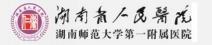




- 1 循证医学相关基础知识
- 2 纳入研究偏倚风险评估
- 3 效应量合并
- 4 RevMan对写作的规范





1.1 循证医学基础



- □ 什么是系统评价?
- □ 系统评价与Meta分析的区别?
- □ 系统评价与综述的差别

菊明翩魎原则体系

1.2 系统评价可以研究的临床问题





1.3 系统评价分析步骤

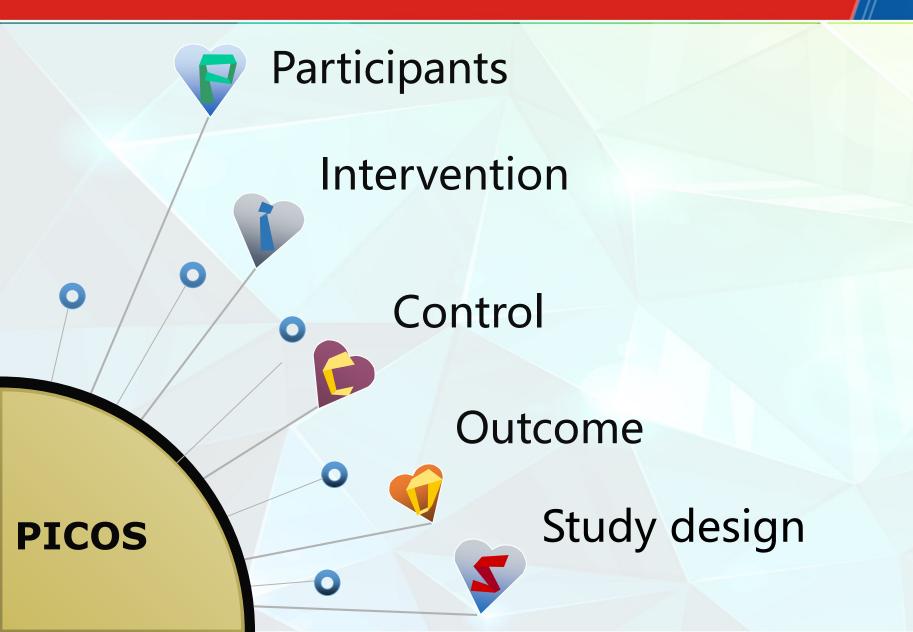




1.4 系统评价分析步骤——提出问题



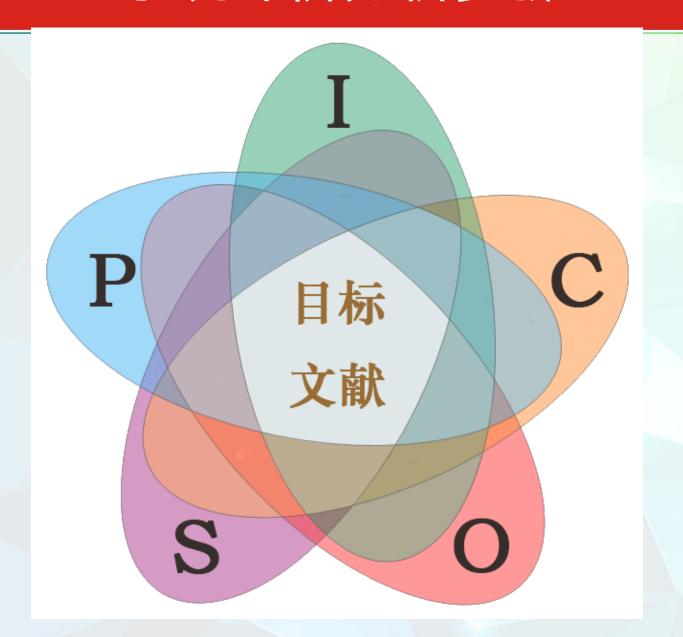




1.5 系统评价分析步骤—

一文献检索





01 准确度

02 精密度

- □ SIGN高敏感性检索策略
- 」 Cochrane 高敏感性检索策略
- □ McMaster U高敏感性滤器

1.6 系统评价分析步骤——选择与提取







数据提取

- 制定纳入标准、排除标准;
- 研究选择人员;

