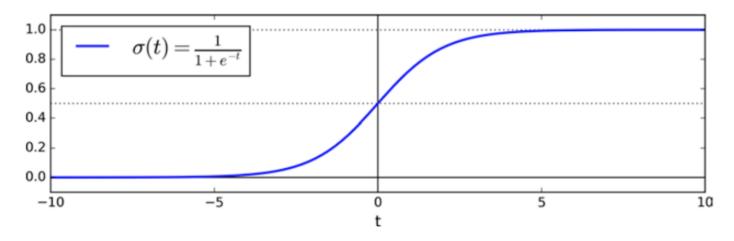
- 로지스틱 회귀 (Logistic Regression)
  - 선형 회귀 모형을 '분류'에 적용한 기법
  - 데이터가 특정 레이블(클래스)에 소속될 확률을 추정한다.
     예1) 이 이메일이 스팸일 확률은 얼마인가?
     예2) 이번 시험에서 합격할 확률은 얼마인가?
  - 다른 선형 회귀 모형과는 다르게, 종속변수가 수치형 (numerical)이 아니라 범주형(categorical)이다.
     예1) 스팸메일, 정상메일
    - 예2) 합격, 불합격
  - 특정 클래스에 대해서 추정된 확률이 50% 이상이면 해당 데이터를 그 클래스에 속하는 것으로 분류한다.

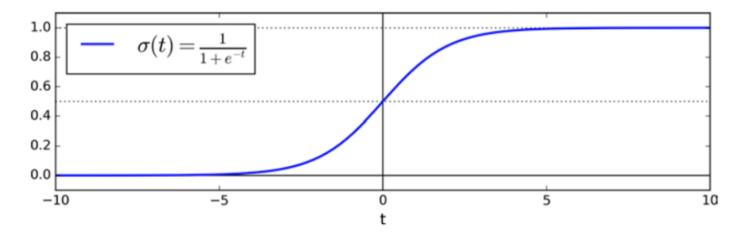
- 로지스틱 회귀
  - 기본적인 로지스틱 회귀는 이항형(binomial)으로서, 종속 변수의 값의 종류는 0과 1의 두 종류 뿐이다.
    - 즉, 이 경우의 종속변수는 곧 클래스 그 자체이다.
    - 값이 0이면 음성, 1이면 양성이라고 표현할 수 있다.
  - 이러한 이진 데이터에 대해서 올바른 결과를 나타내는 선형 회귀를 수행하려면 다음과 같은 성질이 필요하다.
    - 연속적인 단조 증가(monotone increasing) 함수일 것
    - 함수의 결과가 [0, 1] 사이의 값일 것
  - 이와 같은 성질을 만족하는 함수를 시그모이드(sigmoid) 함수라고 한다.

- 시그모이드 함수와 확률 추정
  - 시그모이드 함수 (로지스틱 함수)



- 예측값 t가 시그모이드 함수에 전달되면 결과 값  $\sigma$ (t)가 계산되며, 이 값은 추정된 확률 p이다. (0 ≤ p ≤ 1)

- 시그모이드 함수와 확률 추정
  - 시그모이드 함수 (로지스틱 함수)



- 추정된 확률 p의 값이 0.5 이상이면 결과를 1으로 분류하고
   p의 값이 0.5 미만이면 0으로 분류한다.
- 즉, t  $\geq$  0 이면 결과는 양성, t < 0 이면 결과는 음성이다.

- 데이터 선정 및 분포 정보 확인
  - 붓꽃 데이터를 불러와서 정보를 확인한다.

```
import sklearn.datasets as d
iris = d.load_iris()
print(iris.DESCR)
```

\*\*Data Set Characteristics:\*\*

```
:Number of Instances: 150 (50 in each of three classes)
```

:Number of Attributes: 4 numeric, predictive attributes and the class

:Attribute Information:

- sepal length in cm
- sepal width in cm
- petal length in cm
- petal width in cm
- class:
  - Iris-Setosa
  - Iris-Versicolour
  - Iris-Virginica

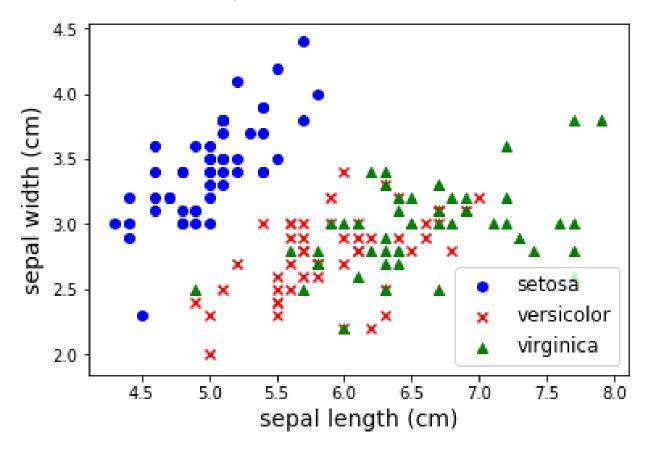
여기에서는 결과의 일부만 보였다.

- 데이터 선정 및 분포 정보 확인
  - 붓꽃 데이터를 불러와서 정보를 확인한다.

