길이가 같은 리스트의 특수한 케이스
```

x	y
1	a
2	b
3	c

리스트로 자르기

<code>df\$x</code>	<code>df[[2]]</code>
--------------------	----------------------

데이터프레임 파악하기

`view(df)` 전체 데이터프레임 보기
`head(df)` 첫 6열까지만 보기

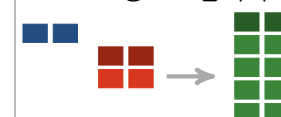
행렬로 자르기

<code>df[, 2]</code>	<code>nrow(df)</code> 열 개수
<code>df[2,]</code>	<code>ncol(df)</code> 행 개수
<code>df[2, 2]</code>	<code>dim(df)</code> 행과 열의 개수

cbind - 열로 합치기



rbind - 행으로 합치기



문자열

stringr 패키지 참조

<code>paste(x, y, sep = '')</code>	여러 개의 벡터 합치기
<code>paste(x, collapse = '')</code>	벡터의 원소들 합치기
<code>grep(pattern, x)</code>	x에서 정규 표현식으로 찾기
<code>gsub(pattern, replace, x)</code>	x에서 해당하는 항목 대체하기
<code>toupper(x)</code>	대문자화하기
<code>tolower(x)</code>	소문자화하기
<code>nchar(x)</code>	문자열 길이

팩터

factor(x) 벡터를 팩터로 바꾸기. 팩터의 level과 order 설정 가능	cut(x, breaks = 4) 수로 이루어진 벡터를 잘라서 팩터로 만들기
--	--

통계




lm(y ~ x, data=df) 선형모형	t.test(x, y) t-검정	prop.test 비율검정
glm(y ~ x, data=df) 일반화 선형모형	pairwise.t.test 짝지어진 데이터에 대한 t-검정	aov 분산 분석 (ANOVA)
summary 모델에서 더 자세한 정보 불러오기.		

분포

	난수	확률밀도함수	누적분포함수	분위수
정규분포	rnorm	dnorm	pnorm	qnorm
푸아송 분포	rpois	dpois	ppois	qpois
이항분포	rbinom	dbinom	pbinom	qbinom
균등분포	runif	dunif	punif	qunif

플로팅

ggplot2 패키지 참조

 plot(x) x의 값 (순서대로)	 plot(x, y) x에 대한 y의 값	 hist(x) x의 히스토그램.
---	---	---

날짜

lubridate 패키지 참조