- Excel表格, Epidata, Access数据库设计表格进行数据提取;
- 收集研究来源(研究ID、报告ID、评价者ID、文献出处);
- 合格性(是否符合纳入标准,排除原因)
- 研究方法(研究设计、时间、序列产生、盲法、隐蔽分组、其他偏倚);
- 研究对象(总数、人口学特征、干预分组、措施);
- 研究结局指标(连续资料、二分类资料、时间事件,等级资料);
- 研究结果(结局的样本量、退出的研究对象、二分类数据表格、效应量、 P、亚组分析);
- 其他; (资金来源、关键结论、作者注释、通讯联系)

1.7 系统评价分析步骤——重点探讨





步骤五

纳入研究 偏倚评估))

步骤六

数据合成

步骤七

解释结果



2.1Meta分析常用软件





R





Revman

R

Stata

CMA

易用性

易用性



易用性



易用性



费用

免费

费用

开源免费

费用

商业

费用

商业

2.2 RevMan软件下载与安装



□下载安装文件

 https://community.cochrane.org/help/tools-and-software/revman-5/revman-5-download

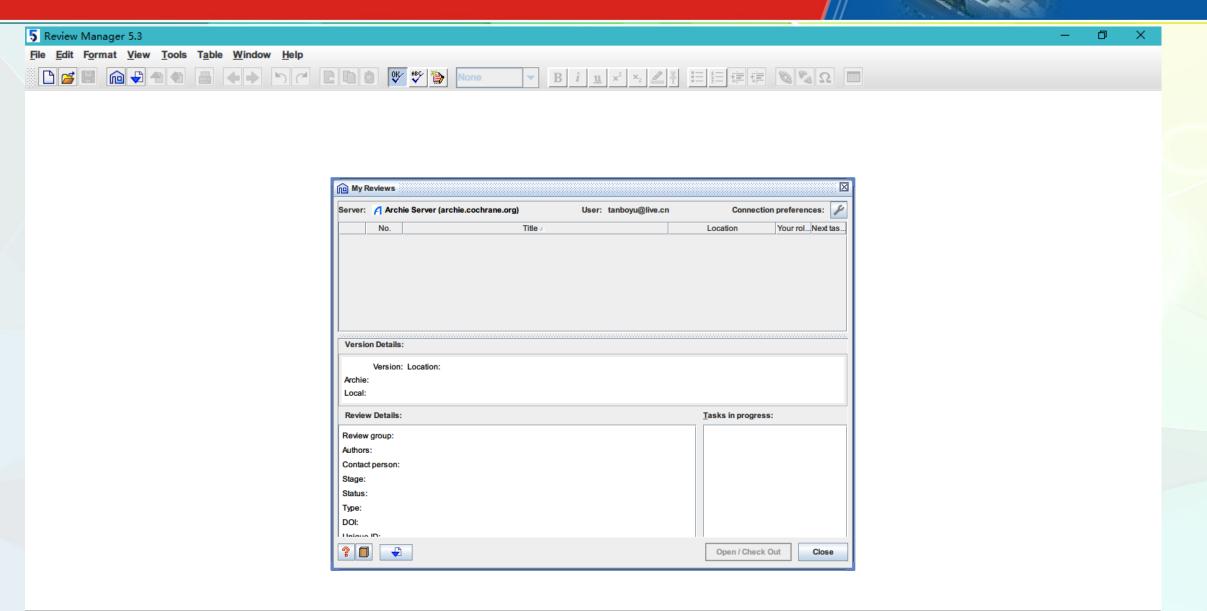
Windows	Linux	Mac OS X
Download 32 bit version - will work on all Windows machines Download 64 bit version - will only work on 64 bit Windows machines 注:需要安装 Java7	Download	Download Java 8 version for OS X 10.13 (High Sierra) and higher with bundled Java 8 Download Java 7 version for OS X 10.7.2 (Lion) and higher with bundled Java 7 *** Download Java 6 version for OS X 10.5 (Leopard) on Intel CPU or 10.6 (Snow Leopard)