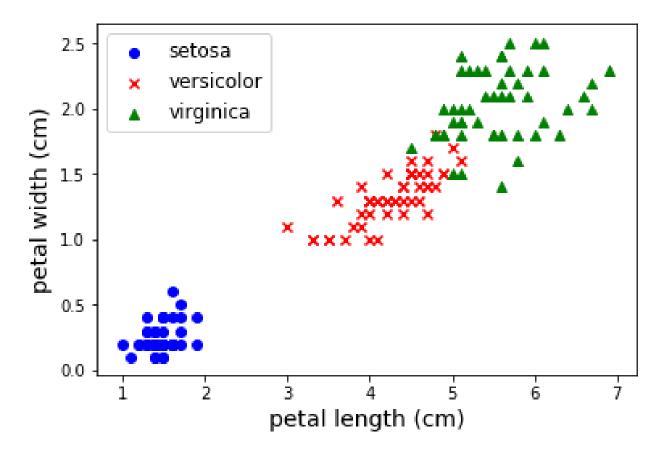
- 데이터 선정 및 분포 정보 확인
  - 꽃받침의 길이와 너비 컬럼을 선택하여 산점도를 그린다.

```
import matplotlib.pyplot as plt
    c_set = ["blue", "red", "green"]
    m_set = ["o", "x", "^"]
5
   || set = iris.target names
6
   X = iris.data
8
   Y = iris.target
9
10
    for t in set(Y):
        X_{pts} = [X[i, 0] \text{ for } i \text{ in } range(Ien(Y)) \text{ if } Y[i] == t]
        Y_pts = [X[i, 1] for i in range(len(Y)) if Y[i] == t]
        plt.scatter(X pts. Y pts. color=c set[t], marker=m set[t], label=l set[t])
13.
14
    plt.xlabel(iris.feature_names[0], fontsize=14)
    plt.ylabel(iris.feature_names[1], fontsize=14)
16.
    plt.legend(loc='best', fontsize=12)
```

- 데이터 선정 및 분포 정보 확인
  - 산점도를 바탕으로, 각 클래스 분포를 확인한다.



- 데이터 선정 및 분포 정보 확인
  - 동일한 방식으로 꽃잎의 길이와 너비 컬럼에 대해 산점도를 그려서 각 클래스 분포를 확인한다.



- 사이킷런으로 로지스틱 회귀 수행
  - 데이터를 학습용과 검증용으로 분리한다.

```
import sklearn.model_selection as ms

X_ptls = X[:, 2:4]
Y_vgnc = (Y == 2).astype(np.int)

X_train, X_test, y_train, y_test = #
ms.train_test_split(X_ptls, Y_vgnc, test_size=0.3, random_state=42)
```

```
1 y_train[0:3,]
```

11

- 사이킷런으로 로지스틱 회귀 수행
  - linear\_model 모듈에 있는 LogisticRegression을 이용하여 로지스틱 회귀를 수행한다.
    - 매개변수 solver는 회귀를 수행할 알고리즘의 이름이다. 기본값은 'liblinear'이다.

```
import sklearn.linear_model as Im
logr = Im.LogisticRegression(solver="liblinear")
reg = logr.fit(X_train, y_train)
```

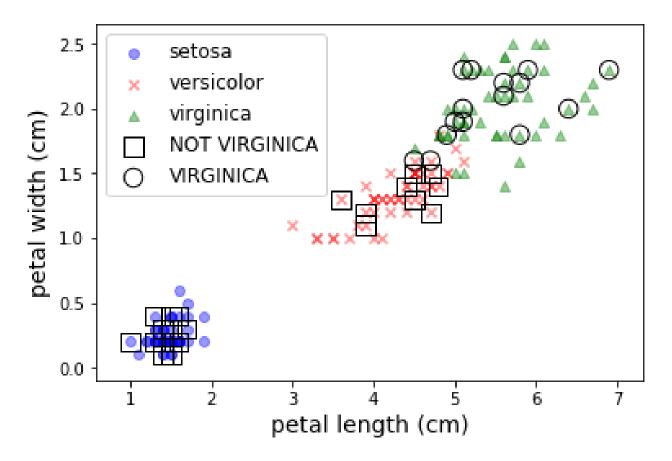
※ 매개변수 solver의 기본값이 추후 사이킷런 0.22 버전에서 'lbfgs'로 변경될 예정이다.

- 사이킷런으로 로지스틱 회귀 수행
  - 검증 데이터로 예측을 수행한 뒤, metrics 모듈에 있는 accuracy\_score 함수를 이용하여 정확도를 계산한다.
    - 이 때 첫 번째 매개변수는 검증 데이터의 클래스 실제값 이고, 두 번째 매개변수는 클래스 예측값이다.

```
1 import sklearn.metrics as mt
2
3 y_pred = reg.predict(X_test)
4
5 accuracy = mt.accuracy_score(y_test, y_pred)
6 print("예측 정확도:", round(accuracy, 3))
```

예측 정확도: 0.956

- 사이킷런으로 로지스틱 회귀 수행
  - 검증 데이터의 예측 결과에 대한 분포를 확인한다.



- 로지스틱 회귀의 특징
  - 분석 기법의 이름 자체에 '회귀'라는 단어가 들어가 있지만
     다른 회귀 모형의 목적과 다르게 '분류'를 수행한다.
  - 즉, 로지스틱 회귀 모형은 분류기(classifier)이다.
  - 로지스틱 회귀의 기본 형태는 이진 분류이며, 예측 성능도 일반적으로 우수한 편이다.
  - 실행 알고리즘을 다른 것으로 변경하여 다중 클래스들의 분류를 수행할 수 있다.

- 다중 클래스 분류를 위한 로지스틱 회귀
  - 다중 클래스들에 대한 분류를 수행하는 회귀 모형을 다항 (multinomial) 로지스틱 회귀 또는 소프트맥스(softmax) 회귀라고 한다.
  - 소프트맥스 회귀를 수행하려면 LogisticRegression의 매개 변수 multi\_class를 'multinomial'로, 매개변수 solver를 'lbfgs'로 지정해 준다.

```
import sklearn.linear_model as Im

smr = Im.LogisticRegression(multi_class="multinomial", \\
solver="lbfgs")
reg = smr.fit(X_train, y_train)
```