2.2 RevMan软件界面

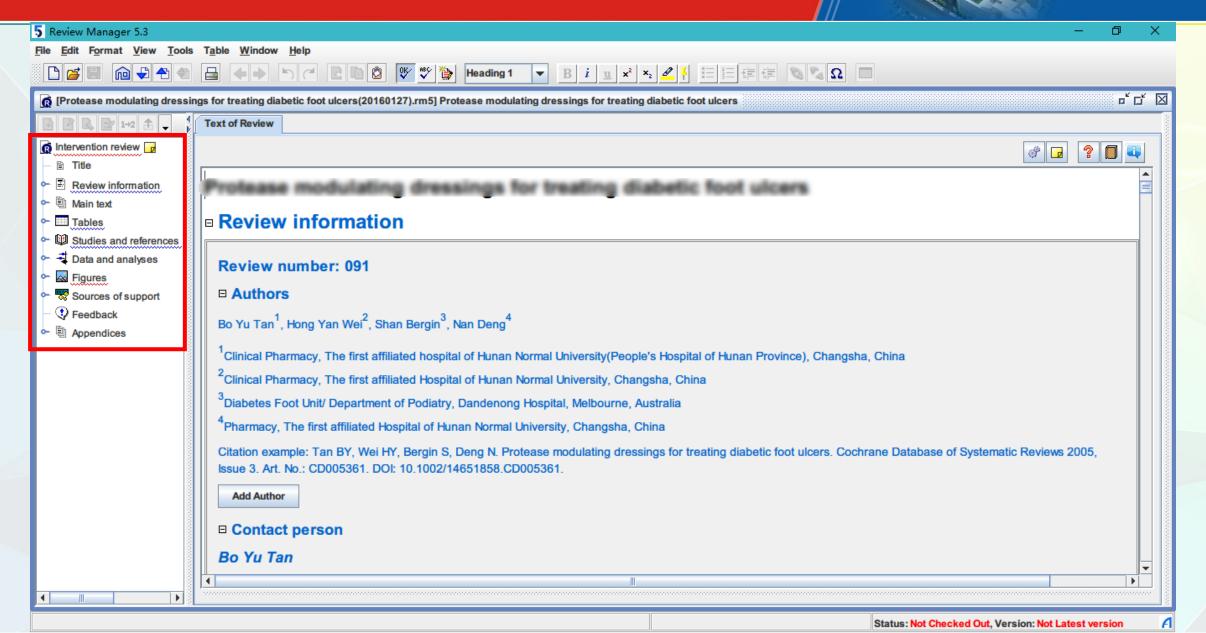


Status: Online, Version: Online



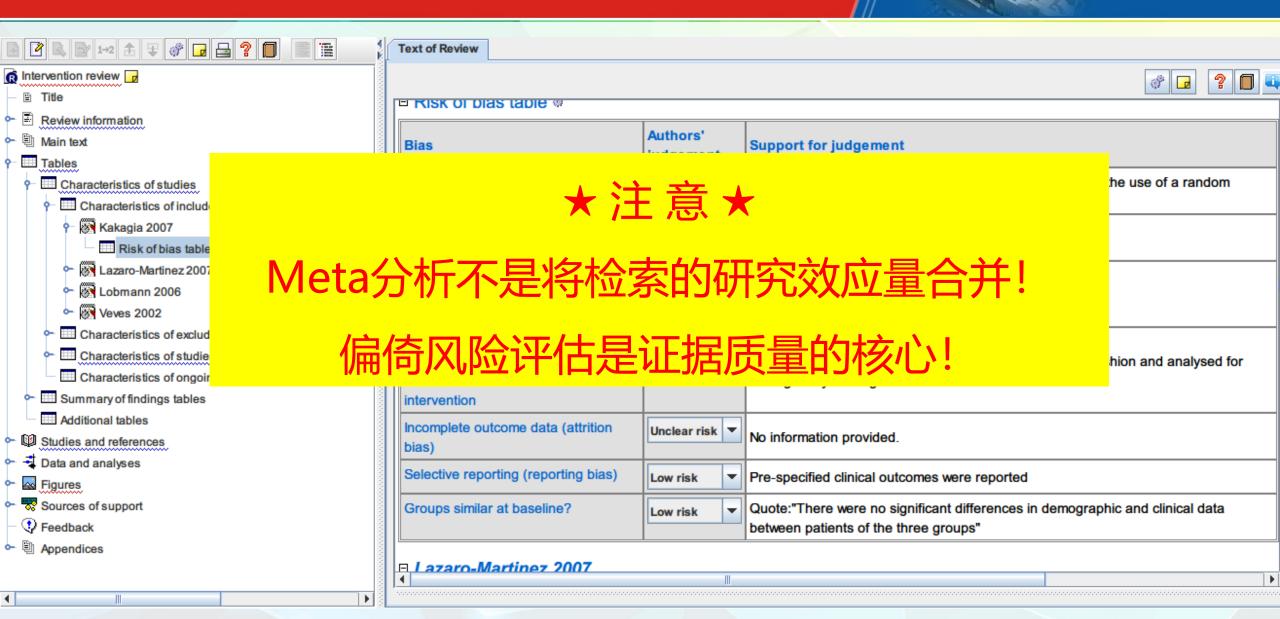
2.2 RevMan软件界面





2.3 偏倚风险评估(步骤五)





2.3 偏倚风险评估——偏倚分类与来源。



偏倚分类	偏倚来源				
选	随机序列生成				
选择性偏倚	分配隐藏				
实施偏倚	对受试者、试验人员实 施盲法				
测量偏倚	对结局评估员施盲				
随访偏倚	结局数据不完整				
报告偏倚	选择性报告结果				
其他偏倚	偏倚的其他来源				

2.3 偏倚风险评估——随机序列生成





□低偏倚风险的判断标准

研究者在序列产生过程中描述了随机方法如:

- 随机数字表
- 计算机产生随机数字
- 拋硬币法
- 洗牌或信封
- 掷骰子
- 抽签法
- 最小化法*

2.3 偏倚风险评估——随机序列生成



□高偏倚风险的判断标准

研究者在序列产生过程中描述了随机方法如:

- 根据生日的奇数或偶数产生
- 由入院日期(或天数)产生
- 由住院或就诊号码产生
- 其他非随机方法较以上这几种系统方法较少见,他们通常包括主观判断或其他一些非随机分组方法,如:
 - ✔ 根据临床医师的判断分配
 - ✓ 根据病人意愿分配
 - ✓ 基于实验室结果或一系列检查结果分配
 - ✔ 根据干预措施的有效性分配

2.4 偏倚风险评估——分配隐藏



低风险偏倚判断标准

- □ 中心分配 (包括电话、网站和药房控制随机)
- □外形相同且有序的药物容器
- □有序的、不透光的密封信封

- □ 运用开放性随机分配表 (如随机数字表)
- □ 信封缺乏恰当的保护 (即信封不是密封的,或不是有序的,或是透明的)
- □ 交替或轮流分配
- □出生日期
- □病例号
- □ 其他明确不能隐藏的方法



低风险偏倚判断标准

- □ 无盲法或盲法不完善,但系统评价员判断 结局不会受到未施盲法的影响
- □对受试者和主要研究人员实施盲法,且盲 法不会被破坏

- □未采用盲法或盲法不完善,结果判断或测 量会受到影响。
- □ 对受试者和主要研究人员实施盲法,但该 盲法可能被破坏

2.6 偏倚风险评估——结果数据不完整



低风险偏倚判断标准

- □无缺失数据
- □ 缺失数据不影响结果分析 (如生存分析缺失值)
- □ 组间缺失的人数和原因相似
- □ 对二分类数据, 缺失数据的比例与观察到的事件相比, 不足以严重影响干预措施效应值
- □ 对于连续性变量数据, 缺失数据的效应值不足 以严重影响观察到的效应值
- □ 采用恰当的方法处理了缺失数据

- □ 组间缺失的人数和原因不平衡
- □ 对于二分类数据,缺失数据的比例与观察到的 事件相比,不足以严重影响干预措施效应值
- □ 对于连续性变量数据,缺失数据的效应值不足 以严重影响观察到的效应值
- □ 采用 "as-treated" 分析,但改变随机分配的 干预措施的人数较多
- □ 不恰当的方法处理缺失数据

2.6 偏倚风险评估——选择性报告



低风险偏倚判断标准

- □有研究计划书,且系统评价均按预定的方 式报告了所有预定的结局指标
- □无研究计划书,但发表的研究报告中所有期望的结局(包括了预定的结局)均已报告,包括那些预先设定的。

- □未报告所有预先指定的主要结局指标
- □报告的一个或多个主要结局指标采用预先未指定的 测量、数据分析方法或数据子集(如子量表)
- □报告的一个或多个主要结局指标未预先设定(除非证实报告它们是必须的,如没有预料到的不良反应)
- □ 系统评价关心的一个或多个结局指标报告不完善, 以致不能纳入行meta分析
- □未报告重要的结局指标

2.6 偏倚风险评估——其他偏倚



低风险偏倚判断标准

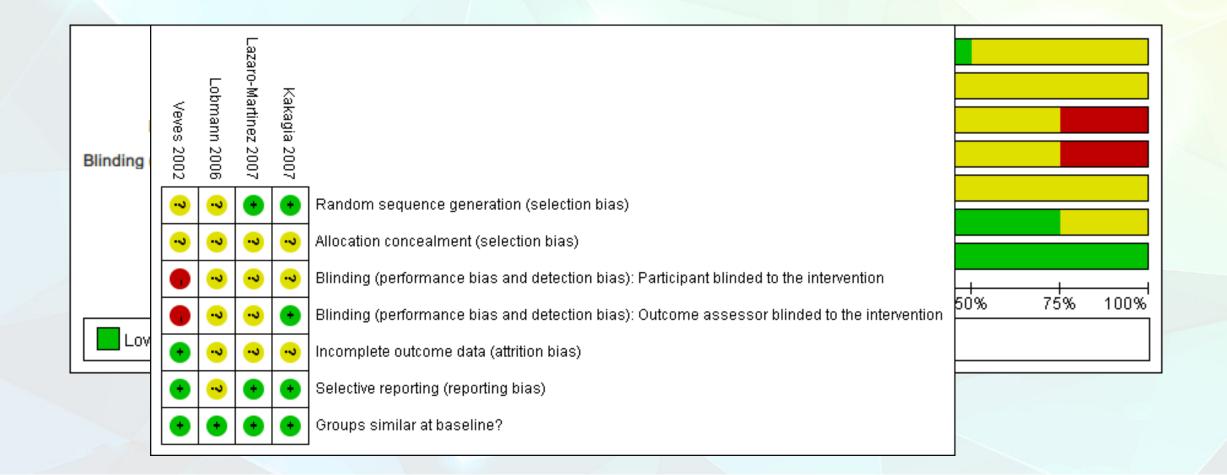
□ 研究无其他偏倚来源

- □至少有一个重要的偏倚风险。如:该研究 有与特殊研究设计有关的潜在偏倚;
- □声明有造假行为
- □ 一些其他问题

2.6 偏倚风险评估——图示



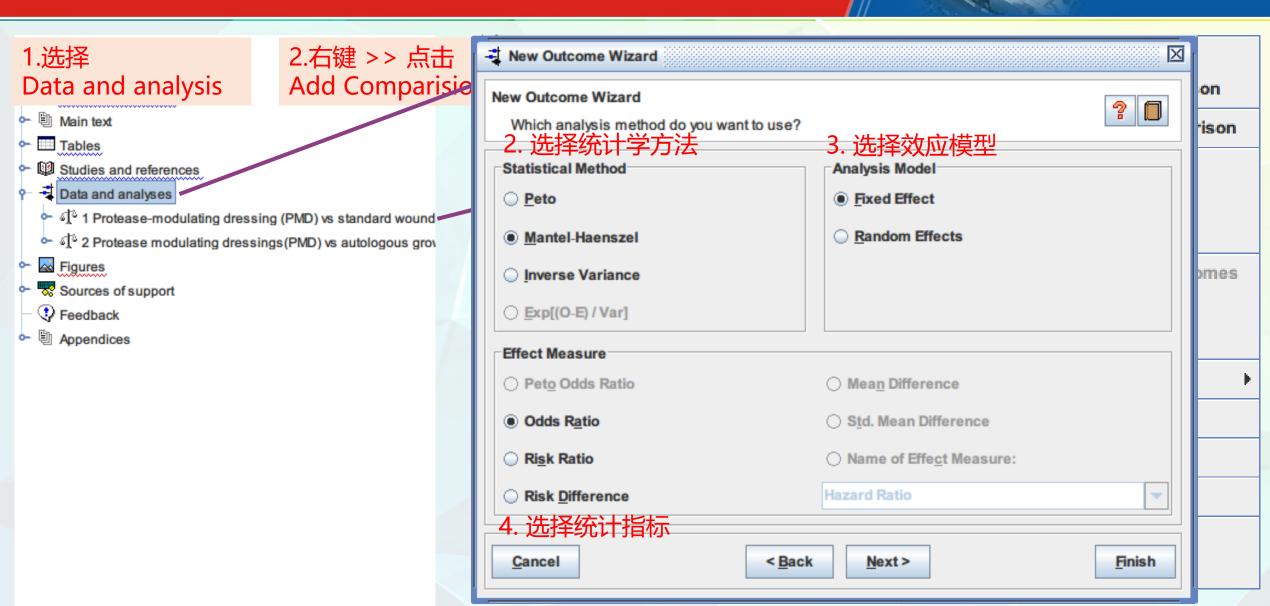
偏倚风险总结图





RevMan操作实践——Meta分析





RevMan中可用的Meta分析方法



二分类结局的Meta分析

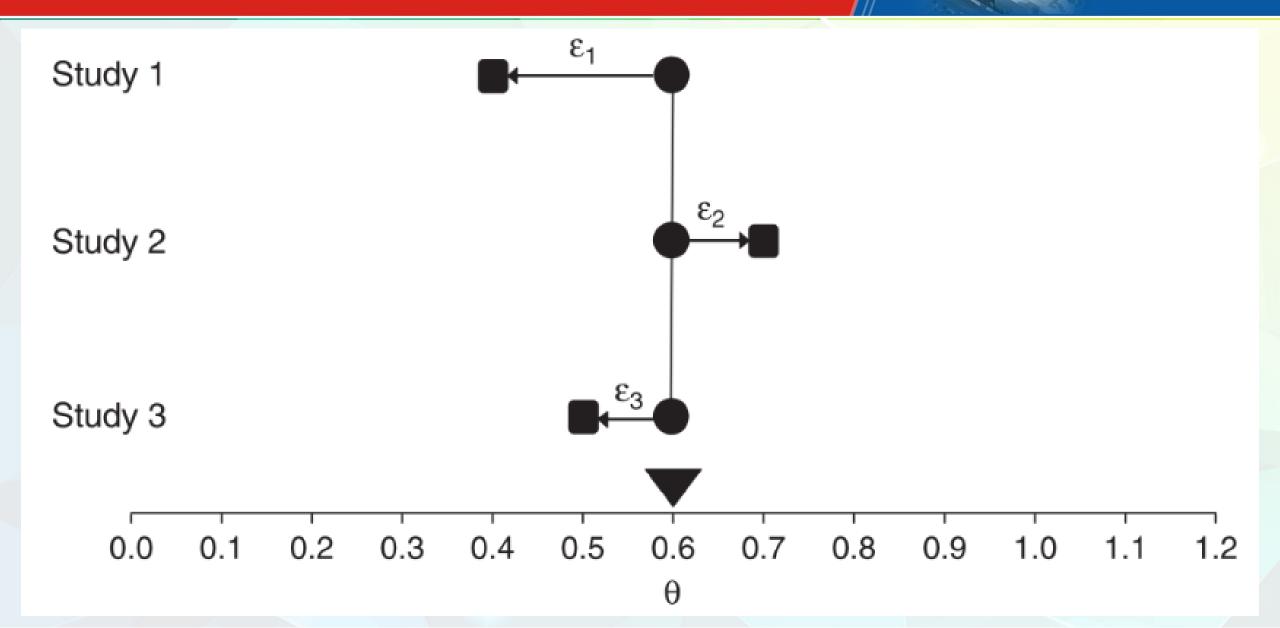
- □固定效应模型
 - Mantel-haenszel
 - 倒方差
 - Peto (仅限合并OR值;小概率,两 组事件数相似)
- □ 随机效应模型
 - Mantel-haenszel
 - 倒方差

连续性结局的Meta分析

- □固定效应模型
 - 倒方差
- □ 随机效应模型

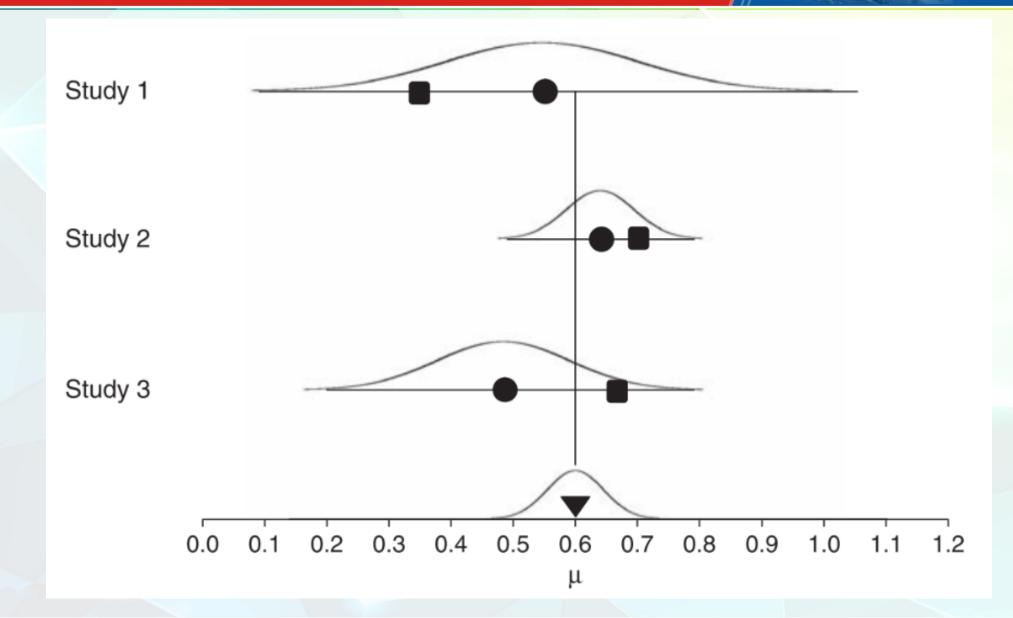
固定效应模型





随机效应模型





RevMan操作实践——Meta分析



分类资料Meta分析

wound care (SWC), Outcome: 1.1 Proportion of ulcers completely healed



Study or Subgroup A	SWC		PMD		Weight	Odds Ratio
Study of Subgroup /	Events	Total	Events	Total	weight	M-H, Fixed, 95% CI
Lazaro-Martinez 2007	24	128	36	128	44.4%	0.59 [0.33, 1.06]
✓ Veves 2002	39	138	51	138	55.6%	0.67 [0.40, 1.12]
						=
Total (95% CI)		266		266	100.0%	0.64 [0.43, 0.93]
Total events	63		87			
Heterogeneity: Chi ² = 0.11, df = 1 (P = 0.74); l ² = 0%						
Test for overall effect: Z = 2.32 (P = 0.02)						
\ 						
连续资料Meta分析					Delete	Outcome

连续贷料Meta分析

complete healing

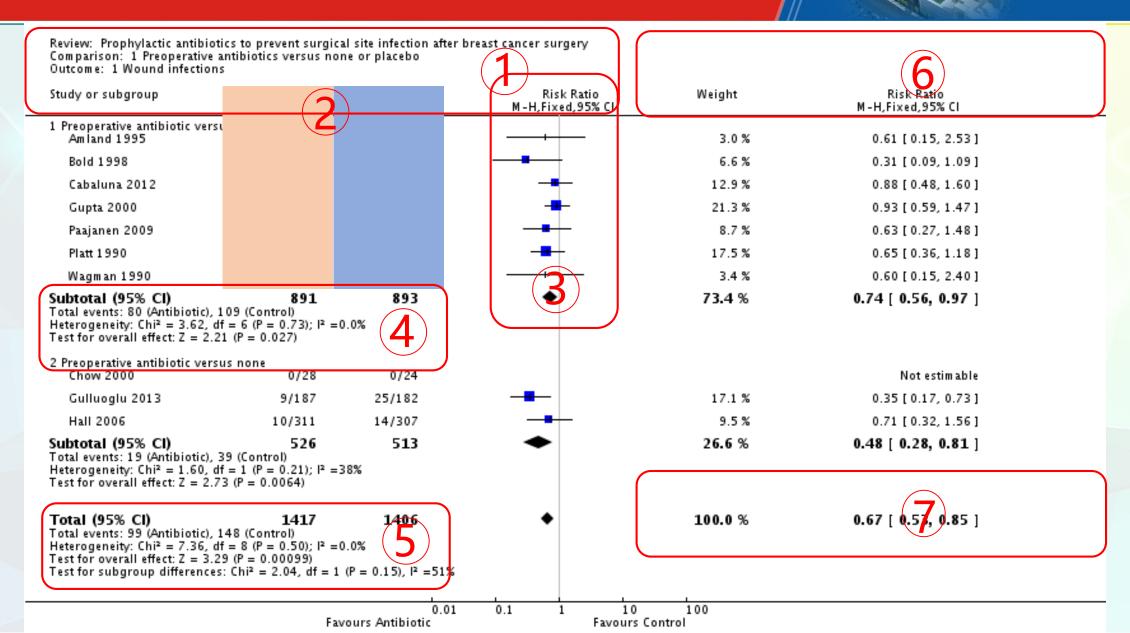
Comparison: 1 Protease-modulating dressing (PMD) vs standard wound care (SWC), Outcome: 1.3 Percentage change in total ulcer area



	Study or Subgroup A	SWC				PMD		Std. Mean Difference	
	Study of Subgroup /	Mean	SD	Total	Mean	SD	Total	IV, Random, 95% CI	
V	Lazaro-Martinez 2007	46.1	27.4	19	26.1	31	19	0.67 [0.01, 1.32]	
V	Lobmann 2006	1.6	21.2	15	16	27.3	18	-0.57 [-1.27, 0.13]	

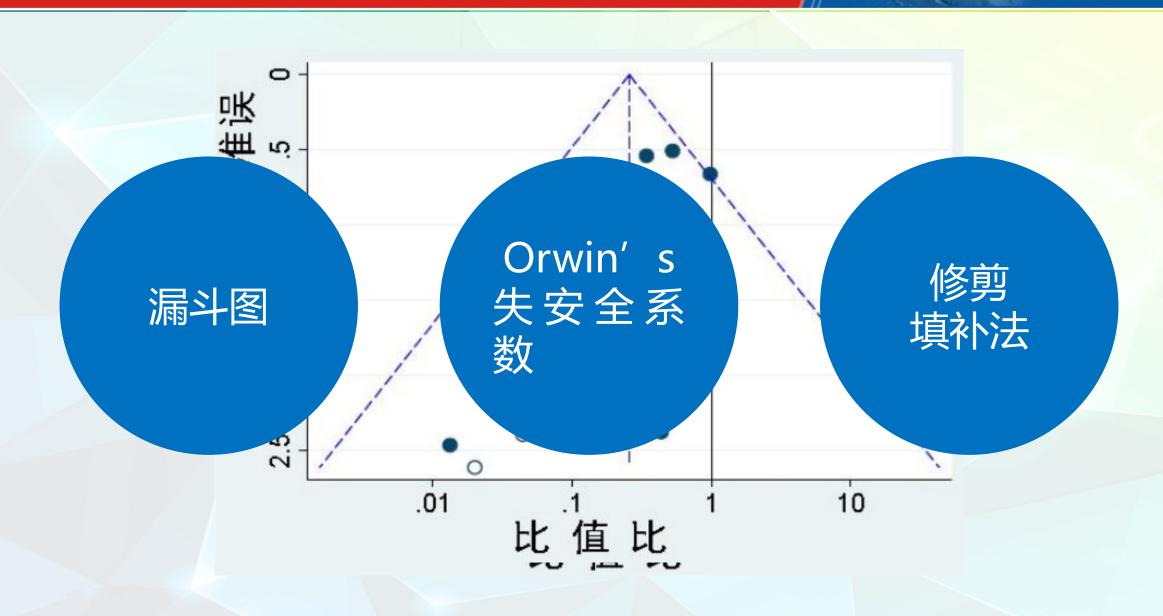
森林图解读





发表偏倚识别





RevMan软件实践——漏斗图



Comparison: 1 Protease-modulating dressing (PMD) vs standard wound care (SWC), Outcome: 1.1 Proportion of ulcers completely healed



	Study or Subgroup A	SWC		PMD		Weight	Risk Ratio	
Study of Subgroup 7	Events	Total	Events	Total	weight	M-H, Random, 95% CI	CI	

异质性分析



临床异质性

- ◎ 患者特征
- ◎ 干预措施
- ◎ 结局

方法学异质性

- ◎ 盲法和分配隐藏
- ◎ 结局定义与测量方法

统计学异质性

● 在不同研究中所评估 的干预效应中的多样 性(I²)



Revman对写作的规范



